

DOF: 19/02/2021**CATÁLOGO de Cuotas de Recuperación del Instituto Nacional de Medicina Genómica.**

"Al margen un sello con el Escudo Nacional, que dice: Estados Unidos Mexicanos.- HACIENDA.- Secretaría de Hacienda y Crédito Público.- Subsecretaría de Ingresos.- Unidad de Política de Ingresos no Tributarios.- Dirección General de Política de Ingresos no Tributarios.- Oficio No. 349-B-1-039.

Ciudad de México, a 01 de diciembre de 2020.

**MTRO. FRANCISCO MARTÍNEZ MARTÍNEZ,
DIRECTOR GENERAL DE PROGRAMACIÓN Y PRESUPUESTO
DE LA UNIDAD DE ADMINISTRACIÓN Y FINANZAS
SECRETARÍA DE SALUD.
P r e s e n t e**

Hago referencia a su oficio No. DGPyP-1268-2020 del 03 de septiembre del presente año, mediante el cual remitió de esta Secretaría la propuesta tarifaria del Instituto Nacional de Medicina Genómica.

Considerando que la propuesta tarifaria fue revisada y analizada por esta Secretaría con las modificaciones propuestas se adecuará el tabulador de cuotas de recuperación a las necesidades operativas, que las cuotas formuladas por el Instituto cubren el costo de los servicios; con oficio No. 316.2020.1720 del 26 de noviembre de año en curso la Secretaría de Economía comunicó no tener inconvenientes en que se autorice la propuesta tarifaria en los términos presentados; y con fundamentos en los artículos 31, fracción X de la Ley Orgánica de la Administración Pública Federal; 15, fracción V de la Ley de Planeación; y 39, fracción V del Reglamento Interior de la Secretaría de Hacienda y Crédito Público vigente; esta Secretaría autoriza a partir del 15 de diciembre de 2020 el Tabulador de Cuotas de Recuperación del Instituto Nacional de Medicina Genómica, de conformidad con el Anexo que forma parte integrante de este oficio (13 páginas).

El Instituto deberá informar a esta Secretaría la aplicación de las cuotas de recuperación autorizadas que cobrará, con cinco días hábiles de anticipación de conformidad con lo establecido en el artículo 26 del Reglamento de la Ley Federal de las Entidades Paraestatales.

Sin otro particular, hago propicia la ocasión para enviarle un cordial saludo.

Atentamente

El Director General, **Adán Enrique García Ramos**.- Rúbrica.

**ANEXO
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)**

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
A. SERVICIOS DE INVESTIGACIÓN						
USec	1	Secuenciación Capilar, por reacción	188	235	283	330
USec	2	Secuenciación Capilar directa, por reacción	296	370	444	517
USec	3	Lectura de Fluorecencia Capilar por reacción	73	92	110	128
USec	4	Microsatélites, por reacción	90	112	135	157
USec	5	Cuantificación Acidos Nucleicos RNasa P, por reacción	165	206	247	288
USec	6	Cuantificación de ácidos nucleicos, fluorímetro, por reacción	72	90	108	126
USec	7	Enriquecimiento exoma, por muestra	10,264	12,830	15,396	17,962
USec	8	Elaboración de Biblioteca (AmpliSeq), por pool	5,347	6,684	8,021	9,358
USec	9	Elaboración biblioteca IT, por muestra	4,834	6,042	7,251	8,459
USec	10	Elaboración biblioteca DNA Pane	1,099	1,374	1,649	1,924
USec	11	Elaboración biblioteca DNA Nano	1,774	2,218	2,662	3,105
USec	12	Elaboración biblioteca DNA Exom	2,618	3,273	3,928	4,582
USec	13	Elaboración biblioteca DNA Next	2,227	2,784	3,340	3,897
USec	14	Elaboración biblioteca RNA Tot	4,293	5,366	6,439	7,513
USec	15	Elaboración biblioteca mRNA	2,638	3,298	3,957	4,617
USec	16	Elaboración biblioteca smallRNA	4,471	5,588	6,706	7,824
USec	17	Elaboración biblioteca SCx4	39,234	49,043	58,851	68,660
USec	18	Electroforesis Automatizada por chip, por muestra	145	181	217	253

USec	19	Cuantificación de biblioteca IT, por reacción	170	213	256	298
USec	20	Cuantificación de biblioteca Kappa, por reacción	78	98	117	137
USec	21	Amplificación clonal ePCR, por ensayo	6,187	7,734	9,280	10,827
USec	22	Secuenciación mediante semiconductor, por chip	3,863	4,829	5,794	6,760
USec	23	Procesamiento Semiconductor 314, por chip	1,092	1,365	1,638	1,911
USec	24	Procesamiento Semiconductor 316, por chip	624	780	936	1,092
USec	25	Procesamiento Semiconductor 318, por chip	873	1,092	1,310	1,528
USec	26	Procesamiento Haloplex, 12 rxn	6,686	8,358	10,029	11,701
USec	27	Purificación por AmpureBeads, por reacción	154	193	231	270
USec	28	Procesamiento Amplicones std	244	305	366	428
USec	29	Procesamiento Amplicones index	336	420	503	587
USec	30	Cargado NextSeq, por chip	3,198	3,997	4,797	5,596
USec	31	Cargado MiSeq, por chip	2,591	3,239	3,887	4,534
USec	32	Secuenciación por síntesis NextSeq 76 Ciclos HO	42,167	52,709	63,251	73,792
USec	33	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos MO	34,452	43,065	51,678	60,291
USec	34	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos HO	76,841	96,052	115,262	134,472
USec	35	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos MO	50,386	62,982	75,579	88,175
USec	36	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos HO	118,104	147,631	177,157	206,683
USec	37	Sec por Síntesis MinS 300 MO	48,770	60,962	73,155	85,347
USec	38	Sec por Síntesis MinS 76 HO	42,561	53,201	63,841	74,481
USec	39	Sec por Síntesis MinS 150 HO	32,836	41,045	49,254	57,463
USec	40	Sec por Síntesis MinS 300 HO	3,198	3,997	4,797	5,596
USec	41	Secuenciación por síntesis MiSeq 600 Ciclos	40,668	50,835	61,002	71,170
USec	42	Secuenciación por síntesis MiSeq 300 Ciclos	27,898	34,872	41,846	48,821
USec	43	Secuenciación por síntesis MiSeq 500 Ciclos	30,944	38,680	46,416	54,152
USec	44	Secuenciación por síntesis MiSeq 150 Ciclos	24,383	30,479	36,574	42,670
USec	45	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 300	9,621	12,026	14,431	16,836
USec	46	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 500	11,027	13,783	16,540	19,297
USec	47	Extracción RNA mediante perlas magnéticas	125	157	188	219
USec	48	Ensayo de detección COVID19 rT-PCR Protocolo 1 (2 regiones genómicas)	282	352	423	493
USec	49	Ensayo de detección COVID19 rT-PCR Protocolo 2 (3 regiones genómicas)	753	941	1,129	1,317
USec	50	Prueba de diagnóstico COVID19 Protocolo 1 (2 regiones genómicas)	407	509	611	712
USec	51	Prueba de diagnóstico COVID19 Protocolo 2 (3 regiones genómicas)	878	1,098	1,317	1,537
USec	52	Prueba serológica de detección de anticuerpos para SARS-CoV-2 IgG/IgM	307	384	460	537
USec	53	Toma de muestra in situ, hisopado nasofaríngeo y saliva Prueba COVID19 (Por visita y hasta 50 muestras)	7,632	9,540	11,448	13,357
USec	54	Capacitación en la toma de muestra y embalaje para Prueba COVID19 (Por sesión)	2,696	3,370	4,044	4,718
UMi	55	Genotipificación genoma completo PI, por muestra	120	150	180	210
UMi	56	Genotipificación por diseño PI, por muestra	181	227	272	318
UMi	57	Epigenómica PI, por muestra	182	227	273	318
UMi	58	Genotipificación panel general PI, por muestra	116	145	174	202
UMi	59	Genotipificación panel ligamiento PI, por muestra	554	692	830	969
UMi	60	Control de calidad de biomoléculas PAg Bioanalizador, 12 muestras	140	175	210	246
UMi	61	Genotipificación genoma completo PA, por muestra	227	283	340	397
UMi	62	Farmacogenómica PA, por muestra	297	371	445	519

UMi	63	Expresión transcriptoma completo PA, por muestra	390	487	585	682
UMi	64	Expresión miRNA PA, por muestra	149	186	223	260
UMi	65	Citogenética molecular PA, por muestra	313	391	469	548
UMi	66	Expresión transcriptoma completo parafinadas PA, por muestra	162	202	242	283
UMi	67	Genotipificación CGH PAg, por muestra	270	337	404	472
UMi	68	Control de calidad de biomoléculas PAg TapeStation, por muestra	88	109	131	153
UMi	69	Genotipificación Genoma completo LCG PI (muestra)	127	159	191	223
UMi	70	Control de Calidad para DNA (muestra)	20	25	30	36
UMi	71	Control de calidad de biomoléculas PBo Qsep100, por muestra	25	31	37	43
UMi	72	Escaneo PI (Laminilla)	417	521	625	729
LHiM	73	T. HE	25	31	37	43
LHiM	74	IHQ con abs	117	147	176	205
LHiM	75	IHQ sin abs	86	107	129	150
LHiM	76	Corte NL	28	35	42	49
LHiM	77	Corte congelación	32	40	48	57
LHiM	78	In_reinclusión	23	29	35	40
LHiM	79	IF con abs	148	185	222	259
LHiM	80	IF sin abs	129	162	194	226
LHiM	81	Fotomicrografía campo claro	23	28	34	40
LHiM	82	TMA	140	175	210	245
LHiM	83	P. compl. c/formalina	32	40	48	56
LHiM	84	T. Masson	66	83	99	116
LHiM	85	T. Perls	28	35	43	50
LHiM	86	T. PAS	46	58	69	81
LHiM	87	T. Reticulo	89	111	134	156
LHiM	88	T. A. Alciano	47	58	70	82
LHiM	89	T. DAPI	58	73	87	102
LHiM	90	T. Texas red faloidina	92	115	138	161
LHiM	91	T. Alexa 488 faloidina	90	112	135	157
LHiM	92	T. Mitotracker red	95	119	143	166
LHiM	93	T. Naranja acridina	53	67	80	93
LHiM	94	T. Luxol Fast Blue	46	57	69	80
LHiM	95	Corte electrocargada	49	61	73	86
LHiM	96	Caspasa 3 IHQ	272	340	407	475
LHiM	97	Corte polyilisina	23	28	34	40
LHiM	98	Montaje IF	43	54	65	76
LHiM	99	Montaje IHQ, HQ	27	34	41	47
LHiM	100	Procesamiento múltiple	60	74	89	104
LHiM	101	M. Luz con cámara	35	44	53	62
LHiM	102	Punch	39	49	59	69
LHiM	103	T. R. oleoso	54	68	81	95
LHiM	104	T. R. Congo	50	62	75	87
LHiM	105	M. Confocal (1min)	29	36	43	50
LHiM	106	M. Fluorescencia (1 min)	29	36	43	50
LHiM	107	Rehidratación PBS	85	106	127	148
LHiM	108	Rehidratación AD	45	57	68	79
LHiM	109	Corte extracción	87	109	130	152
LHiM	110	P. células F	38	48	58	67
LHiM	111	P. células SF	38	47	57	66

LHiM	112	P. compl. S/F	60	75	90	105
LHiM	113	Análisis L 1 min	8	10	12	14
LHiM	114	E. celularidad neoplásica	396	495	594	693
LHiM	115	Macrodissección	78	97	117	136
LHiM	116	Corte SL	28	34	41	48
LHiM	117	Contratinción	37	46	55	64
LHiM	118	Rev. DAB	61	77	92	107
LHiM	119	T. DAPI-RP	156	195	234	273
LHiM	120	P. compl. SC. SF	87	109	131	153
LHiM	121	Corte cong. SL	45	56	67	78
LHiM	122	Corte cong. Poly	56	71	85	99
LHiM	123	Corte cong. Electrocargada	58	73	88	102
LHiM	124	Corte cong. R	16	20	24	28
LHiM	125	Descalcificación	53	66	79	92
LHiM	126	Corte L. NL-R	17	21	25	30
LHiM	127	Corte L. P-R	12	16	19	22
LHiM	128	Corte L. E-R	21	27	32	37
LHiM	129	IHQ. Sist. Detección-R	124	155	186	217
LHiM	130	Fijación. Foramalina-R	11	14	17	20
LHiM	131	Fijación. Paraformaldehído 4%-RP	13	16	19	22
LHiM	132	Montaje R.	19	23	28	33
LHiM	133	Montaje I.	11	14	17	20
LHiM	134	Básicos HQ	87	109	131	152
LHiM	135	Criostato por min	3	4	5	6
UPro	136	Gel 1D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor)	706	883	1,060	1,236
UPro	137	Gel 1D 7cm Coomassie (sin BE) (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor; no incluye buffer de extracción para 2D)	566	708	850	991
UPro	138	Lowry modificado (1x duplicado) (cantidad: 1 muestra más una réplica)	165	207	248	289
UPro	139	2D Quant kit (Curva estándar y una muestra más una réplica)	391	489	587	685
UPro	140	Depleción de Albúmina-IgGs (cantidad: 1 muestra de 150 ul de suero, plasma o extracto proteico de biopsia)	1,483	1,853	2,224	2,594
UPro	141	IEF 7 cm pH 3-10 (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,084	1,355	1,626	1,897
UPro	142	IEF 7 cm pH 3-10NL, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,084	1,355	1,626	1,897
UPro	143	IEF 18 cm pH 3-10NL (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,101	1,376	1,651	1,926
UPro	144	IEF 24 cm pH 3-10, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,097	1,371	1,646	1,920
UPro	145	Gel 2D 7 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	1,568	1,960	2,351	2,743
UPro	146	Gel 2D 7 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	1,998	2,498	2,998	3,497
UPro	147	Gel 2D 7 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	2,273	2,841	3,409	3,977
UPro	148	Gel 2D 13 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	3,335	4,168	5,002	5,835
UPro	149	Gel 2D 13 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,494	5,618	6,741	7,865
UPro	150	Gel 2D 13 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	5,961	7,451	8,942	10,432
UPro	151	Gel 2D 18 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm	2,861	3,577	4,292	5,007

		de grosor; una muestra)				
UPro	152	Gel 2D 18 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,089	5,111	6,133	7,155
UPro	153	Gel 2D 18 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	5,494	6,868	8,241	9,615
UPro	154	Gel 2D 24 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	3,927	4,908	5,890	6,872
UPro	155	Gel 2D 24 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,573	5,717	6,860	8,003
UPro	156	Gel 2D 24 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	6,609	8,262	9,914	11,566
UPro	157	Comparación geles 2D	7,270	9,088	10,905	12,723
UPro	158	DIGE: 2D 24cm CyDye Min	10,037	12,546	15,055	17,565
UPro	159	DIGE: 2D 24cm CyDye Sat	4,989	6,236	7,483	8,730
UPro	160	Comparación geles DIGE	7,885	9,856	11,828	13,799
UPro	161	MS Metabólica	5,346	6,682	8,019	9,355
UPro	162	Omnisec	2,217	2,772	3,326	3,880
UCiF	163	Lectura FACS Aria	348	435	522	609
UCiF	164	Separación Celular inicialización	740	925	1,110	1,295
UCiF	165	Separación Celular por hora de procesamiento	411	514	617	720
UCiF	166	Perlas de Compensación	75	94	113	132
UCiF	167	Uso reactivo / CYCLETEST PLUS DNA REAGENT KIT (1 test)	151	189	226	264
UCiF	168	Single Cell Viabilidad	483	604	724	845
UCiF	169	Lectura ATTUNE	410	513	616	718
UCiF	170	Anexina V	90	112	134	157
UCiF	171	Viabilidad Celular	101	127	152	177

B. SERVICIOS CLÍNICOS

LDG	172	Quimerismo análisis de 3 muestras partiendo de FTA o swab	2,010	2,512	3,015	3,517
LDG	173	Procesamiento Quimerismo análisis de 3 muestras partiendo de FTA o swab	827	1,034	1,241	1,448
LDG	174	Quimerismo análisis de 2 muestras partiendo de FTA o swab	1,702	2,128	2,553	2,979
LDG	175	Procesamiento Quimerismo análisis de 2 muestras partiendo de FTA o swab	756	945	1,134	1,323
LDG	176	Quimerismo análisis de 1 muestra partiendo de FTA o swab	1,395	1,744	2,093	2,442
LDG	177	Procesamiento Quimerismo análisis de 1 muestra partiendo de FTA o swab	686	857	1,029	1,200
LDG	178	Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	750	937	1,125	1,312
LDG	179	Procesamiento Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	588	735	883	1,030
LDG	180	Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	1,352	1,690	2,028	2,366
LDG	181	Procesamiento Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	649	811	973	1,136
LDG	182	Panel de sensibilidad a Warfarina	1,629	2,036	2,443	2,850
LDG	183	Procesamiento Panel de sensibilidad a Warfarina	666	833	1,000	1,166
LDG	184	Panel de sensibilidad a Acenocumarol	1,629	2,036	2,443	2,850
LDG	185	Procesamiento Panel de sensibilidad a Acenocumarol	666	833	1,000	1,166
LDG	186	Panel de Genotipificación de CYP2C19	1,366	1,708	2,049	2,391
LDG	187	Procesamiento Panel de Genotipificación de CYP2C19	668	835	1,002	1,169
LDG	188	Cuantificación DNA en tiempo real, por muestra	1,679	2,098	2,518	2,938
LDG	189	Procesamiento Cuantificación DNA en tiempo real, por muestra	528	659	791	923
LDG	190	Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológicos, plasma y suero (Qiagen), 1 muestra	224	280	336	392
LDG	191	Procesamiento Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológicos, plasma y suero (Qiagen), 1 muestra	160	200	240	280

LDG	192	Extracción DNA, Qiagen, con tratamiento de RNase A, 1 muestra	271	338	406	474
LDG	193	Procesamiento Extracción DNA, Qiagen, con tratamiento de RNase A, 1 muestra	207	259	311	363
LDG	194	Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	506	632	759	885
LDG	195	Procesamiento Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	199	249	298	348
LDG	196	Extracción de DNA utilizando OrageneDNA OG-500	130	163	196	228
LDG	197	Perfil 17 marcadores STRS Ch Y 2 muestras	3,038	3,797	1,262	4,249
LDG	198	Procesamiento 17 marcadores STRS ChY, 2 muestras	841	1,052	1,262	1,472
LDG	199	Análisis DNA mitocondrial, 2 muestras	2,453	3,066	3,679	4,292
LDG	200	Mutaciones dinámicas	1,901	2,376	2,851	3,326
LDG	201	Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	1,629	2,036	2,443	2,851
LDG	202	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	804	1,004	1,205	1,406
LDG	203	Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	1,990	2,488	2,985	3,483
LDG	204	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	890	1,112	1,334	1,557
LDG	205	Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	2,352	2,940	3,528	4,116
LDG	206	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	976	1,220	1,464	1,708
LDG	207	Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	2,713	3,392	4,070	4,748
LDG	208	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	1,063	1,328	1,594	1,860
LDG	209	Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	3,075	3,844	4,612	5,381
LDG	210	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	1,149	1,436	1,723	2,011
LDG	211	Perfil STRS VERIFILER, 12 muestras a partir de swab bucal o sangre en FTA	5,694	7,117	8,541	9,964
LDG	212	Procesamiento Perfil STRS VERIFILER, 12 muestras a partir de swab bucal o sangre en FTA	1,919	2,399	2,879	3,358
LDG	213	Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve y Qiagen	275	343	412	481
LDG	214	Procesamiento Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve y Qiagen	128	160	192	224
LDG	215	Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve	222	278	333	389
LDG	216	Procesamiento Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve	139	174	208	243
LDG	217	Extracción de DNA Maxwell a partir de sangre periférica o médula ósea (1 muestra)	339	423	508	593
LDG	218	Tipificación HLA-A SANGER (1 muestra)	3,641	4,551	5,462	6,372
LDG	219	Procesamiento tipificación HLA-A SANGER (1 muestra)	1,975	2,469	2,963	3,457
LDG	220	Tipificación HLA-B SANGER (1 muestra)	3,641	4,551	5,462	6,372
LDG	221	Procesamiento Tipificación HLA-B SANGER (1 muestra)	1,975	2,469	2,963	3,457
LDG	222	Tipificación HLA-C SANGER (1 muestra)	3,945	4,931	5,918	6,904
LDG	223	Procesamiento Tipificación HLA-C SANGER (1 muestra)	1,975	2,469	2,963	3,457
LDG	224	Tipificación HLA-DRB1 SANGER (1 muestra)	3,506	4,382	5,258	6,135
LDG	225	Procesamiento tipificación HLA-DRB1 SANGER (1 muestra)	1,888	2,360	2,832	3,305
LDG	226	Tipificación HLA-DQB1 SANGER (1 muestra)	3,752	4,690	5,627	6,565
LDG	227	Procesamiento tipificación HLA-DQB1 SANGER (1 muestra)	1,782	2,227	2,673	3,118
LDG	228	Determinación de MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	6,359	7,949	9,539	11,129
LDG	229	Procesamiento MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	1,724	2,155	2,586	3,017
LDG	230	Determinación de MLPA (1 gen, 1 muestra)	5,840	7,300	8,759	10,219
LDG	231	Procesamiento MLPA (1 gen, 1 muestra)	1,204	1,506	1,807	2,108
LDG	232	Determinación de X Frágil (1 muestra)	4,320	5,400	6,479	7,559
LDG	233	Procesamiento X Frágil (1 muestra)	1,154	1,443	1,731	2,020
LDG	234	Determinación de X Frágil Metilación (1 muestra)	8,102	10,128	12,153	14,179
LDG	235	Procesamiento X Frágil Metilación (1 muestra)	1,434	1,792	2,150	2,509

LDG	236	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	50,919	63,649	76,379	89,109
LDG	237	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	9,407	11,759	14,111	16,463
LDG	238	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 6 muestras) NGS V.2	10,396	12,995	15,594	18,194
LDG	239	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	94,737	118,421	142,106	165,790
LDG	240	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	15,795	19,744	23,693	27,642
LDG	241	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 12 muestras) NGS V.2	12,364	15,455	18,546	21,637
LDG	242	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	169,560	211,950	254,340	296,730
LDG	243	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	23,924	29,905	35,886	41,867
LDG	244	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 MUESTRA (Pool de 24 muestras) NGS V.2	11,785	14,731	17,677	20,624
LDG	245	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (48 muestras) NGS V.2	322,019	402,524	483,029	563,533
LDG	246	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (48 muestras) NGS V.2	42,994	53,742	64,491	75,239
LDG	247	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 48 muestras) NGS V.2	11,632	14,540	17,448	20,356
LDG	248	Cuantificación Fluorimétrica de Ácido Nucleico QUBIT (1 muestra)	135	169	202	236
LDG	249	Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	45,735	57,168	68,602	80,036
LDG	250	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	8,861	11,077	13,292	15,507
LDG	251	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 3 muestras) MISEQ	19,390	24,238	29,085	33,933
LDG	252	Panel de Cáncer Hereditario (12 muestras)	111,907	139,884	167,861	195,837
LDG	253	Procesamiento Panel de Cáncer Hereditario (12 muestras)	12,823	16,028	19,234	22,439
LDG	254	Panel de Cáncer Hereditario 1 muestra (pool de 12 muestras)	14,435	18,044	21,653	25,262
LDG	255	Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	117,021	146,276	175,532	204,787
LDG	256	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	11,499	14,373	17,248	20,122
LDG	257	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 12 muestras) NEXTSEQ	13,648	17,060	20,472	23,884
LDG	258	Panel de Cáncer Hereditario (36 muestras) NEXTSEQ	235,074	293,843	352,611	411,380
LDG	259	Procesamiento Panel de Cáncer Hereditario (36 muestras) NEXTSEQ	26,492	33,115	39,738	46,361
LDG	260	Panel de Cáncer Hereditario 1 muestra (pool de 36 muestras) NEXTSEQ	11,397	14,247	17,096	19,946
LDG	261	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos 24 muestras. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)	8,874	11,092	13,311	15,529
LDG	262	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)	857	1,071	1,285	1,499
LDG	263	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	20,556	25,695	30,834	35,973

LDG	264	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGF, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	125,908	157,385	188,863	220,340
LDG	265	MA CGH+SNP 2*400	37,022	46,278	55,534	64,789
LDG	266	Procesamiento MA CGH+SNP 2*400	8,978	11,222	13,467	15,711
LDG	267	MA CGH+SNP 2*400 1 muestra (pool de 2 Muestras)	10,276	12,845	15,415	17,984
LDG	268	MA CGH+SNP 4*180	42,499	53,123	63,748	74,373
LDG	269	Procesamiento MA CGH+SNP 4*180	8,882	11,103	13,323	15,544
LDG	270	MA CGH+SNP 4*180 1 muestra (pool de 4 muestras)	13,888	17,360	20,832	24,304
LDG	271	Análisis bioinformático 1 a 2 genes	449	561	673	785
LDG	272	Análisis bioinformático 3 a 10 genes	667	834	1,001	1,168
LDG	273	Análisis bioinformático 11 a 20 genes	1,105	1,381	1,657	1,933
LDG	274	Análisis bioinformático 21 a 30 genes	1,761	2,201	2,641	3,082
LDG	275	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 12 muestras	163,798	204,748	245,697	286,647
LDG	276	Procesamiento Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 12 muestras	12,925	16,157	19,388	22,619
LDG	277	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 1 muestra (pool de 12 muestras)	16,905	21,131	25,358	29,584
LDG	278	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 24 muestras	308,039	385,049	462,059	539,069
LDG	279	Procesamiento Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 24 muestras	18,146	22,682	27,219	31,755
LDG	280	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 1 muestra (pool de 24 muestras)	17,041	21,301	25,561	29,821
LDG	281	Exoma clínico 4 muestras	75,342	94,177	113,012	131,848
LDG	282	Procesamiento Exoma clínico 4 muestras	7,695	9,619	11,543	13,467
LDG	283	Exoma clínico 4 muestras 1 muestra (pool de 4 muestras)	21,930	27,412	32,895	38,377
LDG	284	Exoma completo SOPHIA WES 3 muestras	84,154	105,193	126,231	147,270
LDG	285	Procesamiento Exoma completo SOPHIA WES 3 muestras	3,579	4,473	5,368	6,263
LDG	286	Exoma completo SOPHIA WES 1 muestra (pool de 3 muestras)	28,418	35,522	42,627	49,731
LDG	287	CAS-36 24 muestras	146,733	183,416	220,099	256,783
LDG	288	Procesamiento CAS-36 24 muestras	17,177	21,472	25,766	30,060
LDG	289	CAS-36 1 muestra (pool de 24 muestras)	9,391	11,739	14,087	16,435
LDG	290	CAS-36 36 muestras	220,467	275,583	330,700	385,817
LDG	291	Procesamiento CAS-36 36 muestras	24,322	30,403	36,484	42,564
LDG	292	CAS-36 1 muestra (pool de 36 muestras)	10,505	13,132	15,758	18,384
LDG	293	CAS-36 12 muestras	109,753	137,191	164,629	192,067
LDG	294	Procesamiento CAS-36 12 muestras	10,513	13,141	15,769	18,397
LDG	295	CAS 36 1 muestra pool 12 muestras	10,548	13,185	15,822	18,459
LDG	296	BRCA Ampliseq 8 muestras somático	39,945	49,931	59,917	69,903
LDG	297	Procesamiento AMPLISEQ 8 muestras Somático	6,036	7,545	9,055	10,564
LDG	298	1 muestra AMPLISEQ pool de 8 muestras Somático	7,625	9,531	11,437	13,343
LDG	299	BRCA Ampliseq 8 muestras Germinal	40,388	50,485	60,582	70,679
LDG	300	Procesamiento AMPLISEQ 8 muestras Germinal	6,480	8,100	9,720	11,340
LDG	301	1 muestra AMPLISEQ pool de 8 muestras Germinal	7,776	9,721	11,665	13,609
LDG	302	BRCA Ampliseq 32 muestras Germinal	118,582	148,228	177,874	207,519
LDG	303	Procesamiento AMPLISEQ 32 muestras Germinal	5,111	6,388	7,666	8,944
LDG	304	1 muestra AMPLISEQ pool de 32 muestras Germinal	5,995	7,494	8,993	10,492
LDG	305	Hereditary Cancer con NFE (8 muestras)	70,671	88,339	106,006	123,674
LDG	306	Procesamiento Hereditary Cancer CON NFE 8 muestras	9,856	12,320	14,784	17,248
LDG	307	1 muestra Hereditary Cancer CON NFE 8 muestras	11,558	14,448	17,337	20,227

LDG	308	Interpretación de reporte clínico de TSC	1,232	1,540	1,848	2,156
LDG	309	Interpretación de reporte clínico con alteración del número de copias	1,232	1,540	1,848	2,156
LDG	310	Interpretación de reporte clínico	1,344	1,681	2,017	2,353
LDG	311	Asesoramiento Genético	1,344	1,681	2,017	2,353
LDG	312	TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	212,431	265,539	318,647	371,755
LDG	313	Procesamiento TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	10,515	13,144	15,773	18,402
LDG	314	TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA (pool de 8 muestras)	28,867	36,083	43,300	50,516
LDG	315	TSO500 10 muestras DNA	183,565	229,456	275,347	321,238
LDG	316	Procesamiento TSO500 10 muestras DNA	7,983	9,979	11,975	13,970
LDG	317	TSO500 10 muestras DNA (pool de 10 muestras)	20,730	25,913	31,095	36,278
LDG	318	TSO500 3 muestras DNA	38,424	48,030	57,636	67,242
LDG	319	Procesamiento TSO500 3 muestras DNA	4,746	5,933	7,119	8,306
LDG	320	TSO500 3 muestras DNA (pool de 3 muestras)	14,559	18,199	21,839	25,479
LDG	321	Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA)	100,954	126,192	151,431	176,669
LDG	322	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA)	7,707	9,634	11,560	13,487
LDG	323	Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA) (pool de 6 muestras)	19,464	24,329	29,195	34,061
LDG	324	Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA)	171,986	214,983	257,979	300,976
LDG	325	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA)	11,832	14,790	17,748	20,706
LDG	326	Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA) (pool de 11 muestras)	19,213	24,016	28,820	33,623
LDG	327	Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA	115,184	143,980	172,776	201,572
LDG	328	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA	8,373	10,466	12,559	14,653
LDG	329	Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA (pool de 12 muestras)	13,142	16,427	19,713	22,998
LDG	330	Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA	72,731	90,914	109,097	127,280
LDG	331	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA	6,156	7,695	9,234	10,773
LDG	332	Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA (pool de 7 muestras)	13,103	16,379	19,655	22,931
LDG	333	Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA	43,911	54,889	65,867	76,845
LDG	334	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA	4,008	5,010	6,011	7,013
LDG	335	Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA (pool de 2 muestras)	23,318	29,148	34,977	40,807
LDG	336	Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA)	55,221	69,027	82,832	96,637
LDG	337	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA)	4,649	5,811	6,973	8,135
LDG	338	Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA) (pool de 2 muestras)	28,977	36,221	43,465	50,709

C. SERVICIOS DE DESARROLLO TECNOLÓGICO

SSG	339	Consultor Bioingeniería Senior (x hora)	393	491	589	687
SSG	340	Consultor Bioingeniería Junior (x hora)	333	417	500	584
SSG	341	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta monocanal (x pipeta)	82	102	123	143
SSG	342	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta multicanal (x pipeta)	309	387	464	542
SSG	343	Mantenimiento preventivo de equipo de laboratorio (x hora)	227	284	341	398
SSG	344	Sistema de medición de red fría (por sensor)	1,541	1,926	2,311	2,696
SSG	345	Monitoreo de red fría (x hora)	17	21	25	30
SB	346	Consultor Bioinformático Junior (x hora)	121	152	182	212
SB	347	Consultor Bioinformático Senior (x hora)	442	553	664	774
SB	348	Servicios de alta demanda o recurrentes (x hora)	121	152	182	212
SB	349	Servicio especializado (x hora)	409	512	614	716

SB	350	Análisis on premise (x hora)	321	401	481	562
SB	351	Formación in situ (x hora)	382	477	573	668
SB	352	Almacenamiento SATA x 1 GB (x hora)	0.14	0.18	0.21	0.25
SB	353	Almacenamiento SSD x 1 GB (x hora)	0.28	0.35	0.41	0.48
SB	354	Memoria RAM x 1 GB (x hora)	0.30	0.38	0.45	0.53
SB	355	Procesadores x 1 núcleo (x hora)	0.25	0.31	0.38	0.44
SAE	356	Desarrollo de Software Senior (x hora)	492	615	738	861
SAE	357	Desarrollo de Software Junior (x hora)	301	376	452	527
SAE	358	Mantenimiento de Aplicativo (x hora)	493	617	740	863
SAE	359	Software como servicio (x hora)	4.26	5.32	6.38	7.45
SAE	360	Migración de Base de Datos (x hora)	433	541	649	757
SAE	361	Mantenimiento de Base de Datos (x hora)	302	378	453	529
SAE	362	Base de Datos como servicio (x hora)	14	17	21	24
SAE	363	Consultoría de Desarrollo de Software Senior (x hora)	787	984	1,180	1,377
SAE	364	Consultoría de Desarrollo de Software Junior (x hora)	438	548	657	767
STI	365	Consultor TI Junior (x hora)	279	349	419	489
STI	366	Consultoría TI Senior (x hora)	294	367	441	514
STI	367	Mantenimiento preventivo (x hora)	30	38	45	52
STI	368	Hosting sitio web estático (x hora)	0.12	0.15	0.18	0.21
STI	369	Hosting sitio web dinámico (x hora)	0.94	1.17	1.40	1.64
STI	370	Instalación de software (x hora)	138	172	207	241
STI	371	Configuración y puesta en marcha de equipo de cómputo (x hora)	117	154	192	229
STI	372	Administración servidor (x hora)	35	44	52	61
STI	373	Transmisión de evento (x hora)	466	582	699	815

D. SERVICIOS DE CONSULTORÍA

DI	374	Senior Científica, por hora	353	441	529	617
DI	375	Junior Científica, por hora	298	373	448	522
DVDI	376	Consultoría en gestión y transferencia de tecnología, por hora	275	343	412	480
DVDI	377	Análisis de patentabilidad de resultados de Investigación	21,964	27,455	32,946	38,437
DVDI	378	Análisis tecnológico comercial de resultados de investigación	21,964	27,455	32,946	38,437
DVDI	379	Redacción de solicitud de patente	43,928	54,910	65,892	76,874
DVDI	380	Redacción de solicitud de modelo de utilidad	21,964	27,455	32,946	38,437
DVDI	381	Vigilancia Tecnológica Exploratoria/Benchmarking Tecnológico	32,946	41,183	49,419	57,656
DVDI	382	Estudio preliminar de mercado/Quicklook/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	68,089	85,111	102,133	119,155
DVDI	383	Mapa de Ruta Tecnológica completo (con mayor grado de detalle)	74,678	93,348	97,081	100,815
DVDI	384	Modelo de Negocio (Business Model Canvas) y Ruta de Comercialización (Commercialization Roadmap)/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	68,089	85,111	102,133	119,155
DVDI	385	Mapa de Ruta Tecnológica por sesión	2,196	2,746	3,295	3,844

E. SERVICIOS DE ENSEÑANZA

DED	386	Actividad académica en línea o virtual de 1-5 horas	178	355	444	533
DED	387	Actividad académica en línea o virtual de 6-10 horas	326	653	816	979
DED	388	Actividad académica en línea o virtual de 11-15 horas	475	950	1,187	1,425

DED	389	Actividad académica en línea o virtual de 16-20 horas	624	1,247	1,559	1,871
DED	390	Actividad académica en línea o virtual de 21-30 horas	835	1,669	2,087	2,504
DED	391	Actividad académica en línea o virtual de 31-40 horas	1,046	2,092	2,614	3,137
DED	392	Actividad académica presencial por día	233	466	582	699
CID	393	Recuperación de artículo de revistas suscritas por el CID (por 1 hoja en electrónico)	3.00	3.00	3.00	3.00
CID	394	Impresión o copia en blanco y negro (1 página)	1.00	1.00	1.00	1.00
CID	395	Impresión o copia a color (1 página)	2.00	2.00	2.00	2.00

Política para la aplicación del Tabulador de Servicios del Inmegen 2020
Servicios de Investigación, Clínicos, Desarrollo Tecnológico, Consultoría y Enseñanza

Con modificación

1	La presente Política establece cuatro Niveles tarifarios del Tabulador para todos los servicios.	Nuevo
2	La tarifa de cada Nivel del servicio se fundamenta en la suma de: a) costos variables, son los insumos adquiridos en moneda nacional y/o extranjera; b) costos fijos, son los costos asociados a la nómina y a los costos de equipo y mantenimiento. El costo del equipo considera el 20% de la depreciación anual como el costo de <i>Equipo e Instrumental Médico y de Laboratorio</i> , de acuerdo a los parámetros de vida útil publicados en el DOF el día 15 de agosto de 2012.	Con modificación
3	Aquellos servicios cuyos insumos se adquieran en moneda extranjera (USD, EURO u otro) mediante compra o adjudicación directa, contrato abierto y licitación, serán ajustados en su Nivel tarifario al tipo de cambio (TC) publicado por BANXICO en el DOF, para solventar obligaciones denominadas en moneda extranjera pagaderas en la República Mexicana al día hábil de la cotización y/o facturación del servicio, en situaciones de aumento abrupto del TC.	Con modificación
4	El Nivel 1, será objeto de aplicación a la comunidad del INMEGEN, y aplicar el Anexo II, para todas las Instituciones públicas de salud, investigación, educativas o similares y otras. La tarifa del Nivel 1 comprende la suma de los costos variables y fijos sin adicionar un margen de utilidad para el Inmegen.	Nuevo

5	El cálculo tarifario del Tabulador para los servicios de investigación, clínicos, desarrollo tecnológico y consultoría es: Nivel 1: 100% de los Costos (fijos y variables) Nivel 2: 100% de los Costos (fijos y variables) más 25% de margen de utilidad Nivel 3: 100% de los Costos (fijos y variables) más 50% de margen de utilidad Nivel 4: 100% de los Costos (fijos y variables) más 75% de margen de utilidad El cálculo tarifario del Tabulador correspondiente a los servicios de Enseñanza deberá guiarse por el Anexo II.	Con modificación
6	Para la aplicación de Nivel 2, Nivel 3 y Nivel 4 conforme al volumen de servicios establecido en el Anexo I, clasificado como "volumen bajo", "volumen medio" y "volumen alto" para cada uno de los servicios de investigación, clínicos, desarrollo tecnológico y consultoría se elegirá el nivel tarifario como: Nivel 2: A los usuarios externos que soliciten un "volumen alto" de servicios. Nivel 3: A los usuarios externos que soliciten un "volumen medio" de servicios. Nivel 4: A los usuarios externos que soliciten un "volumen bajo" de servicios. El volumen de servicios a considerar en cada caso, se determinará con base en la factura correspondiente.	Nuevo

7	<p>Conforme al Acuerdo por el que se declara como emergencia sanitaria por causa de fuerza mayor a la epidemia de enfermedad generada por el virus SARS-CoV2 (DOF 23/03/2020) y la fracción V numeral 11 del Decreto por el que se establecen las medidas de austeridad que deberán observar las dependencias y entidades de la Administración Pública Federal bajo los criterios que en el mismo se indican (DOF 23/04/2020), el Inmegen establece TASA CERO en el cobro a pacientes de la Prueba de Diagnóstico Covid-19.</p>	Nuevo
---	---	-------

ANEXO I.

POLÍTICA PARA ASIGNACIÓN DE NIVELES EN FUNCIÓN DEL VOLUMEN SOLICITADO

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 2 Volumen alto	Nivel 3 Volumen medio	Nivel 4 Volumen bajo
A. SERVICIOS DE INVESTIGACIÓN					
USec	1	Secuenciación Capilar, por reacción	45 o más	De 11 a 44	Hasta 10
USec	2	Secuenciación Capilar directa, por reacción	45 o más	De 11 a 44	Hasta 10
USec	3	Lectura de Fluorecencia Capilar por reacción	45 o más	De 11 a 44	Hasta 10
USec	4	Microsatélites, por reacción	45 o más	De 11 a 44	Hasta 10
USec	5	Cuantificación Acidos Nucleicos RNasa P, por reacción	150 o más	21 a 149	Hasta 20
USec	6	Cuantificación de ácidos nucleicos, fluorímetro, por reacción	150 o más	21 a 149	Hasta 20
USec	7	Enriquecimiento exoma, por muestra	3 o más	2	1
USec	8	Elaboración de Biblioteca (AmpliSeq), por pool	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	9	Elaboración biblioteca IT, por muestra	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	10	Elaboración biblioteca DNA Pane	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	11	Elaboración biblioteca DNA Nano	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	12	Elaboración biblioteca DNA Exom	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	13	Elaboración biblioteca DNA Next	60 o más	11 a 59	Hasta 10
USec	14	Elaboración biblioteca RNA Tot	20 o más	6 a 19	Hasta 5
USec	15	Elaboración biblioteca mRNA	20 o más	6 a 19	Hasta 5
USec	16	Elaboración biblioteca smallRNA	20 o más	6 a 19	Hasta 5
USec	17	Elaboración biblioteca SCx4	3 o más	2	1
USec	18	Electroforesis Automatizada por chip, por muestra	3 o más	2	1
USec	19	Cuantificación de biblioteca IT, por reacción	3 o más	2	1
USec	20	Cuantificación de biblioteca Kappa, por reacción	3 o más	2	1
USec	21	Amplificación clonal ePCR, por ensayo	3 o más	2	1
USec	22	Secuenciación mediante semiconductor, por chip	3 o más	2	1
USec	23	Procesamiento Semiconductor 314, por chip	3 o más	2	1
USec	24	Procesamiento Semiconductor 316, por chip	3 o más	2	1
USec	25	Procesamiento Semiconductor 318, por chip	3 o más	2	1
USec	26	Procesamiento Haloplex, 12 rxn	3 o más	2	1
USec	27	Purificación por AmpureBeads, por reacción	200 o más	31 a 199	Hasta 30
USec	28	Procesamiento Amplicones std	200 o más	31 a 199	Hasta 30
USec	29	Procesamiento Amplicones index	200 o más	31 a 199	Hasta 30
USec	30	Cargado NextSeq, por chip	3 o más	2	1
USec	31	Cargado MiSeq, por chip	3 o más	2	1
USec	32	Secuenciación por síntesis NextSeq 76 Ciclos HO	3 o más	2	1
USec	33	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos MO	3 o más	2	1
USec	34	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos HO	3 o más	2	1
USec	35	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos MO	3 o más	2	1
USec	36	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos HO	3 o más	2	1

USec	37	Sec por Síntesis MinS 300 MO	3 o más	2	1
USec	38	Sec por Síntesis MinS 76 HO	3 o más	2	1
USec	39	Sec por Síntesis MinS 150 HO	3 o más	2	1
USec	40	Sec por Síntesis MinS 300 HO	3 o más	2	1
USec	41	Secuenciación por síntesis MiSeq 600 Ciclos	3 o más	2	1
USec	42	Secuenciación por síntesis MiSeq 300 Ciclos	3 o más	2	1
USec	43	Secuenciación por síntesis MiSeq 500 Ciclos	3 o más	2	1
USec	44	Secuenciación por síntesis MiSeq 150 Ciclos	3 o más	2	1
USec	45	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 300	3 o más	2	1
USec	46	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 500	3 o más	2	1
USec	47	Extracción RNA mediante perlas magnéticas	10 o más	4 a 9	Hasta 3
USec	48	Ensayo de detección COVID19 rT-PCR Protocolo 1 (2 regiones genómicas)	3,000 o más	1,001 a 2,999	Hasta 1,000
USec	49	Ensayo de detección COVID19 rT-PCR Protocolo 2 (3 regiones genómicas)	3,000 o más	1,001 a 2,999	Hasta 1,000
USec	50	Prueba de diagnóstico COVID19 Protocolo 1 (2 regiones genómicas)	3,000 o más	1,001 a 2,999	Hasta 1,000
USec	51	Prueba de diagnóstico COVID19 Protocolo 2 (3 regiones genómicas)	3,000 o más	1,001 a 2,999	Hasta 1,000
USec	52	Prueba serológica de detección de anticuerpos para SARS-CoV-2 IgG/IgM	3,000 o más	1,001 a 2,999	Hasta 1,000

USec	53	Toma de muestra in situ, hisopado nasofaríngeo y saliva Prueba COVID19 (Por visita y hasta 50 muestras)	60 o más	21 a 59	20
USec	54	Capacitación en la toma de muestra y embalaje para Prueba COVID19 (Por sesión)	10 o más	4 a 9	3
UMi	55	Genotipificación genoma completo PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	56	Genotipificación por diseño PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	57	Epigenómica PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	58	Genotipificación panel general PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	59	Genotipificación panel ligamiento PI, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	60	Control de calidad de biomoléculas PAg Bioanalizador, 12 muestras	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	61	Genotipificación genoma completo PA, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	62	Farmacogenómica PA, por muestra	150 o más	21 a 149	Hasta 20
UMi	63	Expresión transcriptoma completo PA, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	64	Expresión miRNA PA, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	65	Citogenética molecular PA, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	66	Expresión transcriptoma completo parafinadas PA, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	67	Genotipificación CGH PAg, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	68	Control de calidad de biomoléculas PAg TapeStation, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	69	Genotipificación Genoma completo LCG PI (mtra)	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	70	Control de Calidad para DNA (mtra)	50 o más	11 a 49	Hasta 10
UMi	71	Control de calidad de biomoléculas PBo Qsep100, por muestra	50 o más	11 a 49	Hasta 10

UMi	72	Escaneo PI (Laminilla)	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	73	T. HE	30 o más	6 a 29	Hasta 5

LHiM	74	IHQ con abs	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	75	IHQ sin abs	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	76	Corte NL	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	77	Corte congelación	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	78	In_reinclusión	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	79	IF con abs	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	80	IF sin abs	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	81	Fotomicrografía campo claro	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	82	TMA	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	83	P. compl. c/formalina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	84	T. Masson	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	85	T. Perls	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	86	T. PAS	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	87	T. Retículo	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	88	T. A. Alciano	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	89	T. DAPI	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	90	T. Texas red faloidina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	91	T. Alexa 488 faloidina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	92	T. Mitotracker red	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	93	T. Naranja acridina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	94	T. Luxol Fast Blue	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	95	Corte electrocargada	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	96	Caspasa 3 IHQ	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	97	Corte polyisina	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	98	Montaje IF	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	99	Montaje IHQ, HQ	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	100	Procesamiento múltiple	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	101	M. Luz con cámara	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	102	Punch	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	103	T. R. oleoso	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	104	T. R. congo	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	105	M. Confocal (1min)	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	106	M. Fluorescencia (1 min)	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	107	Rehidratación PBS	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	108	Rehidratación AD	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	109	Corte extracción	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	110	P. cél. F	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	111	P. cél. SF	30 o más	6 a 29	Hasta 5

LHiM	112	P. compl. S/F	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	113	Análisis L 1 min	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	114	E. celularidad neoplásica	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	115	Macrodisección	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	116	Corte SL	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	117	Contratinción	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	118	Rev. DAB	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	119	T. DAPI-RP	30 o más	6 a 29	Hasta 5

LHiM	120	P. compl. SC. SF	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	121	Corte cong. SL	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	122	Corte cong. Poly	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	123	Corte cong. Electro cargada	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	124	Corte cong. R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	125	Descalcificación	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	126	Corte L. NL-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	127	Corte L. P-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	128	Corte L. E-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	129	IHQ. Sist. Detección-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	130	Fijación. Foramalina-R	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	131	Fijación. Paraformaldehído 4%-RP	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	132	Montaje R.	30 o más	6 a 29	Hasta 5

LHiM	133	Montaje I.	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	134	Básicos HQ	30 o más	6 a 29	Hasta 5
LHiM	135	Criostato por min	30 o más	6 a 29	Hasta 5
UPro	136	Gel 1D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	137	Gel 1D 7cm Coomassie (sin BE) (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor; no incluye buffer de extracción para 2D)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	138	Lowry modificado (1x duplicado) (cantidad: 1 muestra más una réplica)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	139	2D Quant kit (Curva estándar y una muestra más una réplica)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	140	Depleción de Albúmina-IgGs (cantidad: 1 muestra de 150ul de suero, plasma o extracto proteico de biopsia)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	141	IEF 7cm pH 3-10 (cantidad: 1 tira; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	142	IEF 7 cm pH 3-10NL, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	143	IEF 18 cm pH 3-10NL (cantidad: 1 tira; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	144	IEF 24 cm pH 3-10, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	145	Gel 2D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	146	Gel 2D 7cm Oriole (cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5

UPro	147	Gel 2D 7cm Sypro (cantidad: 1 gel de 7x7cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	148	Gel 2D 13cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 13x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	149	Gel 2D 13cm Oriole(cantidad: 1 gel de 13x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	150	Gel 2D 13cm Sypro (cantidad: 1 gel de 13x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	151	Gel 2D 18cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	152	Gel 2D 18cm Oriole (cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	153	Gel 2D 18cm Sypro (cantidad: 1 gel de 18x20cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5

UPro	154	Gel 2D 24cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	155	Gel 2D 24cm Oriole (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	156	Gel 2D 24cm Sypro (cantidad: 1 gel de 24x24cm y 1mm de grosor; una muestra)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	157	Comparación geles 2D	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	158	DIGE: 2D 24cm CyDye Min	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	159	DIGE: 2D 24cm CyDye Sat	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	160	Comparación geles DIGE	20 o más	6 a 19	Hasta 5

UPro	161	MS Metabólica	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UPro	162	Omnisec	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	163	Lectura FACSria	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	164	Separación Celular inicialización	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	165	Separación Celular por hora de procesamiento	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	166	Perlas de Compensación	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	167	Uso reactivo / CYCLETEST PLUS DNA REAGENT KIT (1 test)	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	168	Single Cell Viabilidad	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	169	Lectura ATTUNE	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	170	Anexina V	20 o más	6 a 19	Hasta 5
UCiF	171	Viabilidad Celular	20 o más	6 a 19	Hasta 5

B. SERVICIOS CLÍNICOS

LDG	172	Quimerismo análisis de 3 muestras partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	173	Procesamiento Quimerismo análisis de 3 muestras partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	174	Quimerismo análisis de 2 muestras partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	175	Procesamiento Quimerismo análisis de 2 muestras partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	176	Quimerismo análisis de 1 muestra partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1
LDG	177	Procesamiento Quimerismo análisis de 1 muestra partiendo de FTA o swab	3 o más	2	1

LDG	178	Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	3 o más	2	1
LDG	179	Procesamiento Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	3 o más	2	1
LDG	180	Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	181	Procesamiento Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	182	Panel de sensibilidad a Warfarina	3 o más	2	1
LDG	183	Procesamiento Panel de sensibilidad a Warfarina	3 o más	2	1
LDG	184	Panel de sensibilidad a Acenocumarol	3 o más	2	1
LDG	185	Procesamiento Panel de sensibilidad a Acenocumarol	3 o más	2	1
LDG	186	Panel de Genotipificación de CYP2C19	3 o más	2	1
LDG	187	Procesamiento Panel de Genotipificación de CYP2C19	3 o más	2	1
LDG	188	Cuantificación DNA en tiempo real, por muestra	3 o más	2	1
LDG	189	Procesamiento Cuantificación DNA en tiempo real, por muestra	3 o más	2	1
LDG	190	Extracción DNA, sangre, capa leucoplquetaria, líquidos biológicos, plasma y suero (Qiagen), 1 muestra	3 o más	2	1

LDG	191	Procesamiento Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológicos, plasma y suero (Qiagen), 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	192	Extracción DNA, Qiagen, con tratamiento de RNase A, 1 muestra	3 o más	2	1

LDG	193	Procesamiento Extracción DNA, Qiagen, con tratamiento de RNase A, 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	194	Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	3 o más	2	1
LDG	195	Procesamiento Extracción DNA de tejido fresco o biopsia en parafina y Extracción de RNA	3 o más	2	1
LDG	196	Extracción de DNA utilizando OrageneDNA OG-500	3 o más	2	1
LDG	197	Perfil 17 marcadores STRS Ch Y 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	198	Procesamiento 17 marcadores STRS ChY, 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	199	Análisis DNA mitocondrial, 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	200	Mutaciones dinámicas	3 o más	2	1
LDG	201	Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	202	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	3 o más	2	1
LDG	203	Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	204	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	3 o más	2	1
LDG	205	Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	3 o más	2	1
LDG	206	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	3 o más	2	1
LDG	207	Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	208	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	209	Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	3 o más	2	1
LDG	210	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	3 o más	2	1
LDG	211	Perfil STRS VERIFILER, 12 muestras a partir de swab bucal o sangre en FTA	3 o más	2	1
LDG	212	Procesamiento Perfil STRS VERIFILER, 12 muestras a partir de swab bucal o sangre en FTA	3 o más	2	1

LDG	213	Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve y Qiagen	3 o más	2	1
LDG	214	Procesamiento Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve y Qiagen	3 o más	2	1
LDG	215	Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve	3 o más	2	1
LDG	216	Procesamiento Extracción DNA a partir de tarjeta con GenSolve	3 o más	2	1
LDG	217	Extracción de DNA Maxwell a partir de sangre periférica o médula ósea (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	218	Tipificación HLA-A SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	219	Procesamiento tipificación HLA-A SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	220	Tipificación HLA-B SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	221	Procesamiento tipificación HLA-B SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	222	Tipificación HLA-C SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	223	Procesamiento tipificación HLA-C SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	224	Tipificación HLA-DRB1 SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	225	Procesamiento tipificación HLA-DRB1 SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	226	Tipificación HLA-DQB1 SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	227	Procesamiento tipificación HLA-DQB1 SANGER (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	228	Determinación de MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	3 o más	2	1

LDG	229	Procesamiento MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	3 o más	2	1
-----	-----	--	---------	---	---

LDG	230	Determinación de MLPA (1 gen, 1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	231	Procesamiento MLPA (1 gen, 1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	232	Determinación de X Frágil (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	233	Procesamiento X Frágil (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	234	Determinación de X Frágil Metilación (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	235	Procesamiento X Frágil Metilación (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	236	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	237	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	238	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 6 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	239	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	240	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	241	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 12 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	242	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	243	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	244	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 24 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1

LDG	245	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (48 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	246	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (48 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	247	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 48 muestras) NGS V.2	3 o más	2	1
LDG	248	Cuantificación Fluorimétrica de Ácido Nucleico QUBIT (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	249	Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	3 o más	2	1
LDG	250	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	3 o más	2	1
LDG	251	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 3 muestras) MISEQ	3 o más	2	1
LDG	252	Panel de Cáncer Hereditario (12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	253	Procesamiento Panel de Cáncer Hereditario (12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	254	Panel de Cáncer Hereditario 1 muestra (pool de 12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	255	Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	3 o más	2	1
LDG	256	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	3 o más	2	1
LDG	257	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 12 muestras) NEXTSEQ	3 o más	2	1
LDG	258	Panel de Cáncer Hereditario (36 muestras) NEXTSEQ	3 o más	2	1
LDG	259	Procesamiento Panel de Cáncer Hereditario (36 muestras) NEXTSEQ	3 o más	2	1
LDG	260	Panel de Cáncer Hereditario 1 muestra (pool de 36 muestras) NEXTSEQ	3 o más	2	1

LDG	261	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos 24 muestras. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)	3 o más	2	1
LDG	262	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos.	3 o más	2	1

		Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)			
LDG	263	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	3 o más	2	1
LDG	264	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	3 o más	2	1
LDG	265	MA CGH+SNP 2*400	3 o más	2	1
LDG	266	Procesamiento MA CGH+SNP 2*400	3 o más	2	1
LDG	267	MA CGH+SNP 2*400 1 muestra (pool de 2 muestras)	3 o más	2	1
LDG	268	MA CGH+SNP 4*180	3 o más	2	1
LDG	269	Procesamiento MA CGH+SNP 4*180	3 o más	2	1
LDG	270	MA CGH+SNP 4*180 1 muestra (pool de 4 muestras)	3 o más	2	1
LDG	271	Análisis bioinformático 1 a 2 genes	3 o más	2	1
LDG	272	Análisis bioinformático 3 a 10 genes	3 o más	2	1

LDG	273	Análisis bioinformático 11 a 20 genes	3 o más	2	1
LDG	274	Análisis bioinformático 21 a 30 genes	3 o más	2	1
LDG	275	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	276	Procesamiento Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	277	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 1 muestra (pool de 12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	278	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 24 muestras	3 o más	2	1
LDG	279	Procesamiento Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 24 muestras	3 o más	2	1
LDG	280	Mutaciones en Neoplasias Mieloproliferativas 1 muestra (pool de 24 muestras)	3 o más	2	1
LDG	281	Exoma clínico 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	282	Procesamiento Exoma clínico 4 muestras	3 o más	2	1
LDG	283	Exoma clínico 4 muestras 1 muestra (pool de 4 muestras)	3 o más	2	1
LDG	284	Exoma completo SOPHIA WES 3 muestras	3 o más	2	1
LDG	285	Procesamiento Exoma completo SOPHIA WES 3 muestras	3 o más	2	1
LDG	286	Exoma completo SOPHIA WES 1 muestra (pool de 3 muestras)	3 o más	2	1
LDG	287	CAS-36 24 muestras	3 o más	2	1
LDG	288	Procesamiento CAS-36 24 muestras	3 o más	2	1
LDG	289	CAS-36 1 muestra (pool de 24 muestras)	3 o más	2	1
LDG	290	CAS-36 36 muestras	3 o más	2	1
LDG	291	Procesamiento CAS-36 36 muestras	3 o más	2	1
LDG	292	CAS-36 1 muestra (pool de 36 muestras)	3 o más	2	1
LDG	293	CAS-36 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	294	Procesamiento CAS-36 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	295	CAS 36 1 muestra pool 12 muestras	3 o más	2	1
LDG	296	BRCA Ampliseq 8 muestras somático	3 o más	2	1
LDG	297	Procesamiento AMPLISEQ 8 muestras Somático	3 o más	2	1
LDG	298	1 muestra AMPLISEQ pool de 8 muestras Somático	3 o más	2	1

LDG	299	BRCA Ampliseq 8 muestras Germinal	3 o más	2	1
LDG	300	Procesamiento AMPLISEQ 8 muestras Germinal	3 o más	2	1
LDG	301	1 muestra AMPLISEQ pool de 8 muestras Germinal	3 o más	2	1
LDG	302	BRCA Ampliseq 32 muestras Germinal	3 o más	2	1
LDG	303	Procesamiento AMPLISEQ 32 muestras Germinal	3 o más	2	1
LDG	304	1 muestra AMPLISEQ pool de 32 muestras Germinal	3 o más	2	1
LDG	305	Hereditary Cancer con NFE (8 muestras)	3 o más	2	1
LDG	306	Procesamiento Hereditary Cancer CON NFE 8 muestras	3 o más	2	1
LDG	307	1 muestra Hereditary Cancer CON NFE 8 muestras	3 o más	2	1
LDG	308	Interpretación de reporte clínico de TSC	3 o más	2	1
LDG	309	Interpretación de reporte clínico con alteración del número de copias	3 o más	2	1

LDG	310	Interpretación de reporte clínico	3 o más	2	1
LDG	311	Asesoramiento Genético	3 o más	2	1
LDG	312	TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	3 o más	2	1
LDG	313	Procesamiento TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	3 o más	2	1
LDG	314	TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA (pool de 8 muestras)	3 o más	2	1
LDG	315	TSO500 10 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	316	Procesamiento TSO500 10 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	317	TSO500 10 muestras DNA (pool de 10 muestras)	3 o más	2	1
LDG	318	TSO500 3 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	319	Procesamiento TSO500 3 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	320	TSO500 3 muestras DNA (pool de 3 muestras)	3 o más	2	1
LDG	321	Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	322	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	323	Mieloide AmpliSeq 6 muestras pareadas (DNA-RNA) (pool de 6 muestras)	3 o más	2	1
LDG	324	Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	325	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	326	Mieloide AmpliSeq 11 muestras pareadas (DNA-RNA) (pool de 11 muestras)	3 o más	2	1
LDG	327	Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	328	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	329	Mieloide AmpliSeq 12 muestras DNA (pool de 12 muestras)	3 o más	2	1
LDG	330	Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	331	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	332	Mieloide AmpliSeq 7 muestras DNA (pool de 7 muestras)	3 o más	2	1
LDG	333	Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	334	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA	3 o más	2	1
LDG	335	Mieloide AmpliSeq 2 muestras DNA (pool de 2 muestras)	3 o más	2	1
LDG	336	Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	337	Procesamiento Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA)	3 o más	2	1
LDG	338	Mieloide AmpliSeq 2 muestras pareadas (DNA-RNA) (pool de 2 muestras)	3 o más	2	1

C. SERVICIOS DE DESARROLLO TECNOLÓGICO

SSG	339	Consultor Bioingeniería Senior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SSG	340	Consultor Bioingeniería Junior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SSG	341	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta monocal (x pipeta)	15 o más	6 a 14	Hasta 5

SSG	342	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta multicanal (x pipeta)	15 o más	6 a 14	Hasta 5
SSG	343	Mantenimiento preventivo de equipo de laboratorio (x hora)	16 o más	5 a 15	Hasta 4
SSG	344	Sistema de medición de red fría (por sensor)	16 o más	5 a 15	Hasta 4
SSG	345	Monitoreo de red fría (x hora)	16 o más	5 a 15	Hasta 4
SB	346	Consultor Bioinformático Junior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16

SB	347	Consultor Bioinformático Senior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	348	Servicios de alta demanda o recurrentes (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	349	Servicio especializado (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	350	Análisis on premise (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	351	Formación in situ (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	352	Almacenamiento SATA x 1 GB (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	353	Almacenamiento SSD x 1 GB (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	354	Memoria RAM x 1 GB (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SB	355	Procesadores x 1 núcleo (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	356	Desarrollo de Software Senior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	357	Desarrollo de Software Junior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	358	Mantenimiento de Aplicativo (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	359	Software como servicio (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	360	Migración de Base de Datos (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	361	Mantenimiento de Base de Datos (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	362	Base de Datos como servicio (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	363	Consultoría de Desarrollo de Software Senior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
SAE	364	Consultoría de Desarrollo de Software Junior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
STI	365	Consultor TI Junior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
STI	366	Consultoría TI Senior (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
STI	367	Mantenimiento preventivo (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
STI	368	Hosting sitio web estático (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
STI	369	Hosting sitio web dinámico (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
STI	370	Instalación de software (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
STI	371	Configuración y puesta en marcha de equipo de cómputo (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
STI	372	Administración servidor (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16
STI	373	Transmisión de evento (x hora)	60 o más	17 a 59	Hasta 16

D. SERVICIOS DE CONSULTORÍA

DI	374	Senior Científica, por hora	60 o más	17 a 59	Hasta 16
DI	375	Junior Científica, por hora	60 o más	17 a 59	Hasta 16
DVDI	376	Consultoría en gestión y transferencia de tecnología, por hora	60 o más	17 a 59	Hasta 16
DVDI	377	Análisis de patentabilidad de resultados de Investigación	3 o más	2	1
DVDI	378	Análisis tecnológico comercial de resultados de investigación	3 o más	2	1
DVDI	379	Redacción de solicitud de patente	3 o más	2	1
DVDI	380	Redacción de solicitud de modelo de utilidad	3 o más	2	1
DVDI	381	Vigilancia Tecnológica Exploratoria/Benchmarking Tecnológico	3 o más	2	1
DVDI	382	Estudio preliminar de mercado/Quicklook/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	3 o más	2	1
DVDI	383	Mapa de Ruta Tecnológica completo (con mayor grado de detalle)	3 o más	2	1
DVDI	384	Modelo de Negocio (Business Model Canvas) y Ruta de Comercialización (Commercialization Roadmap)/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	3 o más	2	1
DVDI	385	Mapa de Ruta Tecnológica por sesión	3 o más	2	1

Anexo II

Política específica de servicios de la Dirección de Enseñanza y Divulgación (DED)

Sin cambio
Con

modificación

I. Debido a las condiciones cambiantes del mercado y a las necesidades particulares de las actividades académicas de Enseñanza y Divulgación, es que se clasifican las tarifas en cuatro Niveles en función de la modalidad y la duración de la Actividad Académica. **Con modificación**

2. Definiciones y equivalencias: **Sin cambio**

2a. Actividad Académica en línea/ virtual / presencial: Se refiere a cursos, talleres, diplomados y congresos, más aquellos que la DED identifique como tales. **Con modificación**

2b. Un día de actividad académica presencial equivale a 8 horas. **Sin cambio**

2c. Si la actividad académica (presencial, virtual o en línea) supera el rango de horas o día establecido en este catálogo, el costo total se obtendrá de la siguiente forma aplicándose para todos los niveles del tabulador. **Sin cambio**

Para actividad académica virtual o en línea: **Sin cambio**

Costo del rango de horas más alto + Costo del rango de horas correspondientes a lo faltante para completar el total de la duración de la actividad = Costo total de la actividad con base en el número de horas. **Sin cambio**

Para actividad académica presencial: Se multiplicará el costo asignado por nivel por el número de días que dure la actividad. **Sin cambio**

3. Para el servicio de Actividad Académica (presencial, virtual o en línea) se aplicará el Nivel correspondiente al tipo de perfil como se describe a continuación: **Con modificación**

Nivel del Tabulador	Tipo de perfil
1	Empleados del Inmegen y alumnos del Programa de Participación Estudiantil
2	Estudiantes e instituciones públicas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones públicas
3	Estudiantes e instituciones privadas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones privadas
4	Público en General y Organizaciones Privadas

Con modificación

Con modificación

Con modificación

Con modificación

Requisitos para avalar el perfil: **Sin cambio**

3a. Empleados del Inmegen y alumnos del Programa de Participación Estudiantil. **Con modificación**

Empleados del Inmegen: Presentar credencial vigente del Instituto. **Con modificación**

Alumnos del Programa de Participación Estudiantil: Presentar credencial vigente del Instituto y estar debidamente registrado y en estatus "activo" en cualquiera de las estancias académicas del Programa de Participación Estudiantil (registrado en el Sistema de Administración Escolar). **Con modificación**

3b. Estudiantes e instituciones públicas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones públicas. **Con modificación**

Estudiantes: Presentar credencial vigente de su institución educativa y/o un documento emitido por la institución **Con**

(constancia, certificado de estudios, etc.) donde se avale el perfil de estudiante activo.

modificación

Instituciones con convenios vigentes de colaboración académica: En este rubro se considera a toda persona que pertenezca a alguna institución pública con convenio de colaboración con el Inmegen. Se le solicitará credencial vigente o algún documento que avale su pertenencia a la institución para cotejar la información.

Con modificación

Médicos residentes: Presentar credencial vigente de la institución privada en la cual esté realizando su residencia, o algún documento que lo acredite como médico residente.

Con modificación

3c. Estudiantes e instituciones privadas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones privadas.

Con modificación

Estudiantes: Presentar credencial vigente de su institución educativa y/o un documento emitido por la institución (constancia, certificado de estudios, etc.) donde se avale el perfil de estudiante activo.

Con modificación

Instituciones con convenios vigentes de colaboración académica: En este rubro se considera a toda persona que pertenezca a alguna institución privada con convenio de colaboración con el Inmegen. Se le solicitará credencial vigente o algún documento que avale su pertenencia a la institución para cotejar la información.

Con modificación

Médicos residentes: Presentar credencial vigente de la institución privada en el cual esté realizando su residencia, o algún documento que lo acredite como médico residente.

Con modificación

3d. Público en General y Organizaciones Privadas

Con modificación

Público en General: Para las actividades académicas que requieran un perfil específico, deberán presentar documento probatorio que se solicite según sea el caso (Título, cédula profesional u otro).

Con modificación

Organizaciones Privadas: Credencial vigente de la empresa a la que pertenezca.

Con modificación

4. Perfil TASA CERO en el cobro

Con modificación

Estudiantes y trabajadores: Presentar credencial vigente de su institución y/o un documento emitido por la institución (constancia, certificado de estudios, etc.) donde se avale el perfil activo, cartas de exposición de motivos y de recomendación para solicitud TASA CERO en el cobro.

Con modificación

Carta de aceptación de la solicitud TASA CERO en el cobro emitida por la DED, obtenida en la evaluación de los documentos presentados por el interesado.

5. Constancias

Con modificación

El usuario pagará las constancias de actividades académicas (presencial, virtual o en línea) con aval universitario u otro que lo requiera, independientemente del Nivel del Tabulador correspondiente por la actividad.

Con modificación

6. Facturación

Con modificación

Para la facturación por los servicios contratados, deberá entregar en tiempo y forma los datos que solicite la Dirección de Administración.

Con modificación

Emitido en México, Ciudad de México, a 17 de diciembre de dos mil veinte.- El Director General, **Luis Alonso Herrera Montalvo**.- Rúbrica."

(R.- 503180)