



"2015, Año del Generalísimo José María Morelos y Pavón"

Oficio No. 349-B- **032**

México, D.F. a

30 ENE 2015

MTRO. JOSÉ GENARO MONTIEL RANGEL
DIRECTOR GENERAL DE PROGRAMACIÓN,
ORGANIZACIÓN Y PRESUPUESTO DE LA
SECRETARÍA DE SALUD
PRESENTE

Hago referencia a los oficios Nos. DGPOP-8-1494-2014, DGPOP-8-1848-2014, DGPOP-8-2523-2014, DGPOP-8-2561-2014, DGPOP-8-2923-2014, DGPOP-8-2977-2014, DGPOP-8-2978-2014, DGPOP-8-3623-2014, DGPOP-8-4054-2014 y DGPOP-8-4107-2014 del 02 y 28 de mayo, 18 y 22 de julio, 22 y 29 de agosto, 08 de octubre, y 11 y 13 de noviembre de 2014, respectivamente, mediante los cuales se remitieron para autorización de esta Secretaría las propuestas tarifarias de los Institutos Nacionales de Rehabilitación Luis Guillermo Ibarra Ibarra, Salud Pública, Enfermedades Respiratorias Ismael Cosío Villegas, Cancerología, Neurología y Neurocirugía Manuel Velasco Suárez, Medicina Genómica, y Pediatría, Centro Regional de Alta Especialidad de Chiapas, y Hospital General de México "Dr. Eduardo Liceaga".

Considerando que las cuotas de recuperación propuestas por los organismos se fundan en principios de solidaridad social y guardan relación con los ingresos de los usuarios; que con las modificaciones propuestas por los organismos se adecuarán sus tabuladores de cuotas de recuperación a sus necesidades operativas; que los incrementos tarifarios contribuirán en la mayor recuperación del costo de los servicios y en la disminución del rezago inflacionario de las cuotas de recuperación; que mediante oficio No. 316.2014.6118 del 09 de diciembre de 2014 la Secretaría de Economía emitió su opinión sobre las propuestas tarifarias de referencia; y con fundamento en los artículos 31, fracción X de la Ley Orgánica de la Administración Pública Federal, 15, fracción V de la Ley de Planeación, y 38, fracción VI del Reglamento Interior de la Secretaría de Hacienda y Crédito Público vigente, esta Secretaría autoriza a partir del 2 de marzo del año en curso las cuotas de recuperación de los Institutos Nacionales de Rehabilitación Luis Guillermo Ibarra Ibarra, Salud Pública, Enfermedades Respiratorias Ismael Cosío Villegas, Cancerología, Neurología y Neurocirugía Manuel Velasco Suárez, Medicina Genómica, y Pediatría, Centro Regional de Alta Especialidad de Chiapas, y Hospital General de México "Dr. Eduardo Liceaga", de conformidad con los anexos que forman parte integrante de este oficio (Anexo 1, 1 página, Anexo 2, 1 página, Anexo 3, 6 páginas, Anexo 4, 1 página, Anexo 5, 1 página, Anexo 6, 2 páginas, Anexo 7, 6 páginas, Anexo 8, 25 páginas, Anexo 9, 41 páginas, Anexo 10, 29 páginas, y Anexo 11, 1 página).

- 2 -

No omito señalar que las entidades deberán enviar a esta Secretaría las cuotas de recuperación autorizadas que cobrarán, con un mínimo de cinco días hábiles antes de su aplicación, de conformidad con lo establecido en el artículo 26 del Reglamento de la Ley Federal de las Entidades Paraestatales.

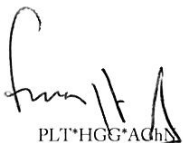
Asimismo, a las cuotas citadas en los anexos se les adicionará el IVA de conformidad con la legislación vigente en la materia.

Sin más por el momento, reciba un cordial saludo.

ATENTAMENTE
EL JEFE DE LA UNIDAD



EDUARDO CAMERO GODÍNEZ



PLT*HGG*AGN

Reg. 142, 170, 208, 214, 217, 243, 252, 253, 293, 320 y 321

c.c.p.- Dr. Miguel Messmacher Linartas.- Subsecretario de Ingresos.- Presente
Dr. Pedro Luna Tovar.- Director General de Política de Ingresos no Tributarios.- Presente.

Oficio No. 349-B-032

ANEXO 7

INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA

TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Departamento	Clave	Denominación del Servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4	Nivel 5	Nivel 6	Nivel 7	Nivel 8
A. SERVICIOS DE INVESTIGACIÓN										
USIP	1	Secuenciación Capilar, por reacción	98	103	108	117	123	127	130	136
USIP	2	Secuenciación Capilar directa, por reacción	173	204	234	288	327	350	366	404
USIP	3	Lectura de fluorescencia capilar, por muestra	26	32	38	49	57	61	64	72
USIP	4	Microsatélites, por muestra	26	36	46	64	77	85	90	103
USIP	5	Cuantificación Ácidos Nucleicos RNasa P, por reacción	112	115	118	123	127	129	131	134
USIP	6	Cuantificación de ácidos nucleicos, fluorímetro, por reacción	24	30	35	46	53	57	60	68
USIP	7	Enriquecimiento exoma, por muestra	6,914	7,359	7,805	8,585	9,142	9,476	9,699	10,256
USIP	8	Elaboración de Biblioteca (AmpliSeq), por pool	2,343	2,373	2,403	2,455	2,493	2,515	2,530	2,567
USIP	9	Elaboración biblioteca IT, por muestra	1,683	1,734	1,784	1,873	1,936	1,974	1,999	2,062
USIP	10	Elaboración biblioteca DNA IL, por muestra	2,064	2,232	2,400	2,693	2,903	3,029	3,113	3,323
USIP	11	Elaboración de Biblioteca RNA IL, por muestra	2,307	2,382	2,458	2,590	2,684	2,741	2,778	2,873
USIP	12	Electroforésis Automatizada por chip, por muestra	64	67	70	76	81	83	85	89
USIP	13	Cuantificación de biblioteca IT, por reacción	105	108	112	118	123	126	127	132
USIP	14	Cuantificación de biblioteca Kappa, por reacción	38	41	45	51	56	59	60	65
USIP	15	Amplificación clonal ePCR, por ensayo	3,393	3,467	3,540	3,669	3,760	3,816	3,852	3,944
USIP	16	Amplificación clonal (lectura sencilla), por línea	9,815	9,949	10,082	10,315	10,482	10,582	10,649	10,816
USIP	17	Amplificación clonal (lectura doble), por línea	17,575	17,656	17,737	17,878	17,979	18,040	18,080	18,181
USIP	18	Secuenciación mediante semiconductor, por chip	2,518	2,727	2,935	3,299	3,560	3,716	3,820	4,080
USIP	19	Semiconductor 314, por chip	7	22	45	84	112	129	140	168
USIP	20	Semiconductor 316, por chip	5	13	27	50	67	77	84	100
USIP	21	Semiconductor 318, por chip	14	42	84	157	209	241	261	314
USIP	22	Secuenciación por síntesis 1x36 bases, por línea	4,862	5,004	5,146	5,394	5,571	5,678	5,749	5,926
USIP	23	Secuenciación por síntesis 2x36 bases, por línea	9,193	10,186	11,178	12,916	14,157	14,901	15,397	16,638
USIP	24	Secuenciación por síntesis 1x72 bases, por línea	9,193	10,442	11,691	13,876	15,438	16,374	16,999	18,560
USIP	25	Secuenciación por síntesis 2x72 bases, por línea	17,855	18,352	18,848	19,717	20,337	20,709	20,957	21,578
USIP	26	Secuenciación por síntesis 1x108 bases, por línea	13,524	18,208	22,891	31,088	36,942	40,455	42,797	48,651
USIP	27	Secuenciación por síntesis 2x108 bases, por línea	26,517	32,727	38,936	49,802	57,563	62,220	65,325	73,086
USIP	28	Secuenciación por síntesis 300 ciclos, por línea	22,257	23,974	25,691	28,696	30,842	32,129	32,988	35,134
USIP	29	Secuenciación por síntesis 500 ciclos, por línea	24,763	26,480	28,197	31,201	33,347	34,635	35,493	37,640
USIP	30	Procesamiento Haloplex, 12 rx	1,428	2,032	2,636	3,694	4,449	4,903	5,205	5,960
USIP	31	Purificación por AmpureBeads, por reacción	33	45	57	77	92	100	106	121
USIP	32	Procesamiento Amplicones >3Kb, por muestra	60	81	102	140	166	182	193	220
UGAE-PI	33	Genotipificación de Alta Capacidad, por muestra	35	151	267	383	498	614	701	788
UGAE-PI	34	Genotipificación por diseño PI, por muestra	62	178	294	410	526	642	728	815
UGAE-PI	35	Metilación, por muestra	80	196	312	427	543	659	746	833
UGAE-PI	36	Expresión PI, por muestra	237	353	469	585	701	816	903	990
UGAE-PI	37	Genotipificación panel PI, por muestra	21	137	253	369	484	600	687	774
UGAE-PI	38	Ligamiento PI, por muestra	363	478	594	710	826	942	1,029	1,115
UGAE-PA	39	Procesamiento / para control de calidad de biomoléculas	62	94	127	159	192	224	248	272
UGAE-PA	40	Procesamiento microarreglo / Genotipificación genoma completo	107	299	492	684	877	1,069	1,213	1,358
UGAE-PA	41	Procesamiento microarreglo / Genotipificación Farmacogenómica	122	315	507	700	892	1,085	1,229	1,373
UGAE-PA	42	Procesamiento microarreglo / Análisis de expresión	162	354	546	739	931	1,124	1,268	1,412
UGAE-PA	43	Procesamiento microarreglo / MicroRNA	44	237	429	622	814	1,006	1,151	1,295
UGAE-PA	44	Procesamiento microarreglo / Citogenética	84	276	468	661	853	1,046	1,190	1,334
UVBM	45	Tinción H&E -1Lam	10	12	13	14	15	16	16	17
UVBM	46	IHQ parafina CON Ab Sec -1 Lam	109	168	227	286	344	380	403	462
UVBM	47	Inmunohistoquímica SIN Ab Sec -1 Lam	72	130	189	248	307	342	366	424
UVBM	48	Corte boque para tinción	11	13	15	17	20	21	22	24
UVBM	49	Corte por congelación	20	76	132	188	244	278	301	357
UVBM	50	Inclusión de tejido en parafina	14	40	66	92	118	134	144	170
UVBM	51	Inmunofluorescencia SIN Ab-sec	81	94	106	118	131	138	143	156

Oficio No. 349-B- **032**

ANEXO 7

INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA

TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Departamento	Clave	Denominación del Servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4	Nivel 5	Nivel 6	Nivel 7	Nivel 8
UVBM	52	Inmunofluorescencia CON Ab-sec	89	102	114	127	139	147	152	164
UVBM	53	Laminilla extra para Microdissección Láser	121	121	121	121	122	122	122	122
UVBM	54	Microfotografía campo claro-cualitativa (1 imagen)	2	20	41	61	81	94	102	122
UVBM	55	Microarreglo de Tejidos TMA, por laminilla o microarreglo	16	428	841	1,253	1,666	1,913	2,078	2,491
UVBM	56	Microdissección Láser, por muestra	547	1,179	1,810	2,442	3,073	3,452	3,705	4,337
UVBM	57	Procesamiento de Tejidos	15	94	173	252	331	378	410	489
UVBM	58	Microscopía Confocal (uso por hora)	50	136	273	409	545	627	681	818
UVBM	59	Desparafinación	79	96	114	131	148	159	166	183
UVBM	60	T. Masson	13	25	37	50	62	69	74	86
UVBM	61	T. Perls	8	18	29	39	49	55	59	69
UVBM	62	T.PAS	8	19	30	40	51	58	62	73
UVBM	63	T.Reticulo	44	59	74	90	105	114	120	135
UVBM	64	T. Azul Alciano	9	19	30	41	52	58	63	74
UVBM	65	Tin Esp DAPI	20	44	69	93	117	131	141	165
UVBM	66	Tin Esp Texas red Faloidina	43	67	91	115	139	154	163	188
UVBM	67	Tin Esp Alexa 488 Faloidina	43	68	92	116	140	154	164	188
UVBM	68	Tin Esp Mitotracker red	46	70	94	118	142	157	167	191
UVBM	69	Tin Esp Naranja Acridina	20	44	68	92	116	131	141	165
UVBM	70	T.Luxol Fast Blue	10	23	36	48	61	69	74	87
UVBM	71	Microscopía de Fluorescencia (uso por hora)	30	76	152	228	304	350	380	457
UVBM	72	Corte bloque para IHQ e IF	15	17	19	21	23	24	25	27
UPM	73	Gel 1D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor)	309	458	608	758	909	999	1,059	1,209
UPM	74	Gel 1D 7cm Coomassie (sin BE) (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor; no incluye buffer de extracción para 2D)	212	363	513	663	813	904	964	1,114
UPM	75	Lowry modificado (1x duplicado) (cantidad: 1 muestra más una réplica)	38	274	511	747	983	1,124	1,219	1,455
UPM	76	2D Quant kit (1 muestra x dup)(cantidad: una muestra más una réplica)	222	458	695	931	1,167	1,309	1,403	1,639
UPM	77	Limpieza de muestras para 2D (cantidad: 1 muestra de 100uL con máximo 500ug proteína)	147	226	307	387	468	516	548	629
UPM	78	Depleción de Albúmina-IgGs (cantidad: 1 muestra de 150ul de suero, plasma o extracto proteico de biopsia)	587	767	947	1,127	1,307	1,415	1,487	1,667
UPM	79	IEF 7cm pH 3-10 (cantidad: 1 tira; una muestra)	369	580	792	1,005	1,217	1,344	1,429	1,642
UPM	80	IEF 7 cm pH 3-10NL, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	369	580	792	1,005	1,217	1,344	1,429	1,642
UPM	81	IEF 18 cm pH 3-10NL (cantidad: 1 tira; una muestra)	429	641	853	1,065	1,278	1,405	1,490	1,702
UPM	82	IEF 24 cm pH 3-10, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	493	705	917	1,129	1,342	1,469	1,554	1,766
UPM	83	Gel 2D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)	735	2,500	3,000	4,000				
UPM	84	Gel 2D 7cm Oriole (cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)	979	2,500	3,000	4,000				
UPM	85	Gel 2D 7cm Sypro (cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)	1,130	3,500	4,000	4,500				
UPM	86	Gel 2D 13cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 13x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	1,534	3,000	3,500	4,500				
UPM	87	Gel 2D 13cm Oriole (cantidad: 1 gel de 13x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	2,263	3,300	3,500	4,500				
UPM	88	Gel 2D 13cm Sypro (cantidad: 1 gel de 13x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	3,113	4,100	4,600	5,000				
UPM	89	Gel 2D 18cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	1,534	3,500	4,000	4,500				

Oficio No. 349-B- 032

ANEXO 7

INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA

TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Departamento	Clave	Denominación del Servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4	Nivel 5	Nivel 6	Nivel 7	Nivel 8
UPM	90	Gel 2D 18cm Oriole (cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	2,312	3,500	4,000	4,500				
UPM	91	Gel 2D 18cm Sypro (cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	3,119	4,500	5,000	5,500				
UPM	92	Gel 2D 24cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra)	2,195	4,000	4,500	5,000				
UPM	93	Gel 2D 24cm Oriole (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra)	2,700	4,000	4,500	5,000				
UPM	94	Gel 2D 24cm Sypro (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra)	3,911	5,000	5,500	6,000				
UPM	95	Análisis de geles 2D (cantidad: 2 condiciones experimentales con 3 imágenes de geles cada una)	7,000	8,000	9,000	10,000	11,000	12,000	13,000	
UPM	96	DIGE: 2D 24cm CyDye Min (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor)	5,666	14,000	15,000	18,000				
UPM	97	DIGE: 2D 24cm CyDye Sat (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor)	2,763	11,000	12,000	16,000				
UPM	98	Análisis de geles DIGE (cantidad: 2 geles)	7,000	8,000	9,000	10,000	11,000	12,000	13,000	
UPM	99	Spot handling workstation (cantidad: a partir de 48 spots y hasta 96)	2,905	4,800	6,800	8,800				
UPM	100	LC Tandem MS (banda gel 1D) (cantidad: 1 banda de gel 1D 2mm3; máximo 10 proteínas/ muestra)	1,449	6,300	6,500	7,290				
UPM	101	Identificación de proteínas por MS/MS 1D (cantidad: 1 banda de gel 1D 2mm3)	580	1,176	1,772	2,368	2,964	3,321	3,560	4,156
UPM	102	Identificación de proteínas MSMS 2D (cantidad: 1 spot de gel 2D teñido con coomassie)	711	1,200	1,700	3,000				
UPM	103	MS péptidos y polímeros (cantidad: 1 muestra)	451	897	1,343	1,789	2,236	2,503	2,682	3,128
UPM	104	Determinación de masa proteínas (cantidad: 1 muestra)	328	708	1,088	1,468	1,848	2,076	2,227	2,607
UPM	105	Inhibidores de Proteasas (ml)	60	60	60	60	60	60	60	60
UCF	106	Análisis Inmunofenotipos por hora	82	169	257	345	433	521	587	653
UCF	107	Separación Celular inicialización	256	269	281	294	307	332	358	384
UCF	108	Separación Celular por hora de procesamiento	80	170	260	350	441	531	598	666
UCF	109	Uso reactivo / DNA QC PARTICLES (1 test)	309	324	340	355	371	401	432	463
UCF	110	Uso reactivo / CYCLETEST PLUS DNA REAGENT KIT (1 test)	116	122	128	134	139	151	163	174
UCF	111	Procesamiento de tejido para ciclo celular (1 muestra 50 um de espesor)	174	221	269	317	364	412	448	483
B. SERVICIOS CLÍNICOS										
LDG	112	HID12 a 5 uL sin kit de toma de muestra = PERFIL GENÉTICO DE STR 12 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS	3,543	3,593	3,643	3,693	8,000	10,800	11,000	11,500
LDG	113	Procesamiento HID12 a 5 uL sin kit de toma de muestra = PERFIL GENÉTICO DE STR 12 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS	84	92	184	233	4,540	7,340	7,540	8,040
LDG	114	HID4 = PERFIL GENÉTICO DE STR 4 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS	1,416	4,500	4,500	4,500	4,500	5,000	5,800	6,400
LDG	115	HID3 = PERFIL GENÉTICO DE STR 3 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS	1,278	3,270	3,270	3,270	3,270	3,400	3,900	4,500
LDG	116	HID2 = PERFIL GENÉTICO DE STR 2 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS	1,114	2,950	2,950	2,950	2,950	3,050	3,360	3,900
LDG	117	HID1 = PERFIL GENÉTICO DE STR 1 MUESTRA Y/O INDIVIDUO	780	1,840	1,840	1,840	1,840	2,116	2,700	3,000
LDG	118	Resultados Adicionales de una Prueba de Perfil Genético	34	41	51	61	68	418	718	968
LDG	119	Paternidad / Reposición de Material para Prueba de Paternidad sin hisopos	155	155	155	155	155	155	155	155
LDG	120	Paternidad / Hisopos (por pieza)	38	38	38	38	38	38	38	38
LDG	121	Quimerismo / Pretrasplante Procesamiento	49	135	220	305	1,707	2,261	2,625	2,885

Oficio No. 349-B- 032

ANEXO 7

INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA

TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Departamento	Clave	Denominación del Servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4	Nivel 5	Nivel 6	Nivel 7	Nivel 8
LDG	122	Quimerismo / Pretrasplante	1,357	1,442	1,527	1,612	2,895	3,535	3,900	4,200
LDG	123	Quimerismo / Postrasplante Procesamiento	50	135	220	305	1,707	2,261	2,625	2,885
LDG	124	Quimerismo / Postrasplante	1,148	1,233	1,318	1,403	2,790	3,000	3,250	3,500
LDG	125	Farmacogenómica / Sólo análisis 1 SNP 88 muestras procesamiento	11	32	54	76	401	4,401	4,901	5,401
LDG	126	Farmacogenómica / Sólo análisis 1 SNP 88 muestras	1,789	1,810	1,832	1,854	2,116	6,116	6,616	7,116
LDG	127	Farmacogenómica / Sólo análisis 8 SNP 4 muestras procesamiento	15	37	59	81	404	639	795	1,187
LDG	128	Farmacogenómica / Sólo análisis 8 SNP 4 muestras	1,628	1,649	1,671	1,693	1,988	2,223	2,379	2,771
LDG	129	Farmacogenómica / Soló análisis 4 SNP 16 muestras Procesamiento	13	35	56	78	402	1,341	1,967	2,402
LDG	130	Farmacogenómica / Sólo análisis 4 SNP 16 muestras	1,582	1,603	1,625	1,647	1,952	2,891	3,517	3,952
LDG	131	Farmacogenómica / Procesamiento 1 SNP	10	32	53	75	401	781	1,081	1,381
LDG	132	Farmacogenómica / 1 SNP	451	473	495	517	820	1,200	1,500	1,800
LDG	133	Farmacogenómica / Procesamiento 2 SNP	10	32	53	75	401	736	1,036	1,336
LDG	134	Farmacogenómica / 2 SNPs	600	622	644	666	687	1,300	1,600	1,900
LDG	135	Farmacogenómica / Procesamiento 3 SNP	10	32	53	75	97	661	961	1,261
LDG	136	Farmacogenómica / 3 SNPs	749	771	793	814	850	1,400	1,700	2,000
LDG	137	Farmacogenómica / Procesamiento 4 SNP	10	32	53	75	97	612	912	1,212
LDG	138	Farmacogenómica / 4 SNPs	898	920	941	963	950	1,500	1,800	2,100
LDG	139	Farmacogenómica / Procesamiento 5 SNP	10	32	53	75	97	563	863	1,163
LDG	140	Farmacogenómica / 5 SNPs	1,046	1,068	1,090	1,112	1,150	1,600	1,900	2,200
LDG	141	Farmacogenómica / Procesamiento 6 SNP	10	32	53	75	97	514	814	1,114
LDG	142	Farmacogenómica / 6 SNPs	1,195	1,217	1,239	1,261	1,283	1,700	2,000	2,300
LDG	143	Farmacogenómica / Procesamiento 7 SNP	10	36	62	88	115	685	785	885
LDG	144	Farmacogenómica / 7 SNPs	1,525	1,551	1,578	1,604	1,630	2,200	2,300	2,400
LDG	145	Farmacogenómica / Procesamiento 8 SNP	10	36	62	88	115	636	736	836
LDG	146	Farmacogenómica / 8 SNPs	1,674	1,700	1,726	1,753	1,779	2,300	2,400	2,500
LDG	147	Farmacogenómica / Procesamiento 9 SNP	10	36	62	88	115	587	787	887
LDG	148	Farmacogenómica / 9 SNPs	1,823	1,849	1,875	1,901	1,923	2,400	2,600	2,700
LDG	149	Farmacogenómica / Procesamiento 10 SNP	10	36	62	88	115	538	738	838
LDG	150	Farmacogenómica / 10 SNPs	1,972	1,998	2,024	2,050	2,076	2,500	2,700	2,800
LDG	151	Farmacogenómica / Procesamiento 11 SNP	10	36	62	88	115	538	738	838
LDG	152	Farmacogenómica / 11 SNPs	2,235	2,261	2,287	2,313	2,340	2,700	2,900	3,000
LDG	153	Farmacogenómica / Procesamiento 12 SNP	10	36	62	88	115	538	738	838
LDG	154	Farmacogenómica / 12 SNPs	2,384	2,410	2,437	2,463	2,489	2,800	3,000	3,100
LDG	155	Panel de Sensibilidad a / Procesamiento Acenocumarol	10	32	53	75	97	1,565	1,765	2,065
LDG	156	Panel de Sensibilidad a / Acenocumarol	945	967	989	1,010	1,032	2,500	2,700	3,000
LDG	157	Panel de Sensibilidad a / Procesamiento Warfarina	10	32	53	75	97	1,565	1,765	2,065
LDG	158	Panel de Sensibilidad a / Warfarina	945	967	989	1,010	1,032	2,500	2,700	3,000
LDG	159	Procesamiento Panel de Genotipificación de CYP2C19	10	32	53	75	97	1,737	1,937	2,237
LDG	160	Panel de Genotipificación de CYP2C19	772	794	816	838	860	2,500	2,700	3,000
LDG	161	Extracción DNA, sangre capa leucoplaquetaria, líquidos biológico, plasma y suero	117	130	143	156	169	420	473	525
LDG	162	Procesamiento Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	22	31	39	48	57	62	65	74
LDG	163	Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	290	299	307	316	325	420	473	525
LDG	164	Procesamiento Extracción DNA con tratamiento de RNase A	9	18	27	36	44	50	53	62
LDG	165	Extracción DNA con tratamiento de RNase A	176	185	194	203	211	420	473	525
LDG	166	Procesamiento Cuantificación DNA en tiempo real	11	76	141	205	270	309	335	400
LDG	167	Cuantificación DNA en tiempo real	555	620	685	750	815	854	880	945

Oficio No. 349-B- **032**

ANEXO 7

INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA

TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Departamento	Clave	Denominación del Servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4	Nivel 5	Nivel 6	Nivel 7	Nivel 8
LDG	168	Procesamiento Genotipificación por MLPA de alta eficiencia	87	165	243	321	398	1,604	1,679	1,879
LDG	169	Genotipificación por MLPA de alta eficiencia	1,358	1,436	1,514	1,592	2,750	2,875	2,950	3,150
LDG	170	Procesamiento Genotipificación por MLPA de alta eficiencia de 2 mix	128	206	284	362	580	705	780	980
LDG	171	Genotipificación por MLPA de alta eficiencia de 2 mix	2,398	2,476	2,554	2,632	2,850	2,975	3,050	3,250
LDG	172	Procesamiento Genotipificación por MLPA Original	87	165	243	321	398	1,031	1,455	1,561
LDG	173	Genotipificación por MLPA Original	2,236	2,314	2,391	2,469	2,547	3,180	3,604	3,710
LDG	174	Procesamiento Genotipificación por MLPA Original de 2 mix	128	206	284	362	439	486	517	595
LDG	175	Genotipificación por MLPA Original de 2 mix	4,140	4,218	4,296	4,374	4,451	4,498	4,529	4,607
LDG	176	Procesamiento 10 Análisis de Fragmentos	69	107	146	184	844	1,259	1,559	1,759
LDG	177	10 Análisis de Fragmentos	610	648	686	724	1,385	1,800	2,100	2,300
LDG	178	Procesamiento Análisis de Fragmentos	40	79	117	155	193	1,185	1,503	1,715
LDG	179	Análisis de Fragmentos	446	484	522	561	1,244	1,590	1,908	2,120
LDG	180	Procesamiento 10 Secuenciaciones	50	94	138	183	227	1,035	1,353	1,565
LDG	181	10 Secuenciaciones	1,700	1,745	1,789	1,833	1,878	2,686	3,004	3,216
LDG	182	Procesamiento Genotipificación por secuenciación	44	88	132	177	221	248	265	310
LDG	183	Genotipificación por secuenciación	928	973	1,017	1,061	1,106	2,120	2,544	2,650
LDG	184	Prueba de secuenciación clínica tipo sanger 5 amplicones	4,578	4,656	4,733	4,811	4,888	4,935	4,966	5,043
LDG	185	Prueba de secuenciación clínica tipo sanger 10 amplicones	8,032	8,159	8,286	8,413	8,541	8,617	8,668	8,795
LDG	186	Prueba de secuenciación clínica tipo sanger 15 amplicones	8,246	8,423	8,601	8,778	8,955	9,061	9,132	9,309
LDG	187	Prueba de secuenciación clínica tipo sanger 20 amplicones	15,749	15,986	16,223	16,460	16,697	16,839	16,934	17,171
LDG	188	Prueba de secuenciación clínica tipo sanger 25 amplicones	19,064	19,326	19,588	19,850	20,112	20,269	20,374	20,636
LDG	189	Prueba de secuenciación clínica tipo sanger 35 amplicones	26,746	27,117	27,489	27,861	28,233	28,456	28,605	28,977
LDG	190	Prueba de secuenciación clínica tipo sanger 45 amplicones	33,090	33,562	34,033	34,505	34,976	35,259	35,447	35,919
LDG	191	Prueba de secuenciación clínica tipo sanger 55 amplicones	41,199	41,781	42,362	42,943	43,525	43,873	44,106	44,687
LDG	192	Prueba de secuenciación clínica tipo sanger 65 amplicones	47,384	48,040	48,696	49,352	50,008	50,401	50,664	51,320
LDG	193	Prueba de alta eficiencia para identificar mutaciones y variantes en el gen regulador de la conductancia transmembrana de FQ	3,516	3,564	3,612	3,660	3,708	3,737	3,756	3,804
LDG	194	Prueba para identificar mutaciones y variantes en el gen regulador de la conductancia transmembrana de FQ	6,473	6,521	6,569	6,617	6,665	6,694	6,713	6,761
LDG	195	Determinación de alta eficiencia de la expansión de CGG asociado a retraso mental	3,295	3,344	3,394	3,444	3,494	3,523	3,543	3,593
LDG	196	Determinación de la expansión de CGG asociado a retraso mental	5,330	5,379	5,429	5,479	5,528	5,558	5,578	5,628
LDG	197	Escrutinio de alta eficiencia del trinucleótido CGG asociado a retraso mental	3,134	3,178	3,222	3,267	3,311	3,337	3,355	3,399
LDG	198	Escrutinio del trinucleótido CGG asociado a retraso mental	5,019	5,064	5,108	5,152	5,196	5,223	5,240	5,285
LDG	199	Detección de Micoplasma en cultivo celulares	282	305	327	349	450	500	550	600
LDG	200	Análisis de PCR en tiempo real para placas de 96 pozos, 96 pozos tipo fast y 384 pozos	9	51	94	137	181	200	225	400
LDG	201	Análisis de PCR en tiempo real para placas TLDA	12	55	98	141	185	220	250	450
LDG	202	Análisis de PCR punto final	9	10	12	14	80	95	103	121



Oficio No. 349-B- **032**

ANEXO 7

INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA

TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Departamento	Clave	Denominación del Servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4	Nivel 5	Nivel 6	Nivel 7	Nivel 8
LDG	203	Análisis de PCR punto final discriminación alélica en ViiA7	9	10	12	14	80	95	103	121
LDG	204	Electroforesis Capilar para HID	324	344	366	388	410	424	432	454
C. SERVICIOS DE CONSULTORÍA										
DI	205	Senior Científica, por hora								2,000
DVDI	206	Senior de Negocios, por hora								1,500
DVDI	207	Senior de Propiedad Intelectual, por hora								1,500
DI	208	Junior Científica, por hora								1,000
DVDI	209	Junior de Negocio, por hora								700
DVDI	210	Junior de Propiedad Intelectual, por hora								700
D. SERVICIOS DE ENSEÑANZA										
DED	211	Cursos Presenciales de 5 a 15 horas (Cuota por Alumno)	300	350	400					
DED	212	Cursos Presenciales de 16 a 47 horas (Cuota por Alumno)	300	500	800					
DED	213	Cursos Presenciales de 48 horas (Cuota por Alumno)	910	1,000	1,100					
DED	214	Eventos (Actividad Académica)	350	400	500					
DED	215	Cursos Presenciales de 48 horas (Cuota por Alumno)	730	800	880					
CID	216	Recuperación de artículos de revistas suscritas por el CID	2	2	2	2	2	2	2	2
CID	217	Impresión de Información (por página)	2	2	2	2	2	2	2	2
CID	218	Fotocopiado (por página)	0.50	0.50	0.50	0.50	0.50	0.50	0.50	0.50