



"2015, Año del Generalísimo José María Morelos y Pavón"

México, D. F., a 04 de noviembre de 2015  
DGPOP-8- -2015

**DR. FRANCISCO XAVIER SOBERÓN MAINERO**  
**DIRECTOR GENERAL DEL INSTITUTO**  
**NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA**  
**P R E S E N T E**

19881

Me refiero al oficio CCINSHAE/481/2015 de la Comisión Coordinadora de Institutos Nacionales de Salud y Hospitales de Alta Especialidad, mediante el cual solicita la autorización de modificación de los Tabuladores de Cuotas de Recuperación para ese Instituto; al respecto, con fundamento en los artículos 39 de la Ley Orgánica de la Administración Pública Federal, 6 y 7 de la Ley Federal de Presupuesto y Responsabilidad Hacendaria, 7 fracción II de su Reglamento, 1, 2 y 27 del Reglamento Interior de la Secretaría de Salud, le comunico que la Unidad de Política de Ingresos No Tributarios (UPINT) de la Secretaría de Hacienda y Crédito Público autorizó con oficio 349-B-405, a partir del 23 de noviembre de 2015, el tabulador correspondiente, a fin de adecuarlo a las necesidades operativas de esa entidad paraestatal (Anexo con 6 páginas).

Asimismo, señala que deberá remitir a la UPINT las cuotas de recuperación autorizadas que cobrará con un mínimo de 5 días antes de su aplicación, de conformidad con lo establecido en el artículo 26 del Reglamento de la Ley Federal de las Entidades Paraestatales. Respecto a adicionar el impuesto al valor agregado a las cuotas autorizadas, es de mencionar que deberá revisar la legislación vigente en la materia, a fin de aplicar el impuesto a los conceptos que les corresponda.

Sin más por el momento, aprovecho la ocasión para enviarle un cordial saludo.

**A T E N T A M E N T E**

**MTRO. JOSÉ GENARO MONTIEL RANGEL**  
**DIRECTOR GENERAL DE PROGRAMACIÓN,**  
**ORGANIZACIÓN Y PRESUPUESTO**



**ELABORÓ**  
C.P. LUIS JAIME SÁNCHEZ LÓPEZ  
JEFE DEL DEPTO. DE INGRESOS EXCEDENTES Y  
CUOTAS DE RECUPERACIÓN

**REVISÓ**  
C.P. ROSA EUGENIA GARCÍA RAMÍREZ  
DIRECTORA DE GESTIÓN PRESUPUESTAL

**VALIDÓ**  
ING. JORGE ESCAMILLA FLORES  
DIRECTOR GENERAL ADJUNTO DE GESTIÓN Y  
CONTROL PRESUPUESTAL

C.c.p. Lic. Marcela Velasco González, Subsecretaria de Administración y Finanzas.- Presente.  
Dr. Guillermo Miguel Ruiz -Palacios y Santos, Titular de la Comisión Coordinadora de Institutos Nacionales de Salud y Hospitales de Alta Especialidad.-Presente

**SHCP**

SECRETARÍA DE HACIENDA  
Y CRÉDITO PÚBLICO



**SUBSECRETARÍA DE INGRESOS**  
**Unidad de Política de Ingresos no Tributarios**

"2015, Año del Generalísimo José María Morelos y Pavón"

Oficio No. 349-B- 405

México, D.F. a 28 de octubre de 2015

**MTRO. JOSÉ GENARO MONTIEL RANGEL**  
**DIRECTOR GENERAL DE PROGRAMACIÓN,**  
**ORGANIZACIÓN Y PRESUPUESTO DE LA**  
**SECRETARÍA DE SALUD**  
**PRESENTE**

Hago referencia a su oficio número DGPOP-8-3196-2015 del 04 de septiembre del presente año, mediante el cual remitió para autorización de esta Secretaría la propuesta de tabulador de cuotas de recuperación del Instituto Nacional de Medicina Genómica.

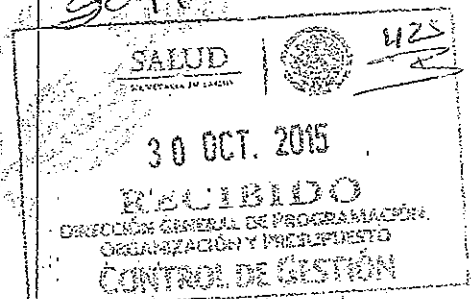
Considerando que las cuotas de recuperación propuestas por el organismo se determinaron con base en costos, que con las modificaciones formuladas por el Instituto se adecuará su tabulador de cuotas de recuperación a sus necesidades operativas, que mediante oficio No. 316-2015.6038 del 20 de octubre del año en curso la Secretaría de Economía emitió su opinión sobre la propuesta tarifaria de referencia; y con fundamento en los artículos 31, fracción X de la Ley Orgánica de la Administración Pública Federal, 15, fracción V de la Ley de Planeación, y 38, fracción VI del Reglamento Interior de la Secretaría de Hacienda y Crédito Público vigente, esta Secretaría autoriza a partir del 23 de noviembre del año en curso el tabulador de cuotas de recuperación del Instituto Nacional de Medicina Genómica, de conformidad con el anexo que forma parte integrante de este oficio (6 páginas).

No omito señalar que el Instituto deberá informar a esta Secretaría la aplicación de las cuotas de recuperación autorizadas con cinco días hábiles de anticipación, de conformidad con lo establecido en el artículo 26 del Reglamento de la Ley Federal de las Entidades Paraestatales. Asimismo, a las cuotas de recuperación citadas en el anexo se les adicionará el IVA de conformidad con la legislación vigente en la materia.

Sin más por el momento, reciba un cordial saludo.

**ATENTAMENTE**  
**EL JEFE DE LA UNIDAD**

**EDUARDO CAMERO GODÍNEZ**



CMP/HGG/AQ/...

Reg. 236

C.c.p.-

Dr. Miguel Messmacher Linartas.- Subsecretario de Ingresos.- Presente

Dr. Carlos Muñoz Piña.- Director General de Política de Ingresos no Tributarios.- Presente.

Palacio Nacional, edificio 12, piso 2, Col. Centro, Del. Cuauhtémoc, CP. 06000, México, D.F.

Tel.: (55) 3688 5890 www.hacienda.gob.mx



Oficio No. 349-B-405

## ANEXO

## INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA

## TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

| Departamento                         | Clave | Denominación del Servicio                                       | Nivel 1 | Nivel 2 | Nivel 3 | Nivel 4 | Nivel 5 | Nivel 6 | Nivel 7 | Nivel 8 |
|--------------------------------------|-------|-----------------------------------------------------------------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|
| <b>A. SERVICIOS DE INVESTIGACIÓN</b> |       |                                                                 |         |         |         |         |         |         |         |         |
| USec                                 | 1     | Secuenciación Capilar, por reacción                             | 105     | 110     | 116     | 125     | 131     | 135     | 138     | 145     |
| USec                                 | 2     | Secuenciación Capilar directa, por reacción                     | 178     | 210     | 242     | 299     | 339     | 339     | 339     | 339     |
| USec                                 | 3     | Lectura de Fluorescencia Capilar, por reacción                  | 26      | 33      | 40      | 53      | 61      | 67      | 70      | 79      |
| USec                                 | 4     | Microsatélites, por reacción                                    | 26      | 38      | 50      | 70      | 85      | 94      | 99      | 114     |
| USec                                 | 5     | Cuantificación ácidos nucleicos RNasa P, por reacción           | 16      | 19      | 22      | 28      | 32      | 34      | 36      | 40      |
| USec                                 | 6     | Cuantificación de ácidos nucleicos, fluorímetro, por reacción   | 8       | 17      | 26      | 43      | 54      | 61      | 66      | 78      |
| USec                                 | 7     | Enriquecimiento exoma, por muestra                              | 947     | 1,537   | 2,126   | 3,157   | 3,893   | 4,335   | 4,630   | 5,366   |
| USec                                 | 8     | Elaboración de Biblioteca (AmpliSeq), por pool                  | 486     | 530     | 574     | 650     | 705     | 738     | 760     | 814     |
| USec                                 | 9     | Elaboración biblioteca IT, por muestra                          | 149     | 214     | 278     | 390     | 470     | 518     | 550     | 631     |
| USec                                 | 10    | Elaboración biblioteca DNA IL, por muestra                      | 110     | 292     | 475     | 794     | 1,022   | 1,159   | 1,250   | 1,478   |
| USec                                 | 11    | Elaboración de Biblioteca RNA, por muestra                      | 527     | 615     | 703     | 856     | 966     | 1,032   | 1,076   | 1,186   |
| USec                                 | 12    | Electroforesis Automatizada por chip, por muestra               | 38      | 44      | 51      | 62      | 70      | 75      | 78      | 87      |
| USec                                 | 13    | Cuantificación de biblioteca IT, por reacción                   | 17      | 21      | 24      | 31      | 36      | 39      | 41      | 46      |
| USec                                 | 14    | Cuantificación de biblioteca Kappa, por reacción                | 14      | 18      | 22      | 29      | 34      | 37      | 39      | 44      |
| USec                                 | 15    | Amplificación clonal ePCR, por ensayo                           | 481     | 564     | 648     | 794     | 898     | 960     | 1,002   | 1,106   |
| USec                                 | 16    | Secuenciación mediante semiconductor, por chip                  | 54      | 265     | 476     | 845     | 1,109   | 1,267   | 1,372   | 1,636   |
| USec                                 | 17    | Procesamiento Semiconductor 314, por chip                       | 7       | 39      | 78      | 146     | 194     | 223     | 243     | 291     |
| USec                                 | 18    | Procesamiento Semiconductor 316, por chip                       | 5       | 23      | 46      | 87      | 116     | 133     | 145     | 174     |
| USec                                 | 19    | Procesamiento Semiconductor 318, por chip                       | 14      | 73      | 145     | 272     | 363     | 417     | 453     | 544     |
| USec                                 | 20    | Procesamiento Haloplex, 12 mx                                   | 1,405   | 2,134   | 2,863   | 4,139   | 5,050   | 5,596   | 5,961   | 6,872   |
| USec                                 | 21    | Purificación por AmpureBeads, por reacción                      | 34      | 51      | 68      | 99      | 120     | 133     | 142     | 164     |
| USec                                 | 22    | Procesamiento Amplicones >3Kb, por muestra                      | 14      | 46      | 79      | 135     | 176     | 200     | 216     | 257     |
| USec                                 | 23    | Cargado NextSeq, por chip                                       | 104     | 1,710   | 3,316   | 6,127   | 8,135   | 9,339   | 10,142  | 12,150  |
| USec                                 | 24    | Cargado MiSeq, por chip                                         | 140     | 1,096   | 2,053   | 3,727   | 4,923   | 5,641   | 6,119   | 7,315   |
| UMi                                  | 25    | Genotipificación genoma completo PI, por muestra                | 44      | 56      | 69      | 81      | 94      | 106     | 115     | 125     |
| UMi                                  | 26    | Genotipificación por diseño PI, por muestra                     | 68      | 80      | 92      | 105     | 117     | 130     | 139     | 148     |
| UMi                                  | 27    | Epigenómica PI, por muestra                                     | 89      | 101     | 113     | 126     | 138     | 151     | 160     | 169     |
| UMi                                  | 28    | Expresión transcriptoma completo PI, por muestra                | 346     | 359     | 373     | 386     | 400     | 413     | 423     | 433     |
| UMi                                  | 29    | Genotipificación panel general PI, por muestra                  | 24      | 37      | 50      | 63      | 75      | 88      | 98      | 107     |
| UMi                                  | 30    | Genotipificación panel ligamiento PI, por muestra               | 395     | 416     | 438     | 460     | 481     | 503     | 519     | 536     |
| UMi                                  | 31    | Control de calidad de biomoléculas PAg Bioanalyzer, 12 muestras | 60      | 80      | 101     | 121     | 142     | 163     | 178     | 193     |
| UMi                                  | 32    | Genotipificación genoma completo PA, por muestra                | 100     | 132     | 164     | 195     | 227     | 259     | 282     | 306     |
| UMi                                  | 33    | Farmacogenómica PA, por muestra                                 | 126     | 159     | 192     | 225     | 257     | 290     | 315     | 339     |
| UMi                                  | 34    | Expresión transcriptoma completo PA, por muestra                | 178     | 209     | 241     | 272     | 303     | 334     | 357     | 381     |
| UMi                                  | 35    | Expresión miRNA PA, por muestra                                 | 44      | 71      | 99      | 126     | 153     | 181     | 201     | 222     |
| UMi                                  | 36    | Citogenética molecular PA, por muestra                          | 82      | 115     | 147     | 180     | 213     | 246     | 270     | 295     |
| UMi                                  | 37    | Expresión transcriptoma completo parafinadas PA, por muestra    | 39      | 131     | 222     | 314     | 406     | 498     | 567     | 635     |
| UMi                                  | 38    | Genotipificación CGH PAg, por muestra                           | 120     | 128     | 136     | 145     | 153     | 161     | 167     | 173     |
| UMi                                  | 39    | Control de calidad de biomoléculas PAg TapeStation, por muestra | 28      | 36      | 44      | 52      | 60      | 68      | 74      | 80      |
| LHiM                                 | 40    | Tinción con Hematoxilina y Eosina                               | 11      | 12      | 13      | 14      | 15      | 16      | 16      | 17      |
| LHiM                                 | 41    | Inmunohistoquímica CON Ab Sec -1Lam                             | 116     | 126     | 136     | 147     | 157     | 163     | 167     | 178     |
| LHiM                                 | 42    | Inmunohistoquímica SIN Ab Sec -1Lam                             | 75      | 86      | 96      | 106     | 117     | 123     | 127     | 137     |
| LHiM                                 | 43    | Corte bloque para tinción                                       | 10      | 12      | 14      | 16      | 19      | 20      | 21      | 23      |
| LHiM                                 | 44    | Corte por congelación                                           | 20      | 128     | 236     | 345     | 453     | 518     | 561     | 670     |
| LHiM                                 | 45    | Inclusión de tejido en parafina                                 | 11      | 41      | 70      | 100     | 129     | 147     | 159     | 188     |
| LHiM                                 | 46    | Inmunofluorescencia CON Ab-sec                                  | 94      | 97      | 101     | 104     | 107     | 109     | 110     | 113     |
| LHiM                                 | 47    | Inmunofluorescencia SIN Ab-sec                                  | 85      | 88      | 91      | 94      | 97      | 99      | 101     | 104     |
| LHiM                                 | 48    | Laminilla extra para Microdissección Láser                      | 135     | 135     | 135     | 135     | 135     | 135     | 135     | 135     |
| LHiM                                 | 49    | Microfotografía campo claro-cualitativa (1 imagen)              | 2       | 37      | 75      | 112     | 150     | 172     | 187     | 225     |
| LHiM                                 | 50    | Microarreglo de Tejidos TMA, por laminilla o microarreglo       | 15      | 368     | 720     | 1,073   | 1,426   | 1,638   | 1,779   | 2,132   |
| LHiM                                 | 51    | Procesamiento de Tejidos                                        | 15      | 32      | 48      | 64      | 80      | 90      | 97      | 113     |
| LHiM                                 | 52    | Microscopía Confocal (uso por hora)                             | 50      | 138     | 275     | 413     | 550     | 633     | 688     | 826     |
| LHiM                                 | 53    | Désparafinación                                                 | 79      | 83      | 88      | 92      | 96      | 98      | 100     | 104     |
| LHiM                                 | 54    | Tinción Masson                                                  | 14      | 25      | 36      | 47      | 59      | 65      | 70      | 81      |



Oficio No. 349-B- 405

## ANEXO

## INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA

## TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

| Departamento | Clave | Denominación del Servicio                                                                                                          | Nivel 1 | Nivel 2 | Nivel 3 | Nivel 4 | Nivel 5 | Nivel 6 | Nivel 7 | Nivel 8 |
|--------------|-------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|
| LHIM         | 55    | Tinción Perl's                                                                                                                     | 9       | 20      | 30      | 40      | 50      | 57      | 61      | 71      |
| LHIM         | 56    | Tinción PAS                                                                                                                        | 9       | 20      | 32      | 44      | 56      | 63      | 67      | 79      |
| LHIM         | 57    | Tinción Reticulo                                                                                                                   | 45      | 61      | 78      | 94      | 110     | 120     | 127     | 143     |
| LHIM         | 58    | Tinción Azul Alciano                                                                                                               | 9       | 21      | 33      | 45      | 56      | 63      | 68      | 80      |
| LHIM         | 59    | Tinción Especial DAPI                                                                                                              | 19      | 36      | 52      | 69      | 85      | 95      | 101     | 118     |
| LHIM         | 60    | Tinción Especial Texas red Faloidina                                                                                               | 44      | 60      | 77      | 93      | 110     | 119     | 126     | 142     |
| LHIM         | 61    | Tinción Especial Alexa.488 Faloidina                                                                                               | 45      | 62      | 78      | 94      | 111     | 121     | 127     | 143     |
| LHIM         | 62    | Tinción Especial Mitotracker red                                                                                                   | 49      | 65      | 82      | 98      | 115     | 125     | 131     | 147     |
| LHIM         | 63    | Tinción Especial Naranja Acridina                                                                                                  | 19      | 35      | 52      | 68      | 84      | 94      | 101     | 117     |
| LHIM         | 64    | Tinción Luxol Fast Blue                                                                                                            | 11      | 24      | 38      | 51      | 64      | 72      | 77      | 90      |
| LHIM         | 65    | Microscopía de Fluorescencia (uso por hora)                                                                                        | 30      | 67      | 134     | 201     | 269     | 309     | 336     | 403     |
| LHIM         | 66    | Corte bloque para IHQ e IF                                                                                                         | 15      | 17      | 19      | 20      | 22      | 23      | 24      | 26      |
| LHIM         | 67    | Caspasa 3 IHQ (1 laminilla)                                                                                                        | 216     | 226     | 236     | 247     | 257     | 263     | 267     | 277     |
| LHIM         | 68    | Corte laminilla POLYLISINA IH-IF                                                                                                   | 12      | 14      | 16      | 18      | 20      | 22      | 23      | 25      |
| LHIM         | 69    | APO-BRDU TUNEL (1 laminilla)                                                                                                       | 213     | 223     | 234     | 244     | 255     | 261     | 265     | 275     |
| UPro         | 70    | Gel 1D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor)                                                   | 338     | 493     | 648     | 803     | 959     | 1,052   | 1,114   | 1,269   |
| UPro         | 71    | Gel 1D 7cm Coomassie (sin BE) (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor; no incluye buffer de extracción para 2D) | 232     | 698     | 1,164   | 1,629   | 2,095   | 2,375   | 2,561   | 3,027   |
| UPro         | 72    | Lowry modificado (cantidad: 1 muestra más una réplica)                                                                             | 34      | 60      | 86      | 113     | 139     | 155     | 165     | 191     |
| UPro         | 73    | 2D Quant kit (cantidad: 1 muestra más una réplica)                                                                                 | 230     | 272     | 313     | 354     | 395     | 420     | 437     | 478     |
| UPro         | 74    | Depleción de Albúmina-IgGs (cantidad: 1 muestra de 150ul de suero, plasma o extracto proteico de biopsia)                          | 629     | 730     | 831     | 932     | 1,033   | 1,093   | 1,134   | 1,234   |
| UPro         | 75    | IEF 7cm pH 3-10 (cantidad: 1 tira; una muestra)                                                                                    | 421     | 695     | 969     | 1,242   | 1,516   | 1,681   | 1,790   | 2,064   |
| UPro         | 76    | IEF 7 cm pH 3-10NL, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)                                                                         | 421     | 627     | 832     | 1,038   | 1,244   | 1,367   | 1,449   | 1,655   |
| UPro         | 77    | IEF 18 cm pH 3-10NL (cantidad: 1 tira; una muestra)                                                                                | 491     | 697     | 902     | 1,108   | 1,314   | 1,437   | 1,519   | 1,725   |
| UPro         | 78    | IEF 24 cm pH 3-10, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)                                                                          | 565     | 771     | 977     | 1,182   | 1,388   | 1,511   | 1,593   | 1,799   |
| UPro         | 79    | Gel 2D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                       | 845     | 996     | 1,147   | 1,298   | 1,449   | 1,540   | 1,600   | 1,751   |
| UPro         | 80    | Gel 2D 7cm Oriole (cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                          | 1,141   | 1,290   | 1,439   | 1,588   | 1,738   | 1,827   | 1,887   | 2,036   |
| UPro         | 81    | Gel 2D 7cm Sypro (cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                           | 1,331   | 1,481   | 1,630   | 1,780   | 1,929   | 2,019   | 2,078   | 2,228   |
| UPro         | 82    | Gel 2D 13cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 13x20cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                    | 1,828   | 2,196   | 2,565   | 2,934   | 3,302   | 3,523   | 3,671   | 4,039   |
| UPro         | 83    | Gel 2D 13cm Oriole (cantidad: 1 gel de 13x20cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                       | 2,708   | 3,072   | 3,436   | 3,800   | 4,164   | 4,382   | 4,528   | 4,892   |
| UPro         | 84    | Gel 2D 13cm Sypro (cantidad: 1 gel de 13x20cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                        | 3,767   | 4,132   | 4,497   | 4,863   | 5,228   | 5,447   | 5,593   | 5,958   |
| UPro         | 85    | Gel 2D 18cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                    | 1,828   | 1,986   | 2,144   | 2,302   | 2,460   | 2,554   | 2,618   | 2,776   |
| UPro         | 86    | Gel 2D 18cm Oriole (cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                       | 2,762   | 2,918   | 3,074   | 3,230   | 3,386   | 3,479   | 3,542   | 3,698   |
| UPro         | 87    | Gel 2D 18cm Sypro (cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                        | 3,773   | 3,930   | 4,086   | 4,243   | 4,399   | 4,493   | 4,556   | 4,712   |
| UPro         | 88    | Gel 2D 24cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                    | 2,646   | 2,784   | 2,921   | 3,059   | 3,197   | 3,279   | 3,334   | 3,472   |
| UPro         | 89    | Gel 2D 24cm Oriole (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                       | 3,195   | 3,331   | 3,467   | 3,603   | 3,739   | 3,820   | 3,875   | 4,010   |
| UPro         | 90    | Gel 2D 24cm Sypro (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra)                                                        | 4,712   | 4,848   | 4,985   | 5,121   | 5,257   | 5,339   | 5,394   | 5,530   |
| UPro         | 91    | Análisis de geles 2D (cantidad: 2 condiciones experimentales con 3 imágenes de geles cada una)                                     | 6,593   | 7,252   | 7,911   | 8,570   | 9,230   | 9,691   | 9,968   | 10,153  |
| UPro         | 92    | Gel 2D 24cm CyDye Min (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor)                                                                 | 6,498   | 6,789   | 7,080   | 7,370   | 7,661   | 7,835   | 7,952   | 8,242   |
| UPro         | 93    | Gel 2D 24cm CyDye Sat (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor)                                                                 | 3,181   | 3,432   | 3,683   | 3,933   | 4,184   | 4,335   | 4,435   | 4,686   |

Oficio No. 349-B- 405

**ANEXO**

**INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA**

**TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN**

(Cifras en pesos)

| Departamento                 | Clave | Denominación del Servicio                                                                                 | Nivel 1 | Nivel 2 | Nivel 3 | Nivel 4 | Nivel 5 | Nivel 6 | Nivel 7 | Nivel 8 |
|------------------------------|-------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|
| UPro                         | 94    | Análisis de geles DIGE (cantidad: 2 geles)                                                                | 6,730   | 7,403   | 8,076   | 8,749   | 9,422   | 9,893   | 10,175  | 10,364  |
| UPro                         | 95    | Spot handling workstation (cantidad: a partir de 48 spots y hasta 96)                                     | 3,320   | 4,889   | 6,458   | 8,026   | 9,595   | 10,537  | 11,164  | 12,733  |
| UPro                         | 96    | LC_Tandem.MS (banda gel 1D) (cantidad: 1 banda de gel 1D 2mm3; máximo 10 proteínas/ muestra)              | 1,608   | 2,934   | 4,261   | 5,588   | 6,915   | 7,711   | 8,242   | 9,568   |
| UPro                         | 97    | Identificación de proteínas por MS/MS 1D (cantidad: 1 banda de gel 1D 2mm3)                               | 677     | 819     | 962     | 1,105   | 1,247   | 1,333   | 1,390   | 1,533   |
| UPro                         | 98    | Identificación de proteínas MSMS 2D (cantidad: 1 spot de gel 2D teñido con coomassie)                     | 674     | 817     | 959     | 1,102   | 1,245   | 1,330   | 1,387   | 1,530   |
| UPro                         | 99    | MS péptidos y polímeros (cantidad: 1 muestra)                                                             | 596     | 927     | 1,258   | 1,589   | 1,920   | 2,118   | 2,251   | 2,582   |
| UPro                         | 100   | Determinación de masa proteínas (cantidad: 1 muestra)                                                     | 402     | 547     | 691     | 835     | 980     | 1,066   | 1,124   | 1,269   |
| UPro                         | 101   | Marcaje iTRAQ (cantidad: 1 muestra)                                                                       | 2,331   | 3,013   | 3,694   | 4,376   | 5,058   | 5,467   | 5,739   | 6,421   |
| UCIF                         | 102   | Análisis Inmunofenotipos por hora                                                                         | 88      | 307     | 525     | 743     | 961     | 1,179   | 1,343   | 1,506   |
| UCIF                         | 103   | Separación Celular Inicialización                                                                         | 256     | 268     | 281     | 294     | 307     | 332     | 358     | 384     |
| UCIF                         | 104   | Separación Celular por hora de procesamiento                                                              | 80      | 302     | 523     | 745     | 967     | 1,188   | 1,354   | 1,521   |
| UCIF                         | 105   | Uso reactivo / DNA QC PARTICLES (1 test)                                                                  | 309     | 324     | 340     | 355     | 371     | 401     | 432     | 463     |
| UCIF                         | 106   | Uso reactivo / CYCLETEST PLUS DNA REAGENT KIT (1 test)                                                    | 121     | 127     | 133     | 139     | 145     | 157     | 169     | 181     |
| UCIF                         | 107   | Procesamiento de tejido para ciclo celular (1 muestra 50um de espesor)                                    | 184     | 240     | 295     | 351     | 407     | 462     | 504     | 545     |
| UCIF                         | 108   | Anexina                                                                                                   | 96      | 96      | 96      | 96      | 96      | 96      | 96      | 96      |
| UCIF                         | 109   | Análisis multiparámetro (citómetro acústico)                                                              | 90      | 159     | 229     | 298     | 368     | 437     | 489     | 541     |
| UCIF                         | 110   | Viabilidad y conteo celular automatizado (TC20)                                                           | 19      | 28      | 37      | 46      | 55      | 64      | 71      | 78      |
| <b>B. SERVICIOS CLÍNICOS</b> |       |                                                                                                           |         |         |         |         |         |         |         |         |
| LDG                          | 111   | HID12 a 5 uL sin kit de toma de muestra = PERFIL GENÉTICO DE STR 12 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS               | 3,524   | 3,576   | 3,628   | 3,680   | 8,000   | 10,800  | 11,000  | 11,500  |
| LDG                          | 112   | Procesamiento HID12 a 5 uL sin kit de toma de muestra = PERFIL GENÉTICO DE STR 12 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS | 93      | 145     | 197     | 249     | 8,000   | 10,800  | 11,000  | 11,500  |
| LDG                          | 113   | HID4 = PERFIL GENÉTICO DE STR 4 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS                                                   | 1,426   | 4,500   | 4,500   | 4,500   | 4,500   | 5,000   | 5,800   | 6,400   |
| LDG                          | 114   | HID3 = PERFIL GENÉTICO DE STR 3 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS                                                   | 1,286   | 3,270   | 3,270   | 3,270   | 3,270   | 3,400   | 3,900   | 4,500   |
| LDG                          | 115   | HID2 = PERFIL GENÉTICO DE STR 2 MUESTRAS Y/O INDIVIDUOS                                                   | 864     | 2,950   | 2,950   | 2,950   | 2,950   | 3,050   | 3,360   | 3,900   |
| LDG                          | 116   | HID1 = PERFIL GENÉTICO DE STR 1 MUESTRA Y/O INDIVIDUO                                                     | 746     | 1,840   | 1,840   | 1,840   | 1,840   | 2,116   | 2,700   | 3,000   |
| LDG                          | 117   | Paternidad / Reposición de Material para Prueba de Paternidad sin hisopos                                 | 112     | 112     | 112     | 112     | 112     | 112     | 112     | 112     |
| LDG                          | 118   | Paternidad / Hisopos (por pieza)                                                                          | 12      | 12      | 12      | 12      | 12      | 12      | 12      | 12      |
| LDG                          | 119   | Procesamiento Quimerismo análisis de 4 muestras                                                           | 64      | 152     | 239     | 327     | 414     | 3,180   | 3,545   | 3,945   |
| LDG                          | 120   | Quimerismo análisis de 4 muestras                                                                         | 1,619   | 1,707   | 1,794   | 1,882   | 1,969   | 4,735   | 5,100   | 5,500   |
| LDG                          | 121   | Procesamiento Quimerismo análisis de 3 muestras                                                           | 62      | 149     | 237     | 324     | 412     | 2,849   | 3,214   | 3,614   |
| LDG                          | 122   | Quimerismo análisis de 3 muestras                                                                         | 1,448   | 1,535   | 1,623   | 1,710   | 1,798   | 4,235   | 4,600   | 5,000   |
| LDG                          | 123   | Procesamiento Quimerismo análisis de 2 muestras                                                           | 57      | 144     | 232     | 320     | 407     | 2,822   | 3,187   | 3,587   |
| LDG                          | 124   | Quimerismo análisis de 2 muestras                                                                         | 1,270   | 1,358   | 1,445   | 1,533   | 1,620   | 4,035   | 4,400   | 4,800   |
| LDG                          | 125   | Procesamiento Quimerismo análisis de 1 muestra                                                            | 59      | 146     | 234     | 321     | 409     | 2,518   | 2,883   | 3,183   |
| LDG                          | 126   | Quimerismo análisis de 1 muestra                                                                          | 1,076   | 1,163   | 1,251   | 1,338   | 1,426   | 3,535   | 3,900   | 4,200   |
| LDG                          | 127   | Farmacogenómica / sólo análisis 1 SNP 88 muestras procesamiento                                           | 15      | 39      | 63      | 87      | 111     | 125     | 135     | 159     |
| LDG                          | 128   | Farmacogenómica / sólo análisis 1 SNP 88 muestras                                                         | 1,759   | 1,783   | 1,807   | 1,831   | 1,855   | 1,869   | 1,879   | 1,903   |
| LDG                          | 129   | Farmacogenómica / sólo análisis 8 SNP 4 muestras procesamiento                                            | 20      | 44      | 68      | 92      | 116     | 131     | 140     | 164     |
| LDG                          | 130   | Farmacogenómica / sólo análisis 8 SNP 4 muestras                                                          | 1,633   | 1,657   | 1,681   | 1,705   | 1,729   | 1,744   | 1,753   | 1,777   |
| LDG                          | 131   | Farmacogenómica / sólo análisis 4 SNP 16 muestras procesamiento                                           | 17      | 41      | 65      | 89      | 113     | 127     | 137     | 161     |
| LDG                          | 132   | Farmacogenómica / sólo análisis 4 SNP 16 muestras                                                         | 1,596   | 1,620   | 1,644   | 1,668   | 1,692   | 1,706   | 1,716   | 1,740   |
| LDG                          | 133   | Farmacogenómica / Procesamiento 1 SNP                                                                     | 14      | 38      | 62      | 86      | 386     | 766     | 1,066   | 1,366   |

# SHCP

SECRETARÍA DE HACIENDA  
Y CRÉDITO PÚBLICO



SUBSECRETARÍA DE INGRESOS  
Unidad de Política de Ingresos no Tributarios

Oficio No. 349-B- 405

## ANEXO

### INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA

#### TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN

(Cifras en pesos)

| Departamento | Clave | Denominación del Servicio                                                                                         | Nivel 1 | Nivel 2 | Nivel 3 | Nivel 4 | Nivel 5 | Nivel 6 | Nivel 7 | Nivel 8 |
|--------------|-------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|
| LDG          | 134   | Farmacogenómica / 1 SNP                                                                                           | 447     | 472     | 496     | 520     | 820     | 1,200   | 1,500   | 1,800   |
| LDG          | 135   | Farmacogenómica / Procesamiento 2 SNP                                                                             | 14      | 38      | 62      | 86      | 110     | 720     | 1,020   | 1,320   |
| LDG          | 136   | Farmacogenómica / 2 SNPs                                                                                          | 594     | 618     | 642     | 666     | 691     | 1,300   | 1,600   | 1,900   |
| LDG          | 137   | Farmacogenómica / Procesamiento 3 SNP                                                                             | 14      | 38      | 62      | 86      | 110     | 673     | 973     | 1,273   |
| LDG          | 138   | Farmacogenómica / 3 SNPs                                                                                          | 740     | 765     | 789     | 813     | 837     | 1,400   | 1,700   | 2,000   |
| LDG          | 139   | Farmacogenómica / Procesamiento 4 SNP                                                                             | 14      | 38      | 62      | 86      | 110     | 627     | 927     | 1,227   |
| LDG          | 140   | Farmacogenómica / 4 SNPs                                                                                          | 887     | 911     | 935     | 959     | 984     | 1,500   | 1,800   | 2,100   |
| LDG          | 141   | Farmacogenómica / Procesamiento 5 SNP                                                                             | 14      | 38      | 62      | 86      | 110     | 580     | 880     | 1,180   |
| LDG          | 142   | Farmacogenómica / 5 SNPs                                                                                          | 1,033   | 1,058   | 1,082   | 1,106   | 1,130   | 1,600   | 1,900   | 2,200   |
| LDG          | 143   | Farmacogenómica / Procesamiento 6 SNP                                                                             | 14      | 38      | 62      | 86      | 110     | 534     | 834     | 1,134   |
| LDG          | 144   | Farmacogenómica / 6 SNPs                                                                                          | 1,180   | 1,204   | 1,228   | 1,252   | 1,277   | 1,700   | 2,000   | 2,300   |
| LDG          | 145   | Farmacogenómica / Procesamiento 7 SNP                                                                             | 14      | 42      | 71      | 99      | 128     | 702     | 802     | 902     |
| LDG          | 146   | Farmacogenómica / 7 SNPs                                                                                          | 1,512   | 1,540   | 1,569   | 1,597   | 1,626   | 2,200   | 2,300   | 2,400   |
| LDG          | 147   | Farmacogenómica / Procesamiento 8 SNP                                                                             | 14      | 42      | 71      | 99      | 128     | 655     | 755     | 855     |
| LDG          | 148   | Farmacogenómica / 8 SNPs                                                                                          | 1,658   | 1,687   | 1,715   | 1,744   | 1,772   | 2,300   | 2,400   | 2,500   |
| LDG          | 149   | Farmacogenómica / Procesamiento 9 SNP                                                                             | 14      | 42      | 71      | 99      | 128     | 609     | 809     | 909     |
| LDG          | 150   | Farmacogenómica / 9 SNPs                                                                                          | 1,805   | 1,833   | 1,862   | 1,890   | 1,919   | 2,400   | 2,600   | 2,700   |
| LDG          | 151   | Farmacogenómica / Procesamiento 10 SNP                                                                            | 14      | 42      | 71      | 99      | 128     | 562     | 762     | 862     |
| LDG          | 152   | Farmacogenómica / 10 SNPs                                                                                         | 1,951   | 1,980   | 2,008   | 2,037   | 2,065   | 2,500   | 2,700   | 2,800   |
| LDG          | 153   | Farmacogenómica / Procesamiento 11 SNP                                                                            | 14      | 42      | 71      | 99      | 128     | 494     | 694     | 794     |
| LDG          | 154   | Farmacogenómica / 11 SNPs                                                                                         | 2,220   | 2,249   | 2,277   | 2,306   | 2,334   | 2,700   | 2,900   | 3,000   |
| LDG          | 155   | Farmacogenómica / Procesamiento 12 SNP                                                                            | 14      | 42      | 71      | 99      | 128     | 443     | 643     | 743     |
| LDG          | 156   | Farmacogenómica / 12 SNPs                                                                                         | 2,370   | 2,399   | 2,427   | 2,456   | 2,484   | 2,800   | 3,000   | 3,100   |
| LDG          | 157   | Panel de Sensibilidad a Procesamiento Acenocumarol                                                                | 14      | 38      | 62      | 86      | 110     | 1,588   | 1,788   | 2,088   |
| LDG          | 158   | Panel de Sensibilidad a Acenocumarol                                                                              | 926     | 950     | 974     | 998     | 1,023   | 2,500   | 2,700   | 3,000   |
| LDG          | 159   | Panel de Sensibilidad a Procesamiento Warfarina                                                                   | 14      | 38      | 62      | 86      | 110     | 1,588   | 1,788   | 2,088   |
| LDG          | 160   | Panel de Sensibilidad a Warfarina                                                                                 | 926     | 950     | 974     | 998     | 1,023   | 2,500   | 2,700   | 3,000   |
| LDG          | 161   | Procesamiento Panel de Genotipificación de CYP2C19                                                                | 14      | 38      | 62      | 86      | 110     | 1,754   | 1,954   | 2,254   |
| LDG          | 162   | Panel de Genotipificación de CYP2C19                                                                              | 760     | 784     | 808     | 832     | 857     | 2,500   | 2,700   | 3,000   |
| LDG          | 163   | Procesamiento de Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológico, plasma y suero                | 11      | 21      | 30      | 40      | 49      | 322     | 375     | 427     |
| LDG          | 164   | Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológico, plasma y suero                                 | 110     | 119     | 129     | 138     | 148     | 420     | 473     | 525     |
| LDG          | 165   | Procesamiento Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA                           | 24      | 34      | 43      | 53      | 62      | 166     | 219     | 271     |
| LDG          | 166   | Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA                                         | 278     | 288     | 297     | 307     | 317     | 420     | 473     | 525     |
| LDG          | 167   | Procesamiento Extracción DNA con tratamiento de RNase A                                                           | 11      | 21      | 30      | 40      | 49      | 266     | 319     | 371     |
| LDG          | 168   | Extracción DNA con tratamiento de RNase A                                                                         | 165     | 175     | 185     | 194     | 204     | 420     | 473     | 525     |
| LDG          | 169   | Procesamiento Cuantificación DNA en tiempo real                                                                   | 13      | 80      | 147     | 214     | 281     | 321     | 347     | 414     |
| LDG          | 170   | Cuantificación DNA en tiempo real                                                                                 | 464     | 531     | 597     | 664     | 731     | 771     | 798     | 865     |
| LDG          | 171   | Procesamiento de Pruebas clínicas basadas en Amplificación Múltiple Dependiente de Sonda ALTA EFICIENCIA de 1 mix | 96      | 175     | 255     | 335     | 414     | 462     | 494     | 574     |
| LDG          | 172   | Pruebas clínicas basadas en Amplificación Múltiple Dependiente de Sonda ALTA EFICIENCIA de 1 mix                  | 1,345   | 1,425   | 1,505   | 1,585   | 1,664   | 1,712   | 1,744   | 1,824   |
| LDG          | 173   | PROCESAMIENTO Pruebas clínicas basadas en Amplificación Múltiple Dependiente de Sonda de ALTA EFICIENCIA de 2 mix | 140     | 219     | 299     | 379     | 458     | 506     | 538     | 618     |
| LDG          | 174   | Pruebas clínicas basadas en Amplificación Múltiple Dependiente de Sonda de ALTA EFICIENCIA de 2 mix               | 2,365   | 2,445   | 2,524   | 2,604   | 2,684   | 2,731   | 2,763   | 2,843   |
| LDG          | 175   | PROCESAMIENTO Pruebas clínicas basadas en Amplificación Múltiple Dependiente de Sonda 1mix                        | 96      | 175     | 255     | 335     | 414     | 462     | 494     | 574     |
| LDG          | 176   | Pruebas clínicas basadas en Amplificación Múltiple Dependiente de Sonda 1mix                                      | 2,223   | 2,303   | 2,382   | 2,462   | 2,542   | 2,590   | 2,621   | 2,701   |
| LDG          | 177   | PROCESAMIENTO Pruebas clínicas basadas en Amplificación Múltiple Dependiente de Sonda 2 mix                       | 140     | 219     | 299     | 379     | 458     | 506     | 538     | 618     |

Oficio No. 349-B- 405

**ANEXO**

**INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA**

**TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN**

(Cifras en pesos)

| Departamento | Clave | Denominación del Servicio                                                              | Nivel 1 | Nivel 2 | Nivel 3 | Nivel 4 | Nivel 5 | Nivel 6 | Nivel 7 | Nivel 8 |
|--------------|-------|----------------------------------------------------------------------------------------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|
| LDG          | 178   | Pruebas clínicas basadas en Amplificación Múltiple Dependiente de Sonda 2 mix          | 4,106   | 4,186   | 4,265   | 4,345   | 4,425   | 4,473   | 4,504   | 4,584   |
| LDG          | 179   | Procesamiento 10 Análisis de Fragmentos                                                | 79      | 119     | 159     | 199     | 239     | 1,259   | 1,559   | 1,759   |
| LDG          | 180   | 10 Análisis de Fragmentos                                                              | 620     | 660     | 700     | 740     | 780     | 1,800   | 2,100   | 2,300   |
| LDG          | 181   | Procesamiento Análisis de Fragmentos                                                   | 47      | 87      | 127     | 167     | 207     | 1,185   | 1,503   | 1,715   |
| LDG          | 182   | Análisis de Fragmentos                                                                 | 452     | 492     | 532     | 573     | 613     | 1,590   | 1,908   | 2,120   |
| LDG          | 183   | Procesamiento 10 Secuenciaciones                                                       | 57      | 104     | 152     | 199     | 246     | 996     | 1,314   | 1,526   |
| LDG          | 184   | 10 Secuenciaciones                                                                     | 1,748   | 1,795   | 1,842   | 1,889   | 1,936   | 2,686   | 3,004   | 3,216   |
| LDG          | 185   | Procesamiento Genotipificación por secuenciación                                       | 50      | 97      | 145     | 192     | 239     | 1,220   | 1,644   | 1,750   |
| LDG          | 186   | Genotipificación por secuenciación                                                     | 950     | 997     | 1,044   | 1,091   | 1,139   | 2,120   | 2,544   | 2,650   |
| LDG          | 187   | PRUEBA DE SECUENCIACIÓN CLÍNICA TIPO SANGER 5 amplicones                               | 5,004   | 5,084   | 5,164   | 5,243   | 5,323   | 5,371   | 5,403   | 5,483   |
| LDG          | 188   | PRUEBA DE SECUENCIACIÓN CLÍNICA TIPO SANGER 10 amplicones                              | 9,017   | 9,147   | 9,277   | 9,406   | 9,536   | 9,614   | 9,665   | 9,795   |
| LDG          | 189   | PRUEBA DE SECUENCIACIÓN CLÍNICA TIPO SANGER 15 amplicones                              | 14,089  | 14,269  | 14,448  | 14,627  | 14,807  | 14,914  | 14,986  | 15,166  |
| LDG          | 190   | PRUEBA DE SECUENCIACIÓN CLÍNICA TIPO SANGER 20 amplicones                              | 17,718  | 17,957  | 18,197  | 18,436  | 18,676  | 18,819  | 18,915  | 19,155  |
| LDG          | 191   | PRUEBA DE SECUENCIACIÓN CLÍNICA TIPO SANGER 25 amplicones                              | 21,370  | 21,635  | 21,899  | 22,163  | 22,428  | 22,586  | 22,692  | 22,956  |
| LDG          | 192   | PRUEBA DE SECUENCIACIÓN CLÍNICA TIPO SANGER 35 amplicones                              | 30,128  | 30,502  | 30,876  | 31,250  | 31,624  | 31,849  | 31,999  | 32,373  |
| LDG          | 193   | PRUEBA DE SECUENCIACIÓN CLÍNICA TIPO SANGER 45 amplicones                              | 37,189  | 37,663  | 38,137  | 38,611  | 39,084  | 39,369  | 39,558  | 40,032  |
| LDG          | 194   | PRUEBA DE SECUENCIACIÓN CLÍNICA TIPO SANGER 55 amplicones                              | 43,616  | 44,199  | 44,783  | 45,366  | 45,950  | 46,300  | 46,534  | 47,117  |
| LDG          | 195   | PRUEBA DE SECUENCIACIÓN CLÍNICA TIPO SANGER 65 amplicones                              | 53,223  | 53,881  | 54,540  | 55,198  | 55,856  | 56,251  | 56,515  | 57,173  |
| LDG          | 196   | Detección de Micoplasma en cultivo celulares                                           | 281     | 306     | 331     | 355     | 380     | 395     | 405     | 429     |
| LDG          | 197   | Análisis de PCR en tiempo real para placas de 96 pozos, 96 pozos tipo fast y 384 pozos | 10      | 54      | 98      | 141     | 185     | 212     | 229     | 273     |
| LDG          | 198   | Análisis de PCR en tiempo real para placas TLDA                                        | 10      | 29      | 47      | 66      | 84      | 95      | 103     | 121     |
| LDG          | 199   | Análisis de PCR punto final discriminación alélica en ViiA7                            | 10      | 17      | 23      | 30      | 37      | 42      | 44      | 51      |
| LDG          | 200   | Electroforesis Capilar para HID                                                        | 357     | 387     | 418     | 448     | 479     | 497     | 509     | 540     |
| LDG          | 201   | Extracción de DNA utilizando Oragene DNA OG-500                                        | 41      | 58      | 74      | 91      | 108     | 120     | 127     | 134     |
| LDG          | 202   | BCR ABL                                                                                | 9,580   | 9,626   | 9,673   | 9,719   | 9,765   | 9,792   | 9,811   | 9,857   |
| LDG          | 203   | BCR ABL alta eficiencia                                                                | 4,999   | 5,045   | 5,091   | 5,137   | 5,183   | 5,211   | 5,229   | 5,275   |
| LMT          | 204   | Extracción de DNA, sangre, Maxwell, por muestra (paciente)                             | 135     | 140     | 145     | 151     | 156     | 159     | 161     | 167     |
| LMT          | 205   | Extracción de RNA Maxwell, por muestra (paciente)                                      | 208     | 221     | 234     | 247     | 260     | 268     | 273     | 286     |
| LMT          | 206   | Extracción de DNA, parafina, Maxwell, por muestra (paciente)                           | 197     | 206     | 214     | 223     | 231     | 237     | 240     | 249     |
| LMT          | 207   | HLA-A LUMINEX, por muestra (paciente)                                                  | 480     | 509     | 537     | 565     | 594     | 611     | 622     | 651     |
| LMT          | 208   | HLA-B LUMINEX, por muestra (paciente)                                                  | 480     | 509     | 537     | 565     | 594     | 611     | 622     | 651     |
| LMT          | 209   | HLA-C LUMINEX, por muestra (paciente)                                                  | 480     | 509     | 537     | 565     | 594     | 611     | 622     | 651     |
| LMT          | 210   | HLA DR LUMINEX, por muestra (paciente)                                                 | 480     | 509     | 537     | 565     | 594     | 611     | 622     | 651     |
| LMT          | 211   | HLA DQA-DQB LUMINEX, por muestra (paciente)                                            | 487     | 515     | 543     | 572     | 600     | 617     | 628     | 657     |
| LMT          | 212   | HLA DPA-DPB LUMINEX, por muestra (paciente)                                            | 732     | 761     | 789     | 817     | 846     | 863     | 874     | 902     |
| LMT          | 213   | TIPIFICACIÓN HLA PARA TRASPLANTE DE MEDULA ÓSEA (Luminex), por muestra (paciente)      | 2,785   | 2,822   | 2,859   | 2,896   | 2,932   | 2,955   | 2,969   | 3,006   |
| LMT          | 214   | TIPIFICACIÓN HLA PARA TRASPLANTE RENAL (Luminex), por muestra (paciente)               | 2,141   | 2,178   | 2,214   | 2,251   | 2,288   | 2,310   | 2,324   | 2,361   |
| LMT          | 215   | HLA-A Y B, por muestra (paciente)                                                      | 869     | 901     | 933     | 965     | 997     | 1,016   | 1,029   | 1,061   |
| LMT          | 216   | Tipificación CYP2D6 por LUMINEX, por muestra (paciente)                                | 3,059   | 3,135   | 3,210   | 3,286   | 3,361   | 3,407   | 3,437   | 3,513   |
| LMT          | 217   | Tipificación CYP2C19 por LUMINEX, por muestra (paciente)                               | 1,747   | 1,818   | 1,889   | 1,960   | 2,030   | 2,073   | 2,101   | 2,172   |
| LMT          | 218   | Procesamiento HLA-A LUMINEX, por muestra (paciente)                                    | 112     | 140     | 169     | 197     | 225     | 242     | 254     | 282     |
| LMT          | 219   | Procesamiento HLA-B LUMINEX, por muestra (paciente)                                    | 112     | 140     | 169     | 197     | 225     | 242     | 254     | 282     |
| LMT          | 220   | Procesamiento HLA-C LUMINEX, por muestra (paciente)                                    | 112     | 140     | 169     | 197     | 225     | 242     | 254     | 282     |
| LMT          | 221   | Procesamiento HLA DR LUMINEX, por muestra (paciente)                                   | 112     | 140     | 169     | 197     | 225     | 242     | 254     | 282     |



Oficio No. 349-B- 405

**ANEXO**

**INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA**

**TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN**

(Cifras en pesos)

| Departamento                       | Clave | Denominación del Servicio                                                                                             | Nivel 1 | Nivel 2 | Nivel 3 | Nivel 4 | Nivel 5 | Nivel 6 | Nivel 7 | Nivel 8 |
|------------------------------------|-------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|
| LMT                                | 222   | Procesamiento HLA DQA-DQB LUMINEX, por muestra (paciente)                                                             | 118     | 147     | 175     | 203     | 232     | 249     | 260     | 289     |
| LMT                                | 223   | Procesamiento HLA DPA-DPB LUMINEX, por muestra (paciente)                                                             | 118     | 147     | 175     | 203     | 232     | 249     | 260     | 289     |
| LMT                                | 224   | Procesamiento TIPIFICACIÓN HLA PARA TRASPLANTE DE MEDULA ÓSEA (Luminex), por muestra (paciente)                       | 327     | 364     | 401     | 438     | 475     | 497     | 512     | 548     |
| LMT                                | 225   | Procesamiento TIPIFICACIÓN HLA PARA TRASPLANTE RENAL (Luminex), por muestra (paciente)                                | 297     | 334     | 371     | 408     | 444     | 466     | 481     | 518     |
| LMT                                | 226   | Procesamiento HLA-A Y B, por muestra (paciente)                                                                       | 131     | 163     | 195     | 227     | 259     | 278     | 291     | 323     |
| LMT                                | 227   | Procesamiento Tipificación LUMINEX CYP2D6, por muestra (paciente)                                                     | 16      | 91      | 167     | 243     | 318     | 363     | 394     | 469     |
| LMT                                | 228   | Procesamiento Tipificación LUMINEX CYP2C19, por muestra (paciente)                                                    | 24      | 95      | 166     | 237     | 308     | 351     | 379     | 450     |
| LMT                                | 229   | Tipificación de HLA Alta Resolución (NGS), por 1 muestra (genes HLA-A, B, C, DRB1, DRB3/4/5, DQA1, DQB1, DPA1, DPB1)  | 20,869  | 23,342  | 25,816  | 28,289  | 30,763  | 32,247  | 33,236  | 35,710  |
| LMT                                | 230   | Tipificación de HLA Alta Resolución (NGS), por 4 muestras (genes HLA-A, B, C, DRB1, DRB3/4/5, DQA1, DQB1, DPA1, DPB1) | 42,132  | 44,606  | 47,079  | 49,553  | 52,026  | 53,511  | 54,500  | 56,973  |
| LMT                                | 231   | Tipificación de HLA Alta Resolución (SANGER), por muestra (genes HLA-A, B, C, DRB1, DQB1)                             | 10,624  | 10,692  | 10,761  | 10,829  | 10,898  | 10,939  | 10,966  | 11,034  |
| LMT                                | 232   | Determinación de Metilación por sonda Molecular (MLPA), por muestra (paciente)                                        | 1,843   | 1,913   | 1,983   | 2,054   | 2,124   | 2,166   | 2,194   | 2,265   |
| LMT                                | 233   | Determinación por sonda Molecular (MLPA), por muestra (paciente)                                                      | 1,730   | 1,801   | 1,871   | 1,941   | 2,012   | 2,054   | 2,082   | 2,152   |
| LMT                                | 234   | Síndrome de X Frágil, por muestra (paciente)                                                                          | 1,370   | 1,412   | 1,455   | 1,497   | 1,539   | 1,565   | 1,582   | 1,624   |
| LMT                                | 235   | Síndrome de X Frágil Metilación, por muestra (paciente)                                                               | 2,805   | 2,852   | 2,900   | 2,947   | 2,995   | 3,023   | 3,042   | 3,090   |
| <b>C. SERVICIOS DE CONSULTORÍA</b> |       |                                                                                                                       |         |         |         |         |         |         |         |         |
| DI                                 | 236   | Senior Científica, por hora                                                                                           |         |         |         |         |         |         |         |         |
| DVDI                               | 237   | Senior de Negocios, por hora                                                                                          |         |         |         |         |         |         |         | 2,000   |
| DVDI                               | 238   | Senior de Propiedad Intelectual, por hora                                                                             |         |         |         |         |         |         |         | 1,500   |
| DI                                 | 239   | Junior Científica, por hora                                                                                           |         |         |         |         |         |         |         | 1,500   |
| DVDI                               | 240   | Junior de Negocios, por hora                                                                                          |         |         |         |         |         |         |         | 1,000   |
| DVDI                               | 241   | Junior de Propiedad Intelectual, por hora                                                                             |         |         |         |         |         |         |         | 700     |
| <b>D. SERVICIOS DE ENSEÑANZA</b>   |       |                                                                                                                       |         |         |         |         |         |         |         |         |
| DED                                | 242   | Cursos Presenciales de 5 a 15 horas (Cuota por Alumno)                                                                | 300     | 350     | 400     |         |         |         |         |         |
| DED                                | 243   | Cursos Presenciales de 16 a 47 horas (Cuota por Alumno)                                                               | 300     | 500     | 800     |         |         |         |         |         |
| DED                                | 244   | Cursos Presenciales de 48 horas (Cuota por Alumno)                                                                    | 910     | 1,000   | 1,100   |         |         |         |         |         |
| DED                                | 245   | Eventos (Actividad Académica)                                                                                         | 350     | 400     | 500     |         |         |         |         |         |
| DED                                | 246   | Cursos Presenciales de 48 horas (Cuota por Alumno)                                                                    | 730     | 800     | 880     |         |         |         |         |         |
| CID                                | 247   | Recuperación de artículos de revistas suscritas por el CID (cuota por hoja)                                           | 2       | 2       | 2       | 2       | 2       | 2       | 2       | 2       |
| CID                                | 248   | Impresión de Información (por página)                                                                                 | 2       | 2       | 2       | 2       | 2       | 2       | 2       | 2       |
| CID                                | 249   | Fotocopiado (por página)                                                                                              | 1       | 1       | 1       | 1       | 1       | 1       | 1       | 1       |