

# Introducción a Bioinformática



Dra. Alejandra Cervera Taboada  
Dr. Hugo A. Tovar Romero  
Profesores del curso

## Objetivo

Que los participantes se familiaricen con la línea de comando en Linux, realicen la ejecución de un programa para procesamiento de datos de RNA-seq y utilicen el lenguaje de programación R y la plataforma RStudio para analizar sus datos.

## Perfil de ingreso

Profesionistas y/o estudiantes de genómica o campos afines, interesados en aprender sobre bioinformática. No requiere conocimientos previos de programación.

## Temario

- Módulo 1. Introducción a la línea de comando
- Módulo 2. Ejecutar programas
- Módulo 3. Introducción a R
- Módulo 4. Tus primeros análisis en R

Contacto: [cursosec@inmegen.edu.mx](mailto:cursosec@inmegen.edu.mx)

## Costos del curso

**\$1,607** Empleados y estudiantes activos\* (INMEGEN)

**\$2,007** Estudiantes, trabajadores\*\* y médicos residentes de instituciones públicas

**\$2,407** Estudiantes, trabajadores\*\* y médicos residentes de instituciones privadas

**\$2,813** Público en general  
Pesos mexicanos (incluye IVA)

\* Estudiantes en estatus "activo" del Programa de Participación Estudiantil

\*\* Provenientes de instituciones con convenios de colaboración vigentes con el INMEGEN

## Acerca del curso

**Inscripciones:** 09 de dic, 2024 al 17 ene, 2025

**Duración:** 20 - 24 ene, 2025 (20 horas)

**Horario:** Lunes a viernes · 10 a 14 h

**Créditos otorgados:** 2 créditos de valor curricular

[Inscripciones aquí](#)

