

**Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios**

Oficio No. 349-B-374

Ciudad de México, a 19 de diciembre de 2022

**MTRO. FRANCISCO MARTÍNEZ MARTÍNEZ
DIRECTOR GENERAL DE PROGRAMACIÓN Y PRESUPUESTO
UNIDAD DE ADMINISTRACIÓN Y FINANZAS
SECRETARÍA DE SALUD
P R E S E N T E**

Hago referencia a sus oficios Nos. DGPyP-923-2022 y DGPyP-1531-2022 del 21 de junio y 01 de septiembre del presente año, mediante los cuales remitió para autorización de esta Dependencia, las propuestas para modificar los Tabuladores de Cuotas de Recuperación del Instituto Nacional de Medicina Genómica y del Hospital Regional de Alta Especialidad de Oaxaca, respectivamente.

Considerando que las propuestas tarifarias fueron revisadas y analizadas por esta Secretaría; que el incremento tarifario contribuirá a recuperar el rezago inflacionario de las cuotas de recuperación; que los órganos de gobierno autorizaron a las entidades a presentar la modificación de sus Tabuladores de Cuotas de Recuperación ante esta Secretaría; que con las modificaciones propuestas por los organismos se adecuarán sus tabuladores a sus necesidades operativas; que con oficios Nos. 192.2022.003103 y 192.2022.003165 del 06 de diciembre del presente año, la Secretaría de Economía manifestó no tener inconveniente en que se autoricen las propuestas tarifarias de referencia; y con fundamento en los artículos 31, fracción X de la Ley Orgánica de la Administración Pública Federal; 15, fracción V de la Ley de Planeación; y 38, fracción VI del Reglamento Interior de la Secretaría de Hacienda y Crédito Público vigente; esta Secretaría autoriza a partir del 02 de enero de 2023 los Tabuladores de Cuotas de Recuperación del Instituto Nacional de Medicina Genómica y del Hospital Regional de Alta Especialidad de Oaxaca, de conformidad con los anexos que forman parte integrante de este oficio (Anexo 1, 15 páginas, y Anexo 2, 48 páginas).

**Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios**

Oficio No. 349-B-374

-2-

No omito señalar que las entidades deberán informar a esta Secretaría la aplicación de las cuotas de recuperación autorizadas que cobrarán, con cinco días hábiles de anticipación de conformidad con lo establecido en el artículo 26 del Reglamento de la Ley Federal de las Entidades Paraestatales.

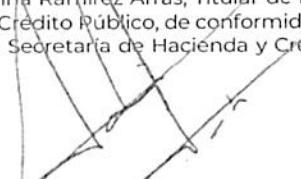
Asimismo, a las cuotas de recuperación citadas en los anexos se les adicionará el Impuesto al Valor Agregado (IVA) de conformidad con la legislación vigente en la materia.

Finalmente, la presente autorización se realiza con base en la información proporcionada por los organismos sin que esta Unidad Administrativa prejuzgue sobre la pertinencia, oportunidad, veracidad y alcance de la misma.

Sin más por el momento, aprovecho la ocasión para enviarle un cordial saludo.

ATENTAMENTE

En suplencia por ausencia de la Mtra. Karina Ramírez Arras, Titular de la Unidad de Política de Ingresos no Tributarios de la Secretaría de Hacienda y Crédito Público, de conformidad con el párrafo décimo noveno del artículo 105 del Reglamento Interior de la Secretaría de Hacienda y Crédito Público, el Director General de Política de Ingresos no Tributarios.



ADÁN ENRIQUE GARCÍA RAMOS

C.c.p.- Mtra. Karina Ramírez Arras. Jefa de la Unidad de Política de Ingresos no Tributarios.- Para su conocimiento



FIRACIN

Reg. EUPINT22-363 y 519



Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Dept. Clave del	Dept.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
A. SERVICIOS DE INVESTIGACIÓN						
Usec 1	Secuenciación capilar, por reacción	197	246	295	344	
Usec 2	Secuenciación capilar directa, por reacción	310	387	465	542	
Usec 3	Lectura de fluorescencia capilar, por reacción	77	96	115	135	
Usec 4	Microsatélites, por reacción	94	118	141	165	
Usec 5	Cuantificación ácidos nucleicos RNasa P, por reacción	172	215	258	302	
Usec 6	Cuantificación de ácidos nucleicos (fluorímetro), por reacción	75	94	113	132	
Usec 7	Enriquecimiento exoma, por muestra	10,772	13,465	16,158	18,851	
Usec 8	Elaboración de biblioteca (AmpliSeq), por pool	5,609	7,011	8,413	9,815	
Usec 9	Elaboración biblioteca IT, por muestra	5,079	6,348	7,618	8,888	
Usec 10	Elaboración biblioteca DNA Pane	1,072	1,340	1,608	1,875	
Usec 11	Elaboración biblioteca DNA Nano	1,804	2,255	2,706	3,157	
Usec 12	Elaboración biblioteca DNA Exom	2,688	3,360	4,032	4,703	
Usec 13	Elaboración biblioteca DNA Next	2,253	2,817	3,380	3,943	
Usec 14	Elaboración biblioteca RNA Tot	4,444	5,555	6,666	7,777	
Usec 15	Elaboración biblioteca mRNA	2,706	3,383	4,059	4,736	
Usec 16	Elaboración biblioteca smallRNA	4,575	5,718	6,862	8,006	
Usec 17	Elaboración biblioteca SCx4	40,811	51,014	61,217	71,420	
Usec 18	Electroforesis automatizada por chip (Control de calidad biomoléculas)	148	185	222	259	
Usec 19	Cuantificación de biblioteca IT, por reacción	178	223	267	312	
Usec 20	Cuantificación de biblioteca Kappa, por reacción	81	102	122	143	
Usec 21	Amplificación clonal mediante ePCR, por ensayo	6,484	8,105	9,726	11,347	
Usec 22	Secuenciación mediante semiconductor, por chip	4,061	5,076	6,092	7,107	
Usec 23	Procesamiento Semiconductor 314, por chip	1,159	1,448	1,738	2,028	
Usec 24	Procesamiento Semiconductor 316, por chip	662	828	993	1,159	
Usec 25	Procesamiento Semiconductor 318, por chip	927	1,159	1,391	1,622	
Usec 26	Procesamiento Haloplex, 12 rnx	7,065	8,831	10,597	12,364	
Usec 27	Purificación por AmpureBeads, por reacción	162	202	242	283	
Usec 28	Procesamiento Amplicones std	209	261	313	365	
Usec 29	Procesamiento Amplicones index	305	381	457	533	
Usec 30	Cargado NextSeq, por chip	3,511	4,388	5,266	6,143	
Usec 31	Cargado MiSeq, por chip	2,843	3,554	4,265	4,976	
Usec 32	Secuenciación por síntesis NextSeq 76 Ciclos HO	54,252	67,815	81,378	94,941	
Usec 33	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos MO	44,938	56,172	67,407	78,641	
Usec 34	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos HO	109,547	136,933	164,320	191,706	

Palacio Nacional, Moneda No. 1, Tercer Patio Mariano, 4º piso, Colonia Centro, Alcaldía Cuauhtémoc, C.P. 06060 Ciudad de México,
Tel.: 55 36 88 11 00, www.gob.mx/shcp



Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
Usec	35	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos MO	66,425	83,031	99,637	116,244
Usec	36	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos HO	158,536	198,170	237,804	277,438
Usec	37	Secuenciación por síntesis Mins 300 MO	22,186	27,732	33,278	38,825
Usec	38	Secuenciación por síntesis Mins 76 HO	29,674	37,092	44,511	51,929
Usec	39	Secuenciación por síntesis Mins 150 HO	33,547	41,934	50,321	58,707
Usec	40	Secuenciación por síntesis Mins 300 HO	57,925	72,407	86,888	101,369
Usec	41	Secuenciación por síntesis MiSeq 600 Ciclos	54,013	67,516	81,019	94,522
Usec	42	Secuenciación por síntesis MiSeq 300 Ciclos	37,807	47,259	56,711	66,163
Usec	43	Secuenciación por síntesis MiSeq 500 Ciclos	43,315	54,144	64,973	75,801
Usec	44	Secuenciación por síntesis MiSeq 150 Ciclos	33,155	41,443	49,732	58,020
Usec	45	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 300	12,597	15,746	18,896	22,045
Usec	46	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 500	14,548	18,185	21,823	25,460
Usec	47	Cargado NextSeq 2000, por chip	4,439	5,549	6,659	7,769
Usec	48	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P1	44,879	56,099	67,319	78,539
Usec	49	Secuenciación por síntesis NextSeq 100 Ciclos P2	46,768	58,460	70,152	81,844
Usec	50	Secuenciación por síntesis NextSeq 200 Ciclos P2	89,444	111,805	134,165	156,526
Usec	51	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P2	106,097	132,621	159,146	185,670
Usec	52	Secuenciación por síntesis NextSeq 100 Ciclos P3	97,789	122,236	146,684	171,131
Usec	53	Secuenciación por síntesis NextSeq 200 Ciclos P3	138,015	172,519	207,023	241,527
Usec	54	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P3	182,440	228,049	273,659	319,269
Usec	55	Secuenciación de variantes de SARS-CoV-2, por muestra	1,588	1,985	2,382	2,779
Usec	56	Extracción RNA mediante perlas magnéticas	156	195	234	273
Usec	57	Ensayo de detección COVID19 rT-PCR Protocolo 2 (3 regiones genómicas)	290	362	435	507
Usec	58	Prueba de diagnóstico COVID19 Protocolo 2 (3 regiones genómicas)	446	558	669	781
Usec	59	Prueba serológica de detección de anticuerpos para SARS-CoV-2 IgG/IgM	251	314	377	439
Usec	60	Prueba rápida para detección de antígeno COVID19	200	249	299	349
Usec	61	Toma de muestra in situ, hisopado nasofaríngeo y saliva Prueba COVID19 (Por visita y hasta 50 muestras)	8,745	10,932	13,118	15,304
Usec	62	Capacitación en la toma de muestra y embalaje para Prueba COVID19 (Por sesión)	3,308	4,135	4,962	5,790
Usec	63	Cuantificación de carga viral	1,006	1,258	1,510	1,761
UMi	64	Genotipificación genoma completo PI, por muestra	236	295	354	413
UMi	65	Genotipificación por diseño PI, por muestra	257	322	386	450
UMi	66	Epigenómica PI, por muestra	301	376	451	526

Palacio Nacional, Moneda No. 1, Tercer Patio Mariano, 4º piso, Colonia Centro, Alcaldía Cuauhtémoc, C.P. 06060 Ciudad de México,
Tel.: 55 36 88 11 00, www.gob.mx/shcp



Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
UMi	67	Genotipificación panel general PI, por muestra	230	288	346	403
UMi	68	Genotipificación panel ligamiento PI, por muestra	491	614	737	860
UMi	69	Control de calidad de biomoléculas PAg Bioanalizador, 12 muestras	251	313	376	439
UMi	70	Genotipificación genoma completo PA, por muestra	331	414	496	579
UMi	71	Farmacogenómica PA, por muestra	413	516	620	723
UMi	72	Expresión transcriptoma completo PA, por muestra	474	593	711	830
UMi	73	Expresión miRNA PA, por muestra	268	335	402	469
UMi	74	Citogenética molecular PA, por muestra	422	527	633	738
UMi	75	Expresión transcriptoma completo parafinadas PA, por muestra	261	327	392	457
UMi	76	Genotipificación CGH PAg, por muestra	419	523	628	733
UMi	77	Control de calidad de biomoléculas PAg TapeStation, por muestra	208	260	312	364
UMi	78	Genotipificación Genoma completo LCG PI (muestra)	245	306	367	428
UMi	79	Control de Calidad para DNA (muestra)	168	209	251	293
UMi	80	Control de calidad de biomoléculas PBo Qsep100, por muestra	172	216	259	302
UMi	81	Escaneo PI (Laminilla)	419	524	628	733
LHiM	82	T. HE	27	34	41	48
LHiM	83	IHQ con abs	145	181	217	253
LHiM	84	IHQ sin abs	89	111	134	156
LHiM	85	Corte NL	24	29	35	41
LHiM	86	Corte congelación	33	41	50	58
LHiM	87	In_reinclusión	23	28	34	40
LHiM	88	IF con abs	170	213	255	298
LHiM	89	IF sin abs	149	186	223	260
LHiM	90	Fotomicrografía campo claro	25	31	37	43
LHiM	91	TMA	120	150	180	210
LHiM	92	P. compl. c/formalina	35	44	52	61
LHiM	93	T. Masson	54	67	80	94
LHiM	94	T. Perls	32	40	48	56
LHiM	95	T. PAS	47	58	70	82
LHiM	96	T. Retículo	97	121	145	169
LHiM	97	T. A. Alciano	47	59	71	83
LHiM	98	T. DAPI	60	76	91	106
LHiM	99	T. Texas red faloidina	100	125	150	175

Palacio Nacional, Moneda No. 1, Tercer Patio Mariano, 4º piso, Colonia Centro, Alcaldía Cuauhtémoc, C.P. 06060 Ciudad de México,
Tel.: 55 36 88 11 00, www.gob.mx/shcp

Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Dept. Clave del Dept.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
		1	2	3	4
LHiM 100	T. Alexa 488 faloidina	103	128	154	180
LHiM 101	T. Mitotracker red	109	136	163	190
LHiM 102	T. Naranja acridina	60	75	90	105
LHiM 103	T. Luxol Fast Blue	51	64	77	90
LHiM 104	Corte electrocargada	55	69	83	96
LHiM 105	Caspasa 3 IHQ	304	380	455	531
LHiM 106	Corte polylisina	24	31	37	43
LHiM 107	Montaje IF	40	50	60	70
LHiM 108	Montaje IHQ, HQ	22	27	32	38
LHiM 109	Procesamiento múltiple	67	84	100	117
LHiM 110	M. Luz con cámara	38	47	57	66
LHiM 111	Punch	42	52	63	73
LHiM 112	T. R. oleoso	56	70	84	98
LHiM 113	T. R. congo	56	70	84	98
LHiM 114	M. Confocal (1min)	33	41	49	57
LHiM 115	M. Flourescencia (1 min)	25	31	37	44
LHiM 116	Rehidratación PBS	92	115	138	161
LHiM 117	Rehidratación AD	38	48	58	67
LHiM 118	Corte extracción	87	109	130	152
LHiM 119	P. células F	33	42	50	58
LHiM 120	P. células SF	33	41	49	57
LHiM 121	P. compl. S/F	63	79	95	110
LHiM 122	Ánálisis L 1 min	9	11	13	15
LHiM 123	E. celularidad neoplásica	430	537	645	752
LHiM 124	Macrodissección	114	142	171	199
LHiM 125	Corte SL	31	39	47	54
LHiM 126	Contratinción	42	52	62	73
LHiM 127	Rev. DAB	68	85	102	119
LHiM 128	T. DAPI-RP	180	225	270	316
LHiM 129	P. compl. SC. SF	96	120	145	169
LHiM 130	Corte cong. SL	46	58	69	81
LHiM 131	Corte cong. Poly	59	74	89	104
LHiM 132	Corte cong. Electrocargada	62	77	93	108
LHiM 133	Corte cong. R	18	22	26	31
LHiM 134	Descalcificación	58	73	87	102
LHiM 135	Corte L. NL-R	19	23	28	32
LHiM 136	Corte L. P-R	14	17	21	24

Palacio Nacional, Moneda No. 1, Tercer Patio Mariano, 4º piso, Colonia Centro, Alcaldía Cuauhtémoc, C.P. 06060 Ciudad de México,
Tel.: 55 36 88 11 00, www.gob.mx/shcp

Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
LHiM	137	Corte L. E-R	24	30	36	42
LHiM	138	IHQ. Sist. Detección-R	143	178	214	250
LHiM	139	Fijación. Foramalina-R	12	15	18	21
LHiM	140	Fijación. Paraformaldehído 4%-RP	14	17	21	24
LHiM	141	Montaje R.	21	26	32	37
LHiM	142	Montaje I.	12	15	18	21
LHiM	143	Básicos HQ	96	120	144	168
LHiM	144	Criostato por min	4	5	5	6
UPro	145	Gel 1D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor)	779	974	1,169	1,363
UPro	146	Gel 1D 7cm Coomassie (sin BE) (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor; no incluye buffer de extracción para 2D)	622	777	933	1,088
UPro	147	Lowry modificado (1x duplicado) (cantidad: 1 muestra más una réplica)	180	225	270	315
UPro	148	2D Quant kit (Curva estándar y una muestra más una réplica)	431	539	646	754
UPro	149	Deplección de Albúmina-IgGs (cantidad: 1 muestra de 150 ul de suero, plasma o extracto proteico de biopsia)	1,459	1,823	2,188	2,553
UPro	150	IEF 7 cm pH 3-10 (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,184	1,481	1,777	2,073
UPro	151	IEF 7 cm pH 3-10NL, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,184	1,481	1,777	2,073
UPro	152	IEF 18 cm pH 3-10NL (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,227	1,533	1,840	2,147
UPro	153	IEF 24 cm pH 3-10, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,206	1,508	1,809	2,111
UPro	154	Gel 2D 7 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	1,739	2,174	2,608	3,043
UPro	155	Gel 2D 7 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	2,216	2,770	3,324	3,878
UPro	156	Gel 2D 7 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	2,556	3,195	3,834	4,473
UPro	157	Gel 2D 13 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	3,728	4,660	5,592	6,524
UPro	158	Gel 2D 13 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,968	6,211	7,453	8,695
UPro	159	Gel 2D 13 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	6,773	8,466	10,159	11,852

**Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios**

Oficio No. 349-B-374

**ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN**

(Cifras en pesos)

Dept. Clave del Dept.		Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
UPro	160	Gel 2D 18 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	3,223	4,029	4,834	5,640
UPro	161	Gel 2D 18 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,538	5,673	6,808	7,942
UPro	162	Gel 2D 18 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	6,275	7,844	9,412	10,981
UPro	163	Gel 2D 24 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,402	5,503	6,604	7,704
UPro	164	Gel 2D 24 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	5,064	6,330	7,596	8,862
UPro	165	Gel 2D 24 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	7,544	9,429	11,315	13,201
UPro	166	Comparación geles 2D	7,811	9,764	11,717	13,669
UPro	167	DIGE: 2D 24cm CyDye Min	11,454	14,318	17,181	20,045
UPro	168	DIGE: 2D 24cm CyDye Sat	5,505	6,881	8,258	9,634
UPro	169	Comparación geles DIGE	8,451	10,563	12,676	14,789
UPro	170	MS Metabolómica	5,558	6,947	8,337	9,726
UPro	171	Omnisec	2,477	3,097	3,716	4,335
UCiF	172	Lectura FACSaria	390	487	585	682
UCiF	173	Separación Celular inicialización	836	1,045	1,254	1,463
UCiF	174	Separación Celular por hora de procesamiento	450	563	676	788
UCiF	175	Perlas de Compensación	87	109	131	153
UCiF	176	Uso reactivo / CYCLETEST PLUS DNA REAGENT KIT (1 test)	175	219	263	307
UCiF	177	Single Cell Viabilidad	539	674	808	943
UCiF	178	Lectura ATTUNE	459	574	689	803
UCiF	179	Anexina V	104	130	156	182
UCiF	180	Viabilidad Celular	113	142	170	198
B. SERVICIOS CLÍNICOS						
LDG	181	Quimerismo análisis de 3 muestras partiendo de FTA o swab	2,313	2,891	3,469	4,047
LDG	182	Procesamiento Quimerismo análisis de 3 muestras partiendo de FTA o swab	938	1,172	1,406	1,641
LDG	183	Quimerismo análisis de 2 muestras partiendo de FTA o swab	1,913	2,391	2,869	3,347

Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Dept. Clave del Dept.		Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
LDG	184	Procesamiento Quimerismo análisis de 2 muestras partiendo de FTA o swab	812	1,016	1,219	1,422
LDG	185	Quimerismo análisis de 1 muestra partiendo de FTA o swab	1,513	1,892	2,270	2,648
LDG	186	Procesamiento Quimerismo análisis de 1 muestra partiendo de FTA o swab	688	860	1,032	1,204
LDG	187	Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	839	1,049	1,258	1,468
LDG	188	Procesamiento Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	654	818	981	1,145
LDG	189	Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	1,528	1,910	2,292	2,674
LDG	190	Procesamiento Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	724	905	1,085	1,266
LDG	191	Panel de sensibilidad a Warfarina	1,844	2,305	2,766	3,227
LDG	192	Procesamiento Panel de sensibilidad a Warfarina	744	929	1,115	1,301
LDG	193	Panel de sensibilidad a Acenocumarol	1,844	2,305	2,766	3,227
LDG	194	Procesamiento Panel de sensibilidad a Acenocumarol	744	929	1,115	1,301
LDG	195	Panel de Genotipificación de CYP2C19	1,544	1,930	2,316	2,702
LDG	196	Procesamiento Panel de Genotipificación de CYP2C19	745	932	1,118	1,304
LDG	197	Cuantificación DNA en tiempo real, por muestra	1,894	2,368	2,841	3,315
LDG	198	Procesamiento Cuantificación DNA en tiempo real, por muestra	577	721	866	1,010
LDG	199	Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológicos, plasma y suero (Qiagen), 1 muestra	241	301	361	421
LDG	200	Procesamiento Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológicos, plasma y suero (Qiagen), 1 muestra	168	210	252	294
LDG	201	Extracción DNA, Qiagen, con tratamiento de RNase A, 1 muestra	296	370	444	518
LDG	202	Procesamiento Extracción DNA, Qiagen, con tratamiento de RNase A, 1 muestra	223	279	335	391
LDG	203	Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	565	706	847	988
LDG	204	Procesamiento Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	213	267	320	374
LDG	205	Extracción de DNA utilizando OrageneDNA OG-500	118	147	176	206
LDG	206	Perfil 17 marcadores STRS Ch Y 2 muestras	3,458	4,322	5,186	6,051

Palacio Nacional, Moneda No. 1, Tercer Patio Mariano, 4º piso, Colonia Centro, Alcaldía Cuauhtémoc, C.P. 06060 Ciudad de México,
Tel.: 55 36 88 11 00, www.gob.mx/shcp



Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
LDG	207	Procesamiento 17 marcadores STRS ChY, 2 muestras	945	1,181	1,417	1,653
LDG	208	Ánálisis DNA mitocondrial, 2 muestras	2,788	3,485	4,181	4,878
LDG	209	Mutaciones dinámicas	2,156	2,695	3,234	3,773
LDG	210	Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	1,706	2,132	2,558	2,985
LDG	211	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	761	952	1,142	1,332
LDG	212	Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	2,132	2,665	3,198	3,731
LDG	213	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	873	1,091	1,310	1,528
LDG	214	Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	2,560	3,199	3,839	4,479
LDG	215	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	986	1,232	1,479	1,725
LDG	216	Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	2,986	3,733	4,480	5,226
LDG	217	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	1,098	1,372	1,647	1,921
LDG	218	Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	3,413	4,267	5,120	5,974
LDG	219	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	1,210	1,513	1,815	2,118
LDG	220	Perfil STRS VERIFILER, 12 muestras a partir de swab bucal o sangre en FTA	6,504	8,129	9,755	11,381
LDG	221	Procesamiento Perfil STRS VERIFILER, 12 muestras a partir de swab bucal o sangre en FTA	2,185	2,731	3,277	3,823
LDG	222	Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve y Qiagen	301	376	451	526
LDG	223	Procesamiento Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve y Qiagen	133	166	199	232
LDG	224	Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve	239	299	358	418
LDG	225	Procesamiento Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve	144	180	215	251
LDG	226	Extracción de DNA Maxwell a partir de sangre periférica o médula ósea (1 muestra)	456	570	684	798
LDG	227	Tipificación HLA-A SANGER (1 muestra)	4,003	5,004	6,005	7,005
LDG	228	Procesamiento tipificación HLA-A SANGER (1 muestra)	2,158	2,698	3,237	3,777
LDG	229	Tipificación HLA-B SANGER (1 muestra)	4,003	5,004	6,005	7,005
LDG	230	Procesamiento tipificación HLA-B SANGER (1 muestra)	2,158	2,698	3,237	3,777
LDG	231	Tipificación HLA-C SANGER (1 muestra)	4,340	5,425	6,510	7,595
LDG	232	Procesamiento tipificación HLA-C SANGER (1 muestra)	2,158	2,698	3,237	3,777
LDG	233	Tipificación HLA-DRB1 SANGER (1 muestra)	3,853	4,816	5,780	6,743
LDG	234	Procesamiento tipificación HLA-DRB1 SANGER (1 muestra)	2,062	2,577	3,093	3,608
LDG	235	Tipificación HLA-DQB1 SANGER (1 muestra)	4,126	5,157	6,188	7,220
LDG	236	Procesamiento tipificación HLA-DQB1 SANGER (1 muestra)	1,944	2,430	2,916	3,402
LDG	237	Determinación de MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	6,967	8,709	10,451	12,193
LDG	238	Procesamiento MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	2,061	2,576	3,091	3,606



Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
LDG	239	Determinación de MLPA (1 gen, 1 muestra)	6,356	7,946	9,535	11,124
LDG	240	Procesamiento MLPA (1 gen, 1 muestra)	1,450	1,812	2,175	2,537
LDG	241	Determinación de X Frágil (1 muestra)	6,249	7,811	9,373	10,935
LDG	242	Procesamiento X Frágil (1 muestra)	1,243	1,553	1,864	2,175
LDG	243	Determinación de X Frágil Metilación (1 muestra)	7,172	8,965	10,759	12,552
LDG	244	Procesamiento X Frágil Metilación (1 muestra)	1,243	1,553	1,864	2,175
LDG	245	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	37,125	46,406	55,687	64,968
LDG	246	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	10,058	12,572	15,086	17,601
LDG	247	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 6 muestras) NGS V.2	6,187	7,734	9,281	10,828
LDG	248	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	64,537	80,672	96,806	112,940
LDG	249	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	15,042	18,802	22,562	26,323
LDG	250	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 12 muestras) NGS V.2	5,378	6,723	8,067	9,412
LDG	251	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	125,069	156,336	187,604	218,871
LDG	252	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	20,743	25,928	31,114	36,300
LDG	253	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 24 muestras) NGS V.2	5,211	6,514	7,817	9,120
LDG	254	Cuantificación Fluorimétrica de Ácido Nucleico QUBIT (1 muestra)	161	201	242	282
LDG	255	Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	53,508	66,884	80,261	93,638
LDG	256	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	9,180	11,475	13,770	16,065
LDG	257	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 3 muestras) MISEQ	17,836	22,295	26,754	31,213
LDG	258	Panel de Cáncer Hereditario (12 muestras)	125,201	156,502	187,802	219,102
LDG	259	Procesamiento Panel de Cáncer Hereditario (12 muestras)	12,768	15,961	19,153	22,345
LDG	260	Panel de Cáncer Hereditario 1 muestra (pool de 12 muestras)	10,433	13,042	15,650	18,259
LDG	261	Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	122,332	152,916	183,499	214,082

Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
LDG	262	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	10,137	12,672	15,206	17,740
LDG	263	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 12 muestras) NEXTSEQ	10,194	12,743	15,292	17,840
LDG	264	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EGFR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)	8,351	10,439	12,527	14,614
LDG	265	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EGFR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)	855	1,069	1,283	1,497
LDG	266	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EGFR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	20,531	25,664	30,797	35,930
LDG	267	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EGFR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	200,425	250,531	300,638	350,744
LDG	268	MA CGH+SNP 2*400	34,572	43,215	51,858	60,501
LDG	269	Procesamiento MA CGH+SNP 2*400	17,763	22,204	26,644	31,085
LDG	270	MA CGH+SNP 2*400 1 muestra (pool de 2 muestras)	17,286	21,607	25,929	30,250
LDG	271	MA CGH+SNP 4*180	55,341	69,176	83,011	96,846
LDG	272	Procesamiento MA CGH+SNP 4*180	30,348	37,936	45,523	53,110
LDG	273	MA CGH+SNP 4*180 1 muestra (pool de 4 muestras)	17,408	21,760	26,112	30,465
LDG	274	Ánalisis bioinformático 1 a 2 genes	467	583	700	817
LDG	275	Ánalisis bioinformático 3 a 10 genes	694	867	1,041	1,214
LDG	276	Ánalisis bioinformático 11 a 20 genes	1,148	1,435	1,722	2,009
LDG	277	Ánalisis bioinformático 21 a 30 genes	1,829	2,286	2,744	3,201
LDG	278	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 12 muestras	161,257	201,571	241,885	282,200

Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
LDG	279	Procesamiento Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 12 muestras	10,384	12,980	15,576	18,172
LDG	280	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 1 muestra (pool de 12 muestras)	13,438	16,798	20,157	23,517
LDG	281	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 24 muestras	314,236	392,795	471,354	549,913
LDG	282	Procesamiento Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 24 muestras	18,063	22,578	27,094	31,610
LDG	283	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 1 muestra (pool de 24 muestras)	13,093	16,366	19,640	22,913
LDG	284	Exoma clínico 4 muestras	85,474	106,842	128,211	149,579
LDG	285	Procesamiento Exoma clínico 4 muestras	7,602	9,503	11,403	13,304
LDG	286	Exoma clínico 4 muestras 1 muestra (pool de 4 muestras)	21,368	26,711	32,053	37,395
LDG	287	Exoma completo SOPHIA WES 3 muestras	84,313	105,392	126,470	147,549
LDG	288	Procesamiento Exoma completo SOPHIA WES 3 muestras	3,467	4,333	5,200	6,067
LDG	289	Exoma completo SOPHIA WES 1 muestra (pool de 3 muestras)	28,104	35,131	42,157	49,183
LDG	290	CAS-36 24 muestras	162,055	202,569	243,083	283,596
LDG	291	Procesamiento CAS-36 24 muestras	18,572	23,215	27,858	32,501
LDG	292	CAS-36 1 muestra (pool de 24 muestras)	6,752	8,440	10,128	11,817
LDG	293	CAS-36 36 muestras	226,350	282,937	339,525	396,112
LDG	294	Procesamiento CAS-36 36 muestras	23,926	29,907	35,889	41,870
LDG	295	CAS-36 1 muestra (pool de 36 muestras)	6,287	7,859	9,431	11,003
LDG	296	CAS-36 12 muestras	98,352	122,941	147,529	172,117
LDG	297	Procesamiento CAS-36 12 muestras	11,479	14,349	17,219	20,089
LDG	298	CAS 36 1 muestra (pool 12 muestras)	8,196	10,245	12,294	14,343
LDG	299	BRCA Ampliseq 8 muestras somático	63,159	78,949	94,739	110,529
LDG	300	Procesamiento AMPLISEQ 8 muestras Somático	7,702	9,627	11,553	13,478
LDG	301	1 muestra AMPLISEQ (pool de 8 muestras Somático)	7,895	9,869	11,842	13,816
LDG	302	BRCA Ampliseq 8 muestras Germinal	57,379	71,723	86,068	100,413
LDG	303	Procesamiento AMPLISEQ 8 muestras Germinal	7,702	9,627	11,553	13,478
LDG	304	1 muestra AMPLISEQ (pool de 8 muestras Germinal)	7,172	8,965	10,758	12,552
LDG	305	BRCA Ampliseq 32 muestras Germinal	186,381	232,976	279,571	326,167
LDG	306	Procesamiento AMPLISEQ 32 muestras Germinal	6,834	8,543	10,251	11,960
LDG	307	1 muestra AMPLISEQ (pool de 32 muestras Germinal)	5,824	7,281	8,737	10,193
LDG	308	Hereditary Cancer con NFE (8 muestras)	81,479	101,848	122,218	142,588
LDG	309	Procesamiento Hereditary Cancer CON NFE 8 muestras	14,384	17,980	21,576	25,172
LDG	310	1 muestra Hereditary Cancer CON NFE (pool de 8 muestras)	10,185	12,731	15,277	17,823

Palacio Nacional, Moneda No. 1, Tercer Patio Mariano, 4º piso, Colonia Centro, Alcaldía Cuauhtémoc, C.P. 06060 Ciudad de México,
Tel.: 55 36 88 11 00, www.gob.mx/shcp



Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
LDG	311	Interpretación de reporte clínico de TSC	1,215	1,519	1,823	2,127
LDG	312	Interpretación de reporte clínico con alteración del número de copias	1,636	2,045	2,454	2,863
LDG	313	Interpretación de reporte clínico	830	1,038	1,245	1,453
LDG	314	Asesoramiento Genético	588	735	882	1,029
LDG	315	TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	214,684	268,355	322,026	375,697
LDG	316	Procesamiento TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	12,768	15,960	19,152	22,344
LDG	317	TSO500 1 muestra pareada DNA-RNA (pool de 8 muestras)	26,836	33,544	40,253	46,962
LDG	318	TSO500 10 muestras DNA	184,882	231,102	277,322	323,543
LDG	319	Procesamiento TSO500 10 muestras DNA	9,300	11,625	13,950	16,275
LDG	320	TSO500 1 muestra DNA (pool de 10 muestras)	18,488	23,110	27,732	32,354
LDG	321	TSO500 3 muestras DNA	39,069	48,836	58,604	68,371
LDG	322	Procesamiento TSO500 3 muestras DNA	5,368	6,710	8,052	9,395
LDG	323	TSO500 1 muestra DNA (pool de 3 muestras)	13,023	16,279	19,535	22,790
LDG	324	Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA)	124,490	155,612	186,734	217,857
LDG	325	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA)	9,936	12,420	14,904	17,388
LDG	326	Mieloide AmpliSeq 1 muestra pareada (DNA-RNA) (pool de 6 muestras)	20,748	25,935	31,122	36,309
LDG	327	Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA)	213,607	267,008	320,410	373,812
LDG	328	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA)	15,975	19,969	23,963	27,957
LDG	329	Mieloide AmpliSeq 1 muestra pareada (DNA-RNA) (pool de 11 muestras)	19,419	24,273	29,128	33,983
LDG	330	Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA	140,719	175,898	211,078	246,257
LDG	331	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA	10,611	13,264	15,916	18,569
LDG	332	Mieloide AmpliSeq 1 muestra DNA (pool de 12 muestras)	11,727	14,658	17,590	20,521
LDG	333	Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA	88,298	110,373	132,447	154,522
LDG	334	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA	7,507	9,384	11,260	13,137
LDG	335	Mieloide AmpliSeq 1 muestra DNA (pool de 7 muestras)	12,614	15,768	18,921	22,075
LDG	336	Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA	51,521	64,402	77,282	90,163
LDG	337	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA	4,492	5,615	6,738	7,861
LDG	338	Mieloide AmpliSeq 1 muestra DNA (pool de 2 muestras)	25,761	32,201	38,641	45,081
LDG	339	Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA)	65,966	82,457	98,949	115,440
LDG	340	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA)	5,432	6,790	8,148	9,505



Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
LDG	341	Mieloide AmpliSeq 1 muestra pareada (DNA-RNA) (pool de 2 muestras)	32,983	41,229	49,474	57,720
LDG	342	MA CGH 4*180 Custom 4 muestras	62,778	78,472	94,167	109,861
LDG	343	Procesamiento MA CGH 4*180 Custom 4 muestras	26,991	33,738	40,486	47,234
LDG	344	MA CGH 4*180 Custom 1 muestra (pool de 4 muestras)	15,694	19,618	23,542	27,465
LDG	345	Procesamiento MA CGH 4*180 Custom 1 muestra (pool de 4 muestras)	6,748	8,435	10,122	11,808
LDG	346	TSRNA PanCancer 8 muestras	78,317	97,896	117,475	137,055
LDG	347	Procesamiento TSRNA PanCancer 8 muestras	15,433	19,291	23,150	27,008
LDG	348	TSRNA PanCancer 1 muestra	9,790	12,237	14,684	17,132
LDG	349	Procesamiento TSRNA PanCancer 1 muestra	1,929	2,411	2,894	3,376
LDG	350	Distrofia Miotónica Tipo I, 1 muestra	3,506	4,382	5,259	6,135
LDG	351	Procesamiento Distrofia Miotónica Tipo 1, 1 muestra	962	1,202	1,443	1,683
LDG	352	Extracción RNA	316	395	474	553
LDG	353	Cancer Hereditario Panel F 48 muestras	310,747	388,434	466,121	543,808
LDG	354	Procesamiento Cancer Hereditario Panel F 48 muestras	28,181	35,227	42,272	49,317
LDG	355	Cancer Hereditario Panel F 1 muestra (pool de 48 muestras)	6,474	8,092	9,711	11,329
LDG	356	Procesamiento Cancer Hereditario Panel F 1 muestra (pool de 48 muestras)	587	734	881	1,027
LDG	357	Genotipificación de genes de recombinación homóloga 24 muestras germinal	255,992	319,989	383,987	447,985
LDG	358	Procesamiento Genotipificación de genes de recombinación homóloga 24 muestras germinal	12,678	15,848	19,017	22,187
LDG	359	Genotipificación de genes de recombinación homóloga 1 muestra germinal (pool 24 muestras)	10,666	13,333	15,999	18,666
LDG	360	Procesamiento Genotipificación de genes de recombinación homóloga 1 muestra germinal (pool 24 muestras)	528	660	792	924
LDG	361	Genotipificación de genes de recombinación homóloga 10 muestras Somático	137,876	172,345	206,815	241,284
LDG	362	Procesamiento Genotipificación de genes de recombinación homóloga 10 muestras Somático	7,866	9,833	11,800	13,766
LDG	363	Genotipificación de genes de recombinación homóloga 1 muestra Somático (pool 10 muestras)	13,788	17,235	20,681	24,128

Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B-374

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

Dept. Clave del	Dept.	Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
LDG	364	Procesamiento Genotipificación de genes de recombinación homóloga 1 muestra Somático (pool 10 muestras)	787	983	1,180	1,377
LDG	365	Panel Mieloide ARMY 5 muestras	62,854	78,567	94,281	109,994
LDG	366	Procesamiento Panel Mieloide ARMY 5 muestras	5,914	7,393	8,872	10,350
LDG	367	Panel Mieloide ARMY 1 muestra (pool 5 muestras)	12,571	15,713	18,856	21,999
LDG	368	Procesamiento Panel Mieloide ARMY 1 muestra (pool 5 muestras)	1,183	1,479	1,774	2,070
C. SERVICIOS DE DESARROLLO TECNOLÓGICO						
SSG	369	Consultor Bioingeniería (x hora)	346	433	519	606
SSG	370	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta monocanal (x pipeta)	88	110	132	154
SSG	371	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta multicanal (x pipeta)	332	416	500	583
SSG	372	Sistema de medición de red fría (por sensor)	1,702	2,127	2,553	2,978
SSG	373	Monitoreo de red fría (x hora)	18	23	27	32
SB	374	Consultor Bioinformático Junior (x hora)	135	168	202	236
SB	375	Consultor Bioinformático Senior (x hora)	468	585	702	819
SB	376	Servicios de alta demanda o recurrentes (x hora)	135	168	202	236
SB	377	Servicio especializado (x hora)	429	537	644	751
SB	378	Ánálisis on premise (x hora)	333	416	500	583
SAE	379	Desarrollo de Software Senior (x hora)	507	634	761	888
SAE	380	Desarrollo de Software Junior (x hora)	300	375	451	526
SAE	381	Mantenimiento de Aplicativo (x hora)	514	643	771	900
SAE	382	Consultoría de Desarrollo de Software Senior (x hora)	813	1,016	1,219	1,422
SAE	383	Consultoría de Desarrollo de Software Junior (x hora)	451	563	676	789
D. SERVICIOS DE CONSULTORÍA						
DI	384	Senior Científica, por hora	390	488	586	683
DI	385	Junior Científica, por hora	330	413	496	578
DVDI	386	Consultoría en gestión y transferencia de tecnología, por hora	331	414	496	579
DVDI	387	Análisis de patentabilidad de resultados de Investigación	26,479	33,099	39,719	46,339
DVDI	388	Análisis tecnológico comercial de resultados de investigación	26,479	33,099	39,719	46,339
DVDI	389	Redacción de solicitud de patente	52,959	66,198	79,438	92,678
DVDI	390	Redacción de solicitud de modelo de utilidad	26,479	33,099	39,719	46,339

Palacio Nacional, Moneda No. 1, Tercer Patio Mariano, 4º piso, Colonia Centro, Alcaldía Cuauhtémoc, C.P. 06060 Ciudad de México,
Tel.: 55 36 88 11 00, www.gob.mx/shcp



**Subsecretaría de Ingresos
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios**

Oficio No. 349-B-374

**ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN**

(Cifras en pesos)

Dept. Clave del Dept.		Denominación del servicio	Nivel	Nivel	Nivel	Nivel
			1	2	3	4
DVDI	391	Vigilancia Tecnológica Exploratoria/Benchmarking Tecnológico	39,719	49,649	59,579	69,508
DVDI	392	Estudio preliminar de mercado/Quicklook/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	82,086	102,608	123,129	143,651
DVDI	393	Mapa de Ruta Tecnológica completo (con mayor grado de detalle)	90,030	112,537	117,039	121,540
DVDI	394	Modelo de Negocio (Business Model Canvas) y Ruta de Comercialización (Commercialization Roadmap)/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	82,086	102,608	123,129	143,651
DVDI	395	Mapa de Ruta Tecnológica, por sesión	2,648	3,310	3,972	4,634
E. SERVICIOS DE ENSEÑANZA						
DED	396	Actividad académica en línea o virtual de 1-5 horas	139	174	208	243
DED	397	Actividad académica en línea o virtual de 6-10 horas	249	311	374	436
DED	398	Actividad académica en línea o virtual de 11-15 horas	359	449	539	629
DED	399	Actividad académica en línea o virtual de 16-20 horas	783	978	1,174	1,369
DED	400	Actividad académica en línea o virtual de 21-30 horas	966	1,207	1,449	1,690
DED	401	Actividad académica en línea o virtual de 31-40 horas	1,275	1,593	1,912	2,231
DED	402	Actividad académica presencial por día	277	346	415	485

Política para la aplicación del Tabulador de Cuotas de Recuperación del INMEGEN 2023

Servicios de Investigación, Clínicos, Desarrollo Tecnológico, Consultoría y Enseñanza

1	La presente Política establece cuatro Niveles tarifarios o de cuotas del Tabulador para todos los servicios.
2	La tarifa de cada Nivel del servicio se fundamenta en la suma de: a) costos variables, son los insumos adquiridos en moneda nacional y/o extranjera; b) costos fijos, son los costos asociados a la nómina y a los costos de equipo y mantenimiento. El costo del equipo considera el 20% de la depreciación anual como el costo de <i>Equipo e Instrumental Médico y de Laboratorio</i> , de acuerdo a los parámetros de vida útil publicados en el DOF el día 15 de agosto de 2012.
3	Aquellos servicios cuyos insumos se adquieran en moneda extranjera (USD, EURO u otro) mediante compra o adjudicación directa, contrato abierto y licitación, serán ajustados en su Nivel tarifario al tipo de cambio (TC) publicado por BANXICO en el DOF, para solventar obligaciones denominadas en moneda extranjera pagaderas en la República Mexicana al día hábil de la cotización y/o facturación del servicio, en situaciones de aumento abrupto del TC.
4	La cuota del Nivel 1 comprende la suma de los costos variables y fijos sin adicionar un margen de utilidad para el INMEGEN. El Nivel 1, será objeto de aplicación a la comunidad del INMEGEN y para todas las Instituciones públicas de salud, investigación, educativas o similares y otras, a excepción de los servicios de enseñanza cuyo Nivel tarifario estará sujeto a los términos del Anexo II de la presente Política.
5	El cálculo tarifario de los Niveles para los servicios de investigación, clínicos, desarrollo tecnológico y consultoría se define como: Nivel 1: 100% de los Costos (fijos y variables) Nivel 2: 100% de los Costos (fijos y variables) más 25% de margen de utilidad Nivel 3: 100% de los Costos (fijos y variables) más 50% de margen de utilidad Nivel 4: 100% de los Costos (fijos y variables) más 75% de margen de utilidad
6	Nivel de cuota para usuarios externos de servicios de investigación, clínicos, desarrollo tecnológico y consultoría. Se aplicarán los Niveles 2, 3 y 4 conforme al número o volumen de servicios establecido en el Anexo I de la presente Política, indicando: Nivel 2: A los usuarios externos que soliciten un "volumen alto" de servicios. Nivel 3: A los usuarios externos que soliciten un "volumen medio" de servicios. Nivel 4: A los usuarios externos que soliciten un "volumen bajo" de servicios. El volumen de servicios a considerar en cada caso, se determinará con base en la facturación correspondiente.
7	Conforme al Acuerdo por el que se declara como emergencia sanitaria por causa de fuerza mayor a la epidemia de enfermedad generada por el virus SARS-CoV2 (DOF 23/03/2020) y la fracción V numeral 11 del Decreto por el que se establecen las medidas de austeridad que deberán observar las dependencias y entidades de la Administración Pública Federal bajo los criterios que en el mismo se indican (DOF 23/04/2020), el Inmegen establece TASA CERO en el cobro a pacientes de la Prueba de diagnóstico Covid-19.

ANEXO I

POLÍTICA PARA LA ASIGNACIÓN DE NIVELES EN FUNCIÓN DEL VOLUMEN SOLICITADO

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
A. SERVICIOS DE INVESTIGACIÓN					
USec	1	Secuenciación Capilar, por reacción	45 o más	De 11 a 44	Hasta 10
USec	2	Secuenciación Capilar directa, por reacción	45 o más	De 11 a 44	Hasta 10
USec	3	Lectura de fluorescencia capilar, por reacción	45 o más	De 11 a 44	Hasta 10
USec	4	Microsatélites, por reacción	45 o más	De 11 a 44	Hasta 10
USec	5	Cuantificación ácidos nucleicos RNasa P, por reacción	150 o más	21 a 149	Hasta 20
USec	6	Cuantificación de ácidos nucleicos, fluorímetro, por reacción	150 o más	21 a 149	Hasta 20
USec	7	Enriquecimiento exoma, por muestra	3 o más	2	1
USec	8	Elaboración de Biblioteca (AmpliSeq), por pool	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	9	Elaboración biblioteca IT, por muestra	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	10	Elaboración biblioteca DNA Pane	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	11	Elaboración biblioteca DNA Nano	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	12	Elaboración biblioteca DNA Exom	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	13	Elaboración biblioteca DNA Next	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	14	Elaboración biblioteca RNA Tot	20 o más	6 a 19	Hasta 5
USec	15	Elaboración biblioteca mRNA	20 o más	6 a 19	Hasta 5
USec	16	Elaboración biblioteca smallRNA	20 o más	6 a 19	Hasta 5
USec	17	Elaboración biblioteca SCx4	3 o más	2	1
USec	18	Electroforesis automatizada por chip (Control de calidad biomoléculas)	3 o más	2	1
USec	19	Cuantificación de biblioteca IT, por reacción	3 o más	2	1
USec	20	Cuantificación de biblioteca Kappa, por reacción	3 o más	2	1
USec	21	Amplificación clonal mediante ePCR, por ensayo	3 o más	2	1
USec	22	Secuenciación mediante semiconductor, por chip	3 o más	2	1
USec	23	Procesamiento Semiconductor 314, por chip	3 o más	2	1
USec	24	Procesamiento Semiconductor 316, por chip	3 o más	2	1
USec	25	Procesamiento Semiconductor 318, por chip	3 o más	2	1
USec	26	Procesamiento Haloplex, 12 rnx	3 o más	2	1
USec	27	Purificación por AmpureBeads, por reacción	200 o más	31 a 199	Hasta 30
USec	28	Procesamiento Amplicones std	200 o más	31 a 199	Hasta 30
USec	29	Procesamiento Amplicones index	200 o más	31 a 199	Hasta 30
USec	30	Cargado NextSeq, por chip	3 o más	2	1
USec	31	Cargado MiSeq, por chip	3 o más	2	1
USec	32	Secuenciación por síntesis NextSeq 76 Ciclos HO	3 o más	2	1
USec	33	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos MO	3 o más	2	1
USec	34	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos HO	3 o más	2	1
USec	35	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos MO	3 o más	2	1
USec	36	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos HO	3 o más	2	1
USec	37	Sec por Síntesis MinS 300 MO	3 o más	2	1
USec	38	Sec por Síntesis MinS 76 HO	3 o más	2	1
USec	39	Sec por Síntesis MinS 150 HO	3 o más	2	1
USec	40	Sec por Síntesis MinS 300 HO	3 o más	2	1
USec	41	Secuenciación por síntesis MiSeq 600 Ciclos	3 o más	2	1
USec	42	Secuenciación por síntesis MiSeq 300 Ciclos	3 o más	2	1

ANEXO I

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
USec	43	Secuenciación por síntesis MiSeq 500 Ciclos	3 o más	2	1
USec	44	Secuenciación por síntesis MiSeq 150 Ciclos	3 o más	2	1
USec	45	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 300	3 o más	2	1
USec	46	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 500	3 o más	2	1
USec	47	Cargado NextSeq 2000, por chip	3 o más	2	1
USec	48	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P1	3 o más	2	1
USec	49	Secuenciación por síntesis NextSeq 100 Ciclos P2	3 o más	2	1
USec	50	Secuenciación por síntesis NextSeq 200 Ciclos P2	3 o más	2	1
USec	51	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P2	3 o más	2	1
USec	52	Secuenciación por síntesis NextSeq 100 Ciclos P3	3 o más	2	1
USec	53	Secuenciación por síntesis NextSeq 200 Ciclos P3	3 o más	2	1
USec	54	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P3	3 o más	2	1
USec	55	Secuenciación de variantes de SARS-CoV-2, por muestra	97 a 384	49 a 96	Hasta 48
USec	56	Extracción RNA mediante perlas magnéticas	301 o más	96 a 300	Hasta 95
USec	57	Ensayo de detección COVID19 rT-PCR Protocolo 2 (3 regiones genómicas)	501 o más	184 a 500	Hasta 183
USec	58	Prueba de diagnóstico COVID19 Protocolo 2 (3 regiones genómicas)	501 o más	184 a 500	Hasta 183
USec	59	Prueba serológica de detección de anticuerpos para SARS-CoV-2 IgG/IgM	30 o más	10 a 29	Hasta 9
USec	60	Prueba rápida para detección de antígeno COVID19	6 o más	3 a 5	Hasta 2
USec	61	Toma de muestra in situ, hisopado nasofaríngeo y saliva Prueba COVID19 (Por visita y hasta 50 muestras)	1 o más		
USec	62	Capacitación en la toma de muestra y embalaje para Prueba COVID19 (Por sesión)	1 o más		
USec	63	Cuantificación de carga viral	25 o más	13 a 24	Hasta 12
UMi	64	Genotipificación genoma completo PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	65	Genotipificación por diseño PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	66	Epigenómica PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	67	Genotipificación panel general PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	68	Genotipificación panel ligamiento PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	69	Control de calidad de biomoléculas PAg Bioanalizador, 12 muestras	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	70	Genotipificación genoma completo PA, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	71	Farmacogenómica PA, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	72	Expresión transcriptoma completo PA, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	73	Expresión miRNA PA, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	74	Citogenética molecular PA, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	75	Expresión transcriptoma completo parafinadas PA, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	76	Genotipificación CGH PAg, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	77	Control de calidad de biomoléculas PAg TapeStation, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	78	Genotipificación Genoma completo LCG PI (muestra)	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	79	Control de Calidad para DNA (muestra)	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	80	Control de calidad de biomoléculas PBo Qsep100, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	81	Escaneo PI (Laminilla)	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	82	T. HE	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	83	IHQ con abs	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	84	IHQ sin abs	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	85	Corte NL	30 o más	6 a 29	Hasta 5

ANEXO I

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
LHiM	86	Corte congelación	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	87	In_reinclusión	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	88	IF con abs	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	89	IF sin abs	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	90	Fotomicrografía campo claro	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	91	TMA	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	92	P. compl. c/formalina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	93	T. Masson	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	94	T. Perls	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	95	T. PAS	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	96	T. Retículo	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	97	T. A. Alciano	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	98	T. DAPI	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	99	T. Texas red faloidina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	100	T. Alexa 488 faloidina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	101	T. Mitotracker red	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	102	T. Naranja acridina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	103	T. Luxol Fast Blue	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	104	Corte electrocargada	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	105	Caspasa 3 IHQ	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	106	Corte polylisina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	107	Montaje IF	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	108	Montaje IHQ, HQ	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	109	Procesamiento múltiple	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	110	M. Luz con cámara	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	111	Punch	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	112	T. R. oleoso	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	113	T. R. congo	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	114	M. Confocal (1min)	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	115	M. Flourescencia (1 min)	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	116	Rehidratación PBS	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	117	Rehidratación AD	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	118	Corte extracción	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	119	P. células F	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	120	P. células SF	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	121	P. compl. S/F	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	122	Análisis L 1 min	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	123	E. celularidad neoplásica	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	124	Macrodissección	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	125	Corte SL	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	126	Contratinción	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	127	Rev. DAB	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	128	T. DAPI-RP	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	129	P. compl. SC. SF	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	130	Corte cong. SL	30 o más	6 a 29	Hasta 5

ANEXO I

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
LHiM	131	Corte cong. Poly	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	132	Corte cong. Electrocargada	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	133	Corte cong. R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	134	Descalcificación	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	135	Corte L. NL-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	136	Corte L. P-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	137	Corte L. E-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	138	IHQ. Sist. Detección-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	139	Fijación. Foramalina-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	140	Fijación. Paraformaldehído 4%-RP	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	141	Montaje R.	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	142	Montaje I.	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	143	Básicos HQ	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	144	Criostato por min	30 o más	6 a 29	Hasta 5
UPro	145	Gel 1D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	146	Gel 1D 7cm Coomassie (sin BE) (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor; no incluye buffer de extracción para 2D)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	147	Lowry modificado (1x duplicado) (cantidad: 1 muestra más una réplica)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	148	2D Quant kit (Curva estándar y una muestra más una réplica)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	149	Deplección de Albúmina-IgGs (cantidad: 1 muestra de 150 ul de suero, plasma o extracto proteico de biopsia)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	150	IEF 7 cm pH 3-10 (cantidad: 1 tira; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	151	IEF 7 cm pH 3-10NL, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	152	IEF 18 cm pH 3-10NL (cantidad: 1 tira; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	153	IEF 24 cm pH 3-10, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	154	Gel 2D 7 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	155	Gel 2D 7 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	156	Gel 2D 7 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	157	Gel 2D 13 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	158	Gel 2D 13 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	159	Gel 2D 13 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	160	Gel 2D 18 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	161	Gel 2D 18 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	162	Gel 2D 18 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	163	Gel 2D 24 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	164	Gel 2D 24 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5

ANEXO I

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
UPro	165	Gel 2D 24 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	166	Comparación geles 2D	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	167	DIGE: 2D 24cm CyDye Min	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	168	DIGE: 2D 24cm CyDye Sat	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	169	Comparación geles DIGE	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	170	MS Metabolómica	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	171	Omnisec	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	172	Lectura FACSaria	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	173	Separación Celular inicialización	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	174	Separación Celular por hora de procesamiento	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	175	Perlas de Compensación	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	176	Uso reactivo / CYCLETEST PLUS DNA REAGENT KIT (1 test)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	177	Single Cell Viabilidad	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	178	Lectura ATTUNE	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	179	Anexina V	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	180	Viabilidad Celular	20 o más	6 a 19	Hasta 5
B. SERVICIOS CLÍNICOS					
LDG	181	Quimerismo análisis de 3 muestras partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	182	Procesamiento Quimerismo análisis de 3 muestras partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	183	Quimerismo análisis de 2 muestras partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	184	Procesamiento Quimerismo análisis de 2 muestras partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	185	Quimerismo análisis de 1 muestra partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	186	Procesamiento Quimerismo análisis de 1 muestra partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	187	Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	3 o más	2	1
LDG	188	Procesamiento Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	3 o más	2	1
LDG	189	Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	190	Procesamiento Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	191	Panel de sensibilidad a Warfarina	3 o más	2	1
LDG	192	Procesamiento Panel de sensibilidad a Warfarina	3 o más	2	1
LDG	193	Panel de sensibilidad a Acenocumarol	3 o más	2	1
LDG	194	Procesamiento Panel de sensibilidad a Acenocumarol	3 o más	2	1
LDG	195	Panel de Genotipificación de CYP2C19	3 o más	2	1
LDG	196	Procesamiento Panel de Genotipificación de CYP2C19	3 o más	2	1
LDG	197	Cuantificación DNA en tiempo real, por muestra	3 o más	2	1
LDG	198	Procesamiento Cuantificación DNA en tiempo real, por muestra	3 o más	2	1
LDG	199	Extracción DNA, sangre, capa leucoplquetaria, líquidos biológicos, plasma y suero (Qiagen), 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	200	Procesamiento Extracción DNA, sangre, capa leucoplquetaria, líquidos biológicos, plasma y suero (Qiagen), 1 muestra	3 o más	2	1

ANEXO I

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
LDG	201	Extracción DNA, Qiagen, con tratamiento de RNase A, 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	202	Procesamiento Extracción DNA, Qiagen, con tratamiento de RNase A, 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	203	Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	3 o más	2	1
LDG	204	Procesamiento Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	3 o más	2	1
LDG	205	Extracción de DNA utilizando OrageneDNA OG-500	3 o más	2	1
LDG	206	Perfil 17 marcadores STRS Ch Y 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	207	Procesamiento 17 marcadores STRS ChY, 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	208	Analisis DNA mitocondrial, 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	209	Mutaciones dinámicas	3 o más	2	1
LDG	210	Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	211	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	212	Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	213	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	214	Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	3 o más	2	1
LDG	215	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	3 o más	2	1
LDG	216	Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	217	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	218	Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	3 o más	2	1
LDG	219	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	3 o más	2	1
LDG	220	Perfil STRS VERIFILER, 12 muestras a partir de swab bucal o sangre en FTA	3 o más	2	1
LDG	221	Procesamiento Perfil STRS VERIFILER, 12 muestras a partir de swab bucal o sangre en FTA	3 o más	2	1
LDG	222	Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve y Qiagen	3 o más	2	1
LDG	223	Procesamiento Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve y Qiagen	3 o más	2	1
LDG	224	Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve	3 o más	2	1
LDG	225	Procesamiento Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve	3 o más	2	1
LDG	226	Extracción de DNA Maxwell a partir de sangre periférica o médula ósea (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	227	Tipificación HLA-A SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	228	Procesamiento tipificación HLA-A SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	229	Tipificación HLA-B SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	230	Procesamiento tipificación HLA-B SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	231	Tipificación HLA-C SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	232	Procesamiento tipificación HLA-C SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	233	Tipificación HLA-DRB1 SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	234	Procesamiento tipificación HLA-DRB1 SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	235	Tipificación HLA-DQB1 SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	236	Procesamiento tipificación HLA-DQB1 SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	237	Determinación de MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	238	Procesamiento MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	239	Determinación de MLPA (1 gen, 1 muestra)	3 o más	2	1

ANEXO I

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
LDG	240	Procesamiento MLPA (1 gen, 1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	241	Determinación de X Frágil (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	242	Procesamiento X Frágil (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	243	Determinación de X Frágil Metilación (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	244	Procesamiento X Frágil Metilación (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	245	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	246	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	247	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 6 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	248	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	249	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	250	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 12 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	251	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	252	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	253	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 24 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	254	Cuantificación Fluorimétrica de Ácido Nucleico QUBIT (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	255	Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	3 o más	2	1
LDG	256	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	3 o más	2	1
LDG	257	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 3 muestras) MISEQ	3 o más	2	1
LDG	258	Panel de Cáncer Hereditario (12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	259	Procesamiento Panel de Cáncer Hereditario (12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	260	Panel de Cáncer Hereditario 1 muestra (pool de 12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	261	Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	3 o más	2	1
LDG	262	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	3 o más	2	1
LDG	263	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 12 muestras) NEXTSEQ	3 o más	2	1
LDG	264	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EGFR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	265	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EGFR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	266	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EGFR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	3 o más	2	1

ANEXO I

Dept.º	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
LDG	267	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EGFR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	3 o más	2	1
LDG	268	MA CGH+SNP 2*400	3 o más	2	1
LDG	269	Procesamiento MA CGH+SNP 2*400	3 o más	2	1
LDG	270	MA CGH+SNP 2*400 1 muestra (pool de 2 muestras)	3 o más	2	1
LDG	271	MA CGH+SNP 4*180	3 o más	2	1
LDG	272	Procesamiento MA CGH+SNP 4*180	3 o más	2	1
LDG	273	MA CGH+SNP 4*180 1 muestra (pool de 4 muestras)	3 o más	2	1
LDG	274	Ánalisis bioinformático 1 a 2 genes	3 o más	2	1
LDG	275	Ánalisis bioinformático 3 a 10 genes	3 o más	2	1
LDG	276	Ánalisis bioinformático 11 a 20 genes	3 o más	2	1
LDG	277	Ánalisis bioinformático 21 a 30 genes	3 o más	2	1
LDG	278	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	279	Procesamiento Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	280	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 1 muestra (pool de 12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	281	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 24 muestras	3 o más	2	1
LDG	282	Procesamiento Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 24 muestras	3 o más	2	1
LDG	283	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 1 muestra (pool de 24 muestras)	3 o más	2	1
LDG	284	Exoma clínico 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	285	Procesamiento Exoma clínico 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	286	Exoma clínico 4 muestras 1 muestra (pool de 4 muestras)	3 o más	2	1
LDG	287	Exoma completo SOPHIA WES 3 muestras	3 o más	2	1
LDG	288	Procesamiento Exoma completo SOPHIA WES 3 muestras	3 o más	2	1
LDG	289	Exoma completo SOPHIA WES 1 muestra (pool de 3 muestras)	3 o más	2	1
LDG	290	CAS-36 24 muestras	3 o más	2	1
LDG	291	Procesamiento CAS-36 24 muestras	3 o más	2	1
LDG	292	CAS-36 1 muestra (pool de 24 muestras)	3 o más	2	1
LDG	293	CAS-36 36 muestras	3 o más	2	1
LDG	294	Procesamiento CAS-36 36 muestras	3 o más	2	1
LDG	295	CAS-36 1 muestra (pool de 36 muestras)	3 o más	2	1
LDG	296	CAS-36 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	297	Procesamiento CAS-36 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	298	CAS 36 1 muestra pool 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	299	BRCA Ampliseq 8 muestras somático	3 o más	2	1
LDG	300	Procesamiento AMPLISEQ 8 muestras Somático	3 o más	2	1
LDG	301	1 muestra AMPLISEQ (pool de 8 muestras Somático)	3 o más	2	1
LDG	302	BRCA Ampliseq 8 muestras Germinal	3 o más	2	1
LDG	303	Procesamiento AMPLISEQ 8 muestras Germinal	3 o más	2	1
LDG	304	1 muestra AMPLISEQ (pool de 8 muestras Germinal)	3 o más	2	1
LDG	305	BRCA Ampliseq 32 muestras Germinal	3 o más	2	1
LDG	306	Procesamiento AMPLISEQ 32 muestras Germinal	3 o más	2	1

ANEXO I

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
LDG	307	1 muestra AMPLISEQ (pool de 32 muestras Germinal)	3 o más	2	1
LDG	308	Hereditary Cancer con NFE (8 muestras)	3 o más	2	1
LDG	309	Procesamiento Hereditary Cancer CON NFE 8 muestras	3 o más	2	1
LDG	310	1 muestra Hereditary Cancer CON NFE (pool de 8 muestras)	3 o más	2	1
LDG	311	Interpretación de reporte clínico de TSC	3 o más	2	1
LDG	312	Interpretación de reporte clínico con alteración del número de copias	3 o más	2	1
LDG	313	Interpretación de reporte clínico	3 o más	2	1
LDG	314	Asesoramiento Genético	3 o más	2	1
LDG	315	TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	3 o más	2	1
LDG	316	Procesamiento TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	3 o más	2	1
LDG	317	TSO500 1 muestra pareada DNA-RNA (pool de 8 muestras)	3 o más	2	1
LDG	318	TSO500 10 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	319	Procesamiento TSO500 10 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	320	TSO500 1 muestra DNA (pool de 10 muestras)	3 o más	2	1
LDG	321	TSO500 3 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	322	Procesamiento TSO500 3 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	323	TSO500 1 muestra DNA (pool de 3 muestras)	3 o más	2	1
LDG	324	Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	325	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	326	Mieloide AmpliSeq 1 muestra pareada (DNA-RNA) (pool de 6 muestras)	3 o más	2	1
LDG	327	Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	328	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	329	Mieloide AmpliSeq 1 muestra pareada (DNA-RNA) (pool de 11 muestras)	3 o más	2	1
LDG	330	Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	331	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	332	Mieloide AmpliSeq 1 muestra DNA (pool de 12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	333	Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	334	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	335	Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA (pool de 7 muestras)	3 o más	2	1
LDG	336	Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	337	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	338	Mieloide AmpliSeq 1 muestra DNA (pool de 2 muestras)	3 o más	2	1
LDG	339	Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	340	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	341	Mieloide AmpliSeq 1 muestra pareada (DNA-RNA) (pool de 2 muestras)	3 o más	2	1
LDG	342	MA CGH 4*180 Custom 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	343	Procesamiento MA CGH 4*180 Custom 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	344	MA CGH 4*180 Custom 1 muestra (pool de 4 muestras)	3 o más	2	1
LDG	345	Procesamiento MA CGH 4*180 Custom 1 muestra (pool de 4 muestras)	3 o más	2	1
LDG	346	TSRna PanCancer 8 muestras	3 o más	2	1
LDG	347	Procesamiento TSRna PanCancer 8 muestras	3 o más	2	1
LDG	348	TSRna PanCancer 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	349	Procesamiento TSRna PanCancer 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	350	Distrofia Miotónica Tipo 1, 1 muestra	3 o más	2	1

ANEXO I

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
LDG	351	Procesamiento Distrofia Miotónica Tipo 1, 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	352	Extracción RNA	3 o más	2	1
LDG	353	Cáncer Hereditario Panel F 48 muestras	3 o más	2	1
LDG	354	Procesamiento Cancer Hereditario Panel F 48 muestras	3 o más	2	1
LDG	355	Cáncer Hereditario Panel F 1 muestra (pool de 48 muestras)	3 o más	2	1
LDG	356	Procesamiento Cancer Hereditario Panel F 1 muestra (pool de 48 muestras)	3 o más	2	1
LDG	357	Genotipificación de genes de recombinación homóloga 24 muestras germinal	3 o más	2	1
LDG	358	Procesamiento Genotipificación de genes de recombinación homóloga 24 muestras germinal	3 o más	2	1
LDG	359	Genotipificación de genes de recombinación homóloga 1 muestra germinal (pool 24 muestras)	3 o más	2	1
LDG	360	Procesamiento Genotipificación de genes de recombinación homóloga 1 muestra germinal (pool 24 muestras)	3 o más	2	1
LDG	361	Genotipificación de genes de recombinación homóloga 10 muestras Somático	3 o más	2	1
LDG	362	Procesamiento Genotipificación de genes de recombinación homóloga 10 muestras Somático	3 o más	2	1
LDG	363	Genotipificación de genes de recombinación homóloga 1 muestra Somático (pool 10 muestras)	3 o más	2	1
LDG	364	Procesamiento Genotipificación de genes de recombinación homóloga 1 muestra Somático (pool 10 muestras)	3 o más	2	1
LDG	365	Panel Mieloide ARMY 5 muestras	3 o más	2	1
LDG	366	Procesamiento Panel Mieloide ARMY 5 muestras	3 o más	2	1
LDG	367	Panel Mieloide ARMY 1 muestra (pool 5 muestras)	3 o más	2	1
LDG	368	Procesamiento Panel Mieloide ARMY 1 muestra (pool 5 muestras)	3 o más	2	1
C. SERVICIOS DE DESARROLLO TECNOLÓGICO					
SSG	369	Consultor Bioingeniería (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SSG	370	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta monocanal (x pipeta)	15 o más	6 a 14	Hasta 5
SSG	371	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta multicanal (x pipeta)	15 o más	6 a 14	Hasta 5
SSG	372	Sistema de medición de red fría (por sensor)	16 o más	5 a 15	Hasta 4
SSG	373	Monitoreo de red fría (x hora)	16 o más	5 a 15	Hasta 4
SB	374	Consultor Bioinformático Junior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	375	Consultor Bioinformático Senior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	376	Servicios de alta demanda o recurrentes (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	377	Servicio especializado (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	378	Ánálisis on premise (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	379	Desarrollo de Software Senior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	380	Desarrollo de Software Junior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	381	Mantenimiento de Aplicativo (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	382	Consultoría de Desarrollo de Software Senior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	383	Consultoría de Desarrollo de Software Junior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
D. SERVICIOS DE CONSULTORÍA					
DI	384	Senior Científica, por hora	60 o más	17 a 59	Hasta 16
DI	385	Junior Científica, por hora	60 o más	17 a 59	Hasta 16
DVDI	386	Consultoría en gestión y transferencia de tecnología, por hora	60 o más	17 a 59	Hasta 16
DVDI	387	Ánálisis de patentabilidad de resultados de Investigación	3 o más	2	1

ANEXO I

Dept.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
DVDI	388	Análisis tecnológico comercial de resultados de investigación	3 o más	2	1
DVDI	389	Redacción de solicitud de patente	3 o más	2	1
DVDI	390	Redacción de solicitud de modelo de utilidad	3 o más	2	1
DVDI	391	Vigilancia Tecnológica Exploratoria/Benchmarking Tecnológico	3 o más	2	1
DVDI	392	Estudio preliminar de mercado/Quicklook/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	3 o más	2	1
DVDI	393	Mapa de Ruta Tecnológica completo (con mayor grado de detalle)	3 o más	2	1
DVDI	394	Modelo de Negocio (Business Model Canvas) y Ruta de Comercialización (Commercialization Roadmap)/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	3 o más	2	1
DVDI	395	Mapa de Ruta Tecnológica por sesión	3 o más	2	1

ANEXO II

POLÍTICA ESPECÍFICA DE SERVICIOS DE LA DIRECCIÓN DE ENSEÑANZA Y DIVULGACIÓN (DED)

E. SERVICIOS DE ENSEÑANZA

Dept.º	Clave del Dept.º	Denominación del servicio
DED	396	Actividad académica en línea o virtual de 1-5 horas
DED	397	Actividad académica en línea o virtual de 6-10 horas
DED	398	Actividad académica en línea o virtual de 11-15 horas
DED	399	Actividad académica en línea o virtual de 16-20 horas
DED	400	Actividad académica en línea o virtual de 21-30 horas
DED	401	Actividad académica en línea o virtual de 31-40 horas
DED	402	Actividad académica presencial por día

I. Debido a las condiciones cambiantes del mercado y a las necesidades particulares de las actividades académicas de Enseñanza y Divulgación, es que se clasifican las tarifas en cuatro Niveles en función de la modalidad y la duración de la Actividad Académica.

2. Definiciones y equivalencias:

2a. Actividad Académica en línea/ virtual / presencial: Se refiere a cursos, talleres, diplomados y congresos, más aquellos que la DED identifique como tales.

2b. Un día de actividad académica presencial equivale a 8 horas.

2c. Si la actividad académica (presencial, virtual o en línea) supera el rango de horas o día establecido en este catálogo, el costo total se obtendrá de la siguiente forma aplicándose para todos los niveles del tabulador.

Para actividad académica virtual o en línea:

$$\text{Costo del rango de horas más alto} + \text{Costo del rango de horas correspondientes a lo faltante para completar el total de la duración de la actividad} = \text{Costo total de la actividad con base en el número de horas}$$

Para actividad académica presencial: Se multiplicará el costo asignado por nivel por el número de días que dure la actividad.

3. Para el servicio de Actividad Académica (presencial, virtual o en línea) se aplicará el Nivel correspondiente al tipo de perfil como se describe a continuación:

Nivel del Tabulador	Tipo de perfil
1	Empleados del Inmegen y alumnos del Programa de Participación Estudiantil
2	Estudiantes e instituciones públicas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones públicas
3	Estudiantes e instituciones privadas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones privadas
4	Público en General y Organizaciones Privadas

ANEXO II

Requisitos para avalar el perfil:

3a. Empleados del Inmegen y alumnos del Programa de Participación Estudiantil.

Empleados del Inmegen: Presentar credencial vigente del Instituto.

Alumnos del Programa de Participación Estudiantil: Presentar credencial vigente del Instituto y estar debidamente registrado y en estatus "activo" en cualquiera de las estancias académicas del Programa de Participación Estudiantil (registrado en el Sistema de Administración Escolar).

3b. Estudiantes e instituciones públicas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones públicas.

Estudiantes: Presentar credencial vigente de su institución educativa y/o un documento emitido por la institución (constancia, certificado de estudios, etc.) donde se avale el perfil de estudiante activo.

Instituciones con convenios vigentes de colaboración académica: En este rubro se considera a toda persona que pertenezca a alguna institución pública con convenio de colaboración con el Inmegen. Se le solicitará credencial vigente o algún documento que avale su pertenencia a la institución para cotejar la información.

Médicos residentes: Presentar credencial vigente de la institución privada en la cual esté realizando su residencia, o algún documento que lo acredite como médico residente.

3c. Estudiantes e instituciones privadas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones privadas.

Estudiantes: Presentar credencial vigente de su institución educativa y/o un documento emitido por la institución (constancia, certificado de estudios, etc.) donde se avale el perfil de estudiante activo.

Instituciones con convenios vigentes de colaboración académica: En este rubro se considera a toda persona que pertenezca a alguna institución privada con convenio de colaboración con el Inmegen. Se le solicitará credencial vigente o algún documento que avale su pertenencia a la institución para cotejar la información.

Médicos residentes: Presentar credencial vigente de la institución privada en el cual esté realizando su residencia, o algún documento que lo acredite como médico residente.

3d. Público en General y Organizaciones Privadas

Público en General: Para las actividades académicas que requieran un perfil específico, deberán presentar documento probatorio que se solicite según sea el caso (Título, cédula profesional u otro).

Organizaciones Privadas: Credencial vigente de la empresa a la que pertenezca.

4. Perfil TASA CERO en el cobro

Estudiantes y trabajadores: Presentar credencial vigente de su institución y/o un documento emitido por la institución (constancia, certificado de estudios, etc.) donde se avale el perfil activo, cartas de exposición de motivos y de recomendación para solicitud TASA CERO en el cobro.

Carta de aceptación de la solicitud TASA CERO en el cobro emitida por la DED, obtenida en la evaluación de los documentos presentados por el interesado.

La TASA CERO no es aplicable para las actividades académicas cuyo aval requiera un costo.

5. Constancias

El usuario pagará las constancias de actividades académicas (presencial, virtual o en línea) con aval universitario u otro que lo requiera, independientemente del Nivel del Tabulador correspondiente por la actividad.

6. Facturación

Para la facturación por los servicios contratados, deberá entregar en tiempo y forma los datos que solicite la Dirección de Administración.