

Anexo I

Política para alto y bajo volumen en los servicios de la Unidad de Proteómica

Servicio	Bajo volumen	Alto volumen (a partir de )	
Gel 1D 7cm Coomassie (sin BE) <b>(cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor; no incluye buffer de extracción para 2D)</b>	1-5 geles	6 geles	se modifica
Lowry modificado (1x duplicado) <b>(cantidad: 1 muestra más una réplica)</b>	1-20 muestras	21 muestras	se modifica
2D Quant kit (1 muestra x dup) <b>(cantidad: una muestra más una réplica)</b>	1-20 muestras	21 muestras	se modifica
Depleción de Albúmina-IgGs <b>(cantidad: 1 muestra de 150ul de suero, plasma o extracto proteico de biopsia)</b>	1-10 muestras	11 muestras	se modifica
IEF 7cm pH 3-10 <b>(cantidad: 1 tira; una muestra)</b>	1-10 muestras	11 muestras	se modifica
IEF 7 cm pH 3-10NL, pH 4-7 <b>(cantidad: 1 tira; una muestra)</b>	1-10 muestras	11 muestras	se modifica
IEF 18 cm pH 3-10NL <b>(cantidad: 1 tira; una muestra)</b>	1-10 muestras	11 muestras	se modifica
IEF 24 cm pH 3-10, pH 4-7 <b>(cantidad: 1 tira; una muestra)</b>	1-10 muestras	11 muestras	se modifica
Gel 2D 7cm Coomassie <b>(cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)</b>	1-6 geles	7 geles	se modifica
Gel 2D 7cm Oriole <b>(cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)</b>	1-6 geles	7 geles	se modifica
Gel 2D 7cm Sypro <b>(cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)</b>	1-6 geles	7 geles	se modifica
Gel 2D 18cm Coomassie <b>(cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)</b>	1-6 geles	7 geles	se modifica

Gel 2D 18cm Oriole ( <b>cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra</b> )	1-6 geles	7 geles	se modifica
Gel 2D 18cm Sypro ( <b>cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra</b> )	1-6 geles	7 geles	se modifica
Gel 2D 24cm Coomassie ( <b>cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra</b> )	1-6 geles	7 geles	se modifica
Gel 2D 24cm Oriole ( <b>cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra</b> )	1-6 geles	7 geles	se modifica
Gel 2D 24cm Sypro ( <b>cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra</b> )	1-6 geles	7 geles	se modifica
Comparación geles 2D ( <b>cantidad: 2 condiciones experimentales con 3 imágenes de geles cada una</b> )	1-9 imágenes	10 imágenes	se modifica
DIGE: 2D 24cm CyDye Min ( <b>cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor</b> )	1-5geles	6 geles	se modifica
DIGE: 2D 24cm CyDye Sat ( <b>cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor</b> )	1-5 geles	6 geles	se modifica
Comparación geles DIGE ( <b>cantidad: 2 geles</b> )	1-5 geles	6 geles	se modifica
Spot handling workstation ( <b>cantidad: a partir de 48 spots y hasta 96</b> )	1-96 spots	97 spots	se modifica
LC Tandem MS (banda gel 1D) ( <b>cantidad: 1 banda de gel 1D 2mm3; máximo 10 proteínas/ muestra</b> )	1-14 bandas	15 bandas	se modifica
Identificación de proteínas por MS/MS 1D ( <b>cantidad: 1 banda de gel 1D 2mm3</b> )	1-20 bandas	21 bandas	se modifica
Identificación de proteínas MSMS 2D ( <b>cantidad: 1 spot de gel 2D teñido con coomassie</b> )	1-30 spots	31 spots	se modifica
MS péptidos y polímeros ( <b>cantidad: 1 muestra</b> )	1-40 muestras	41 muestras	se modifica
Determinación de masa proteínas ( <b>cantidad: 1 muestra</b> )	1-40 muestras	41 muestras	se modifica

Marcaje iTRAQ (cantidad: 1 muestra)	1-48 muestras	49 muestras	se modifica
-------------------------------------	---------------	-------------	-------------

### Anexo II

#### Política para alto y bajo volumen en los servicios de la Unidad de Secuenciación

Servicio	Bajo volumen	Alto volumen	
Secuenciación Capilar	De 1-96 reacciones	97 reacciones en adelante	se modifica
Secuenciación Capilar directa	De 1-96 reacciones	97 reacciones en adelante	se modifica
Lectura de fluorescencia capilar	De 1-96 reacciones	97 reacciones en adelante	se modifica
Microsatélites	De 1-96 reacciones	97 reacciones en adelante	se modifica
Purificación Centriseq, por placa	De 1 a 6 placas	De 7 placas en adelante	sin cambio
Cuantificación de ácidos nucleicos, fluorímetro, por reacción	1 a 40 muestras	41 muestras en adelante	se modifica
Exoma IL se modifica a Enriquecimiento exoma, por muestra	1 a 16 muestras	17 muestras en adelante	se modifica
Elaboración de Biblioteca (AmpliSeq), por pool	1 a 24 muestras	25 muestras en adelante	se modifica
Elaboración biblioteca IT, por muestra	1 a 24 muestras	25 muestras en adelante	se modifica
Elaboración biblioteca DNA IL, por muestra	1 a 24 muestras	25 muestras en adelante	se modifica
Elaboración de Biblioteca RNA, por muestra	1 a 24 muestras	25 muestras en adelante	se modifica
Purificación por AmpureBeads, por reacción	1 a 40 muestras	41 muestras en adelante	se modifica
Procesamiento Amplicones >3Kb, por muestra	1 a 40 aplicaciones	40 amplificaciones en adelante	se modifica

### Anexo III

#### Política para pedidos extraordinarios, alto y bajo volumen en los servicios de la Unidad de Microarreglos

##### Unidad de Microarreglos Plataformas: Illumina (PI), Affymetrix (PA), Agilent (PAg)

Servicio	Bajo volumen	Alto volumen (a partir de)	Pedidos Extraordinarios	
Genotipificación genoma completo PI, por muestra	47 muestras	48 muestras	No aplica	se modifica
Genotipificación por diseño PI, por muestra	96 muestras	192 muestras	480	se modifica
Epigenómica PI, por muestra	24 muestras	48 muestras	No aplica	se modifica
Expresión transcriptoma completo PI, por muestra	24 muestras	48 muestras	No aplica	se modifica
Genotipificación panel general PI, por muestra	24 muestras	48 muestras	No aplica	se modifica
Genotipificación panel ligamiento PI, por muestra	95 muestras	96 muestras	No aplica	se modifica

Control de calidad de biomoléculas Bioanalizador, por chip	2 chips	3 chips	60 muestras (para servicios transcriptoma completo PA)	se modifica
Genotipificación genoma completo PA, por muestra	1-15	16 muestras	100 muestras	se modifica
Farmacogenómica PA, por muestra	1-15	16 muestras	96 muestras	se modifica
Expresión transcriptoma completo PA, por muestra	1-15	16 muestras	60 muestras	se modifica
Expresión miRNA PA, por muestra	1-16	16 muestras	60 muestras	se modifica
Citogenética molecular PA, por muestra	1-23	24 muestras	48 muestras	se modifica
Expresión transcriptoma completo parafinadas PA, por muestra	1-15	16 muestras	60 muestras	se modifica
Genotipificación CGH PAg, por muestra	1-16 muestras	24 muestras	No aplica	se modifica
Control de calidad de biomoléculas PAg TapeStation, por muestra	1-15 muestras	16 muestras	No aplica	se modifica

#### Anexo IV

##### Política para alto y bajo volumen en los servicios de la Unidad de Citometría de Flujo

Servicio	Bajo volumen	Alto volumen	
Análisis Multiparamétrico por hora	1-5 hrs	6 hrs	se modifica
Separación Celular primera hora	1-2 hrs	3hrs	se modifica
Separación Celular adicional por hora de procesamiento	1-5 hrs	6 hrs	se modifica
Procesamiento de tejido para ciclo celular ( 1 muestra 50um de espesor)	1-3 pruebas	4 pruebas	se modifica

#### Anexo V

##### Política para alto y bajo volumen en los servicios del Laboratorio de Histología y Microscopía

SERVICIO	BAJO VOLUMEN	ALTO VOLUMEN	
Tinción con Hematoxilina y Eosina	1-4	5	nuevo
Inmunohistoquímica CON Ab-Sec -1Lam	1-4	5	nuevo
Inmunohistoquímica SIN Ab Sec -1 Lam	1-4	5	nuevo
Corte boque para tinción	1-4	5	nuevo
Corte por congelación	1-4	5	nuevo
Inclusión de tejido en parafina	1-4	5	nuevo
Inmunofluorescencia CON Ab-sec	1-4	5	nuevo
Inmunofluorescencia SIN Ab-sec	1-4	5	nuevo
Laminilla extra para Microdissección Láser	1-4	5	nuevo
Microfotografía campo claro-cualitativa (1 imagen)	1-4	5	nuevo
Microarreglo de Tejidos TMA, por laminilla o microarreglo	1-4	5	nuevo
Procesamiento de Tejidos	1-4	5	nuevo
Microscopía Confocal (uso por hora)	1-4	5	nuevo
Desparafinación	1-4	5	nuevo

Tinción Masson	1-4	5	nuevo
Tinción Perls	1-4	5	nuevo
Tinción PAS	1-4	5	nuevo
Tinción Reticulo	1-4	5	nuevo
Tinción Azul Alciano	1-4	5	nuevo
Tinción Especial DAPI	1-4	5	nuevo
Tinción Especial Texas red Faloidina	1-4	5	nuevo
Tinción Especial Alexa 488 Faloidina	1-4	5	nuevo
Tinción Especial Mitotracker red	1-4	5	nuevo
Tinción Especial Naranja Acridina	1-4	5	nuevo
Tinción Luxol Fast Blue	1-4	5	nuevo
Microscopía de Fluorescencia (uso por hora)	1-4	5	nuevo
Corte bloque para IHQ e IF	1-4	5	nuevo
CASPASA 3 IHQ 1 LAM	1-4	5	nuevo
CORTE LAM POLYLISINA IH-IF	1-4	5	nuevo
APO-BRDU TUNEL 1 LAM	1-4	5	nuevo

#### Anexo VI

#### Política para alto y bajo volumen en los servicios del Laboratorio de Medicina Traduccional

SERVICIOS	ALTO VOLUMEN	
Extracción de DNA, parafina, Maxwell, por muestra (paciente)	más de 16 muestras	NUEVA
Extracción de RNA Maxwell, por muestra (paciente)	más de 16 muestras	NUEVA
Extracción de DNA, parafina, Maxwell, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
HLA-A LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
HLA-B LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
HLA-C LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
HLA DR LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
HLA DQA-DQB LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
HLA DPA-DPB LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
TIPIFICACIÓN HLA PARA TRASPLANTE DE MEDULA ÓSEA ( Luminex), por muestra (paciente)	más de 24 muestras	NUEVA
TIPIFICACIÓN HLA PARA TRASPLANTE RENAL (Luminex), por muestra (paciente)	más de 24 muestras	NUEVA
HLA-A Y B, por muestra (paciente)	más de 24 muestras	NUEVA
Tipificación CYP2D6 por LUMINEX, por muestra (paciente)	más de 10 muestras	NUEVA

Tipificación CYP2C19 por LUMINEX, por muestra (paciente)	más de 10 muestras	NUEVA
Procesamiento HLA-A LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
Procesamiento HLA-B LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
Procesamiento HLA-C LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
Procesamiento HLA DR LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
Procesamiento HLA DQA-DQB LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
Procesamiento HLA DPA-DPB LUMINEX, por muestra (paciente)	mas de 48 muestras	NUEVA
Procesamiento TIPIFICACIÓN HLA PARA TRASPLANTE DE MEDULA ÓSEA ( Luminex), por muestra (paciente)	más de 24 muestras	NUEVA
Procesamiento TIPIFICACIÓN HLA PARA TRASPLANTE RENAL (Luminex), por muestra (paciente)	más de 24 muestras	NUEVA
Procesamiento HLA-A Y B, por muestra (paciente)	más de 24 muestras	NUEVA
Procesamiento Tipificación LUMINEX CYP2D6, por muestra (paciente)	más de 10 muestras	NUEVA
Procesamiento Tipificación LUMINEX CYP2C19, por muestra (paciente)	más de 10 muestras	NUEVA
Tipificación de HLA Alta Resolución (NGS), por 1 muestra (paciente)	más de 24 muestras	NUEVA
Tipificación de HLA Alta Resolución (NGS), por 4 muestras (paciente)	más de 24 muestras	NUEVA
Tipificación de HLA Alta Resolución (SANGER), por muestra (paciente)	más de 10 muestras	NUEVA
Determinación de Metilación por sonda Molecular (MLPA ), por muestra (paciente)	más de 10 muestras	NUEVA
Determinación por sonda Molecular (MLPA ), por muestra (paciente)	más de 10 muestras	NUEVA
Síndrome de X Frágil, por muestra (paciente)	más de 10 muestras	NUEVA
Síndrome de X Frágil Metilación, por muestra (paciente)	más de 10 muestras	NUEVA